## (19) 世界知的所有権機関 国際事務局 (43) 国際公開日 2006 年4 月27 日 (27,04,2006)



## 

PCT

(10) 国際公開番号 WO 2006/043710 A1

### (51) 国際特許分額:

C07C 211/27 (2006.01) C12N 15/09 (2006.01) A61K 31/40 (2006.01) A61K 45/00 (2006.01) A61P 25/00 (2006.01) A61P 25/28 (2006.01) C07K 14/47 (2006.01) C12N 1/15 (2006.01) C12N 1/19 (2006.01)

(21) 国際出願番号:

PCT/JP2005/019645 2005年10月19日(19.10.2005)

(22) 国際出願日:

日本語

(25) 国際出願の言語:

日本語

(26) 国際公開の言語:(30) 優先権データ: 特願 2004-304864

1 2004年10月19日(19.10.2004)

2004年10月19日(19.10.2004) ア(71) 出願人(米国を除く全ての指定国について): 株式

会社リバース・プロテナミクス研究所 (REVERSE PROTEOMICS RESEARCH INSTITUTE CO., LTD.) [JPJ/P]: 792-0818 千葉県 木更津市かずさ鎌足2丁 目6番地7 Chiba (JP).

(72) 発明者;および

(75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 山内 忠一 (YA-MAUCHI, Tadakazu) [JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木更

津市 かずさ鎌足2丁目6番地7 株式会社リパー ス・プロテオミクス 研究所内 Chiba (JP). 末岡 英明 (SUEOKA, Hideaki) [JP/JP]; 〒554-0022 大阪府 大阪市 此花区春日出中3丁目1番98号大日本住友製薬株 式会社 研究本部 ゲノム科学研究所内 Osaka (JP). 土屋 耕一 (TSUCHIYA, Kouichi) [JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木更津市かずさ鎌足2丁目6番地7株式会社リバー ス・プロテオミクス 研究所内 Chiba (JP). 村山 一久 (MURAYAMA, Katsuhisa) [JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木更津市かずさ餅足2丁目6番地7株式会社リバー ス・プロテオミクス 研究所内 Chiba (JP). 堀内健 (HO-RIUCHI, Ken) [JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木更津市 か ずき餅足2丁目6番地7株式会社リバース・プロ テオミクス 研究所内 Chiba (JP), 小宮 和雄 (KOMIYA, Kazuo)[JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木更津市 かずさ鎌 足2丁目6番地7株式会社リバース・プロテオミク ス 研究所内 Chiba (JP). 鬼頭 守和 (KITO, Morikazu) [JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木更津市 かずさ鎌足 2 丁 日6番地7株式会社リパース・プロテオミクス研 究所内 Chiba (JP). 堤 閘 (TSUTSUMI, Takeshi) [JP/JP]; 〒532-8514 大阪府 大阪市 淀川区加島 2-1-6 アス テラス製薬株式会社 薬理研究所内 Osaka (JP). 五十 野 祐子 (ISONO, Yuko) [JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木 更津市かずさ鎌足2丁目6番地7株式会社リバー ス・プロテオミクス 研究所内 Chiba (JP). 諏訪 頼正 /綾葉有/

(54) Title: DRUG DEVELOPMENT TARGET PROTEIN AND TARGET GENE, AND METHOD OF SCREENING

(54)発明の名称: 創薬標的タンパク質及び標的遺伝子、並びにスクリーニング方法

$$R^{8}$$
 $R^{6}$ 
 $R^{6}$ 
 $R^{6}$ 
 $R^{6}$ 
 $R^{7}$ 
 $R^{6}$ 
 $R^{6}$ 
 $R^{7}$ 
 $R^{6}$ 
 $R^{7}$ 
 $R^{6}$ 

(57) Abstract: A novel drug development target protein and gene, and, using these, means for developing a novel planmaceutical. In particular, there are provided an NCS portion and a gene therefor, a method of screening a drug (for example, sari-central neurologic disease) gent); a regulator of diseases (for example, central neurologic disease); a process for producing drug derivatives; a complex containing a drug and an NCS protein, and a process for producing the same; a kit including a drug or is sait; a method of determining the sensitivity to drugs, and a determination kit for use in the methods; etc. Further, there is provided a compound, or its sait, capable of binding to NCS proteins, represented by the following formula (1), and provided a therapoutic or preventive agent for demental comprising the compound of the formula (1) or pharmaceutically acceptable sait thereof as an active ingredient. (wherein R1-R8 represent hydrogen atoms, etc.)

(SUWA, Yorimasa) [JP/JP]; 〒292-0818 千葉県 木更津市 かずさ鏡足 2 丁目 6 番地 7 株式会社リバース・プロテオミクス 研究所内 Chiba (JP).

- (74) 代理人: 高島 (TAKASHIMA, Hajime); 〒541-0044 大阪府 大阪市 中央区伏見町四丁目 1番 1号 明治安 田生命大阪御堂筋ビル Osaka (JP)。

(84) 指定国 (展示のよい幅 リ、全 ての種類の広域管理が可 憩: ARIPO (部以 GH, GH, KE, LS, MW, ALX, NS, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM, 3 = ローッド (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, IEE, BS, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IS, TI, TL, IL, IJ, M, CM, II, PJ, FR, OS, SI, SK, TR), OAPI (BF, B), CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, MI, MR, NE, SN, TD, TG).

#### 添付公開書類: 一 国際調査報告書

2文字コード及び他の略語については、定期発行される 各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語 のガイダンスノート」を参照。

#### (57) 要約:

本発明は、新規の創薬標的タンパク質および遺伝子、ならびにこれらを用いる新規医薬を開発し得る手段を提供する。より詳細には、本発明は、NC Sタンパク質およびその遺伝子、薬物(例えば、計中枢神経疾患)の野部別: 薬物誘導体のリーニング方法: 炭患 (例えば、中枢神経疾患)の閉節剤: 薬物誘導体の薬方法: 薬物とNCSタンパク質とを含む複合体、およびその製造方法: 薬物をNCSタンパク質とを含む複合体、およびその製造方法: ないまないない。 は、薬物に対する感受性の判定方法、および核対法に用いられる判定用キットなどを提供する。

また、本発明は、下記式(I)で表されるNCSタンパク質に対する結合 能を有する化合物またはその塩、並びに式(I)で表される化合物またはそ の医薬として許容される塩を有効成分として含有する認知症の治療または予 防薬を提供する。

(上記式中、R1-R8は水素原子等を表す。)

25

1

#### 明細書

# 創薬標的タンパク質及び標的遺伝子、並びにスクリーニング方法 技術分野

本発明は、抗中枢神経疾患薬等の創薬の標的タンパク質および標的遺伝子; 5 抗中枢神経疾患薬等の薬物のスクリーニング方法および該スクリーニング方法 により得られる物質;中枢神経作用等の薬理作用の調節剤;薬物の誘導体およ び該誘導体の製造方法;ならびに薬物とその標的タンパク質とを含む複合体お よび当該複合体の製造方法などに関する。

### 背景技術

10 アルツハイマー症 (AD) は全世界で 1500 万人以上が罹患しており、平均 寿命が延びるに従って、今後も増加すると予想されている痴呆性疾患である。 一方、ダウン症は、21番染色体のトリソミー (3コピー) が原因で発生する 遺伝性疾患であり、ダウン症患者は成長と共に徐々にAD様の変化が脳に現れ、 熱年層のダウン症患者の多くでADが発症することが知られている。認知症予 助は高齢化社会において重大な課題であり、その効果的な予防薬が強く望まれ ている。

HMG-CoA (3-hydroxy-3-methylglutarylcoenzyme A) 還元酵素阻害 剤であるコレステロール低下薬のスタチン類に、アルツハイマー病発生率を大幅に低減する効果があることが最近の疫学研究で明らかにされてきており、ス 20 タチン類による認知症予防の期待が高まっている。一方、LDLコレステロール低下とADとを結ぶ作用機作については謎のままであり、むしろスタチン類によるAD発生率の低下には、HMG-CoA 還元酵素以外の標的分子が関与しているのではないかと推測されており、認知症予防に向けた理論的な創薬を行うにはスタチン類の認知症関連の標的分子を明確にする必要がある。

一方、近年、世界的なレベルで様々な生物のゲノム配列の解明とその解析が 進められており、特にヒトのゲノムについては世界的な協力体制のもとでその 解析が進められて、2003年4月に全配列解析の終了が宣言された。全ゲノ ム配列が解明されたことにより、全ての遺伝子の機能や制御、あるいは遺伝子間、タンパク質間、細胞間さらには個体間における相互作用のネットワークとして複雑な生命現象を解析することが可能になりつつある。このようなゲノム情報は単に学術分野における重要性のみならず、医薬品開発等の各種産業にも

5 大きな変革をもたらしている。

しかし、ゲノム情報のような大量のデータに対応するためのインフラ整備と、 15 臨床開発費用の高騰等によって、製薬企業の研究開発費はますます増大しているにも関わらず、新薬の承認数はむしろ減少する傾向にある (Nature Reviews; Drug Discovery, Feb, 2003)。これは、上記のようなゲノム情報の活用が実際には効率的に行われていないことを示している。

これらの状況を解決するための手段として、永島らは「医療および他の用途 20 に用いる化合物の発見および創製のための方法、システム、装置、および機 器」を発明し、特許出願した(特表2004-509406号公報)。

この出願では、化合物とタンパク質との相互作用を評価するために有用でありかつ医療および他の分野における化合物の発見を目的とするそのような評価の結果として生ずる情報を利用するために有用な方法、システム、データベー25 ス、ユーザーインターフェース、ソフトウェア、媒体、およびサービスが開示されており、さらに創事のための新規種的タンパク質の非常に大きなプール。

新規薬物を設計するための新規な方法および治療的な目的のための従前には思 いもよらない仮想的に合成された低分子のプールを生成することをめざした。

具体的には、この出願には、以下の段階を含む、新規の創薬標的として適当 であるタンパク質または部分タンパク質を同定する方法:

- 5 (i)選択された標的化合物に対して所望の親和性および特異性をもつ複数の タンパク質または部分タンパク質を選択する段階;
  - (ii) 該タンパク質または該部分タンパク質の構造および機能を特定する段 階:および
- (iii) 所望の機能をもつ単一タンパク質または単一部分タンパク質を選択 10 する段階

であり、また、以下の段階を含む、薬物の発見方法:

- (i)上記の方法を用いて選択された該標的化合物の化学構造を検討する段 階:および
- (ii) 選択された該標的化合物の構造を化学的に修飾して、新規の薬物標的 15 として適当である該タンパク質または該部分タンパク質に対して、修飾された 化合物の親和性および特異性を最適化する段階 が開示されていた。

さらにここで開示された方法の特徴は、選択された該標的化合物が医療用と して承額されたものであることであった。

20 従来、使用されてきた医薬品には、その標的タンパク質が知られていないもの、あるいは標的タンパク質が知られていても、そのタンパク質を介したメカニズムでは、その医薬品の薬効や副作用のすべてを説明できないもの、が数多く存在する。

代表的な例として、最も古くから使われてきた医薬品のひとつであるアスピ リンの例を挙げることができる。アスピリンは 100 年以上前にはじめて市販 された当時は、その抗炎症作用のメカニズムは不明であった。それから約 70 年を経て、アスピリンがシクロオキシゲナーゼ (COX) 阻害作用を有すること が明らかになった。その後さらに 20 年を経て、COX には COX-1 と COX-2 のサブタイプが存在し、アスピリンの主薬効は COX-2 阻害によるものであり COX-1 阻害作用が胃腸障害等の副作用の原因 であることが解明された。しかし、それでもまだ、アスピリンの標的タンパク 質の全てが明らかになったわけではない。5 近年、アスピリンに制癌作用や抗認知症作用があることが臨床的に明らかになっているが、これらの薬効は COX 阻害 では説明できない。一方、最近になってアスピリンが IKK β のような転写因 子や PPAR-y のような核内受容体に作用するとの報告が数多くなされているが、これらとアスピリンの種々の薬効との関連は今のところ明確ではない。

10 このようなことから、従来使用されてきた医薬品の標的タンパク質を解明することは、新規の創薬標的タンパク質を発見するうえで、非常に有効な方法であるといえる。

また、上記の公開特許の発明者の一人である平山らは、日本国内で市販されている約1,500種類の医薬品について、それらの構造と物性データを統合し

15 たデータベースを作成し、既存の医薬品化合物に共通の構造的な特徴があることを見出している (Chem-Bio Informatics Journal, 1, 18-22, 2001)。 従来汎用されてきた医薬品は、その開発過程において、体内移行性や安全性の問題をクリアしてきた優等生である。それら医薬品をプローブとして新規標的タンパク質探索を行い、さらにそれら医薬品の構造を基に新規開発候補化合物を20 考案することは、非常に合理的かつ効率的と考えられる。

次に、新規標的タンパク質を探索する過程において、どのようにゲノム情報を活用していくかが問題となる。単にゲノム配列が決定されただけで、全ての遺伝子の機能が明らかになり、創薬標的タンパク質が見出されるわけではない。 ヒトには約3~4万種類の遺伝子が存在すると推測されており、さらにオルタ プティブスプライシングによるパリアントも考慮に入れると10万種以上のm RNAが存在すると言われている。そこで、ゲノム配列から明らかにされてく る膨大な量の新しい遺伝子のなかで、医薬品開発等の産業利用において有用な 機能を有するものを、効率的に選別同定していくことが重要となる。

真核生物のゲノム配列は多くの場合、一つの遺伝子がイントロンによって複数のエキソンに分断されているため、遺伝子の配列情報だけからそれによって コードされるタンパク質の構造を正確に予測することはできない。これに対して、イントロンが除かれたmRNAから作製される。DNAでは、タンパク質のアミノ酸配列の情報が一つの連続した配列情報として得られるため、容易にその一次構造を明らかにすることが可能である。

特に完全長。DNAを対象とした解析を行うことにより、その5,末端配列10 からゲノム配列上でのmRNA転写開始点が特定できる上、その配列の中に含まれるmRNAの安定性や翻訳段階での発現制御に関わる因子の解析が可能である。また、翻訳開始点であるATGコドンを5,側に含むことから、正しいフレームでタンパク質への翻訳を行うことができる。したがって、適当な遺伝子発現系を適用することで、その。DNAがコードするタンパク質を大量に生産したり、タンパク質を発現させてその生物学的活性を解析することも可能になる。このように、全長。DNAから発現されたタンパク質を用いた解析を行うことにより、ゲノム配列解析のみでは得られない重要な情報が得られ、さらには従来の創事機的タンパク質の範疇に属さないような新規標的タンパク質を発見することが可能であると考えられる。

20 ところで、USP 出願 20030159158 (Nef, Patrick, August 21, 2003) は、 NCSの一種であるNCS1を標的とするNCS1アゴニストのスクリーニン グ方法を開示している。しかし、NCSには複数の分子種が存在し、それらが 脳神経組織,分泌組織,免疫関連細胞、血管上皮などの各種組織で特異的にあ るいは相補的に発現し、多様な機能に関与している。従って、NCSファミリ 25 一を標的とした新規医薬品化合物を効率的に創出するためには、NCS結合に 好適な構造の化合物を対象としたスクリーニングあるいはデザインが欠かせな い。本発明は、NCS結合に好適な構造を開示するものであり、しかもその多 くが汎用医薬品に存在する構造モチーフであることから、本発明が開示する構造を出発点とすることにより薬効および安全性の高い化合物を効率的にスクリーニングあるいはデザインすることが可能となる。さらに、USP 出願20030159158では、NCS1を標的としたスクリーニング方法が開示されているが、本出願のNCS結合化合物およびそのスクリーニング方法は、中枢神経疾患、特にアルツハイマー症などの認知症との関連が指摘されている VILIPSファミリー (クラスB) に属するニューロカルシン δ およびヒ トヒポカルシン類似タンパク質1 (Human Hippocalcin-like protein 1 あるいは Visinin-like protein 3 あるいは VILIP-3)を対象としており、認知症を中心とした10 中枢神経疾患の治療薬開発に特に好適である。ただし、本発明で開示されるNCS結合化合物は、VILIPSファミリー (クラスB) に限定されるものではなく、NCS1を含めたNCSファミリー全般に結合する化合物を包含している。楽明の開示

本発明は、創薬の標的タンパク質およびこれと結合しうる化合物、標的遺伝 15 子、並びにこれらを利用する新規医薬を開発し得る種々の手段などを提供する ことを目的とする。

本発明者らは、ヒトタンパク質と医薬品として使用されてきた化合物の相互作用をSEC一MS法で解析することにより、新規医薬の開発に有用であり得る新規創薬標的タンパク質について鋭意探索したところ、神経 特異的カルシウ 20 ムイオンセンサータンパク質 (NCSタンパク質) が創薬、例 えば抗中枢神経疾患薬の標的タンパク質の1つであり得ることを見出した。この知見より、本発明者らは、NCSタンパク質に結合しうる化合物、または、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節する物質が、薬物として有用であり得る物質であること、並びに薬物、例えば抗中枢神経疾患薬を開発するためには、NC Sタンパク質遺伝子の発現または機能を調節する物質をスクリーニングすればよいこと、あるいはNCSタンパク質に結合してその機能を調節しうるか、または、NCSタンパク質遺伝子の機能を調節しるか、または、NCSタンパク質遺伝子の機能を調節した。

の発現または機能を調飾し得るように薬物を誘導体化すればよいことを着想し、 本発明を完成するに至った。

即ち、本発明は、下記の通りである:

[1] 以下の式 (I) ~ (VIII) からなる群から選ばれる 化合物である、N C S タンパク質に対する結合能を有する化合物またはその塩;

(式中、R¹は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスルファニル;ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換ア10ミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のブルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;あるいは5

-CO-R°(ここで、R°は、炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル; あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよび4-ヒドロキシフェニルからなる群から選択される 1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダゾリル、ピフェニル、チエ

1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアル キル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダゾリル、ビフェニル、チエ ニル、ベンソチエニルまたはベンソフリルを示す。);を示し、 R<sup>2</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖

または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル
10 ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換
アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン
化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択
される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐
のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ

15 ェニルオキシ、フェニルスルファニル、炭素数  $7 \sim 1$  2 のフェニルアルキル、 炭素数  $8 \sim 1$  2 のフェニルアルケニルまたは炭素数  $7 \sim 1$  2 のフェニルアルキ ルオキシ;を示し、

R°は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル20ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置検アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ

25 ェニルスルファニル、炭素数  $7 \sim 12$ のフェニルアルキル、炭素数  $8 \sim 12$ のフェニルアルケニルまたは炭素数  $7 \sim 12$ のフェニルアルキルオキシ;を示し

 $R^4$ は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数 $1\sim7$ の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスルファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モー置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン

5 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フェニルスルファニル、フェニルイミノ、炭素数7~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキ10 ルオキシ:を示し、

R  $^{5}$ は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐の

アルキル:あるいはハロゲン化アルキル;を示し、

R<sup>6</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル:ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル

15 ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ

20 ェニルスルファニル、炭素数 $7\sim12$ のフェニルアルキル、炭素数 $8\sim12$ のフェニルアルケニルまたは炭素数 $7\sim12$ のフェニルアルキルオキシ;を示し

R<sup>1</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキン、アミノ、モノ置換 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ ェニルスルファニル、炭素数7~12のフェニルアルキル、炭素数8~12の フェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し

5

R®は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アルキルスルファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、ハロゲン化アルキルおよびアルキルオキシからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキルまたは炭素数1~7の直鎖ま10 たは分岐のアルキルオキシを示し、

但し、R<sup>2</sup>とR<sup>4</sup>、R<sup>3</sup>とR<sup>6</sup>、R<sup>8</sup>とR<sup>7</sup>、およびR<sup>7</sup>とR<sup>8</sup>はそれぞれ繋がって 、独立に、ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アミノ;モノ置換アミノ;ジ 置換アミノ;ハロゲン化アルキル;アルキルスルファニル;ベンズイミダソロ ニル;ならびにハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ

- 15 、ジ置換アミノ、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から 選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または 分岐のアルキルまたは炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシからな る群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい環を形成してもよい 。〕
- 20 [2]以下の式(I)~(VIII)からなる群から選ばれる化合物またはその医薬として許容される塩を有効成分として含有することを特徴とする、認知症の治療または予防薬;

(式中、R¹は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスルファニル;ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換ア 5 ミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェルスルファニル、炭素数8~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;あるいは一CO一R°(ここで、R°は、炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;た「ロギン、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよび4−ヒドロキシフェニルからなる群から選択される15 1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアル

キル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、ビフェニル、チエ ニル、ベンソチエニルまたはベンソフリルを示す。);を示し、

R<sup>2</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル5ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキン、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル・フェニルスルファニル、炭素数1~12のフェニルアルキル、

炭素数  $8\sim1$  2 のフェニルアルケニルまたは炭素数  $7\sim1$  2 のフェニルアルキルオキシ;を示し、

R®は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル15ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ:を示しフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ:を示し

R<sup>4</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル 25 ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ ェニルスルファニル、フェニルイミノ、炭素数7~12のフェニルアルキル、 炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキ 5 ルオキン:を示し、

 $R^{5}$ は、水素原子; ハロゲン原子; シアノ; 炭素数  $1 \sim 5$  の直鎖または分岐のアルキル: あるいはハロゲン化アルキル; を示し、

R®は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル
10 ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し

R'は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル20ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキン、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し

 $R^{s}$ は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アルキルスルプァニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、ハロゲン化アルキルおよびアルキルオキシからなる群から選択される $1\sim3$  個の置換基を有していてもよい、炭素数 $1\sim7$ の直鎖または分岐のアルキルまたは炭素数 $1\sim7$ の直鎖ま

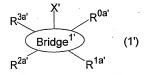
5 たは分岐のアルキルオキシを示し、

但し、R°とR4、R°とR6、R°とR7、およびR7とR8はそれぞれ繋がって、独立に、ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アミノ;モノ置換アミノ;ジ置換アミノ;ハロゲン化アルキル;アルキルスルファニル;ベンズイミダソロニル;ならびにハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から避択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルまたは炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい環を形成してもよい。〕

[3] 以下の式 (1') ~ (11') からなる群から選ばれる化合物である、N CSタンパク質に対する結合能を有する化合物またはその塩;

式(1'):

15



〔式中、Bridge¹ は、下記式 (la') ~ (lj'):

からなる群から選択されるプリッジ構造を示し、

R<sup>1</sup>・ は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 5 いてもよいフェニル: あるいはR<sup>4</sup>・ で置換されたフェニルを示し、

R<sup>2</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、 ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリル;あるいはた<sup>5 s</sup>で で 個換されたフェニル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニ ルまたはベンソフリルを示し、

R<sup>3・</sup>は水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原
5 子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ
、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1
~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピベリジニル、
ピベラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;

10 あるいは $R^{6*}$ ・で置換された炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数 $3\sim7$ のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、X・は水素原子または炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキルを示し、但し、 $R^{0*}$ 、 $R^{4*}$ 、 $R^{8*}$  および $R^{6*}$  のいずれか1つは、式(1B)  $\sim$ 

15 (1 D) :

(式中、 $X^{\mathfrak{o}\,\mathfrak{o}'}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。〕で表される化合物; 式(2'):

5 (式中、 $X^1$  は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレン、炭素数 $2\sim5$ の直鎖または分岐のアルケニレンまたは炭素数 $2\sim5$ の直鎖または分岐のアルケニレンを示し、 $X^2$  および $X^3$  はそれぞれ独立に、炭素数 $1\sim3$ の直鎖ま

ルまたはベンゾフリルを示し、

25 :

たは分岐のアルキレン、炭素数2または3の直鎖または分岐のアルケニレンま たは炭素数2または3のアルキニレンを示す。)からなる群から選択されるブ リッジ構造を示し、

 $R^{1b}$  は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 5 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基 を有して いてもよいフェニル: あるいは $R^{4b}$  で置換されたフェニルを示し、

R<sup>25</sup> は炭素数 1 ~ 9の直鎖または分岐のアルキル; 炭素数 1 ~ 9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 詳から選択される 1 ~ 3 個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数 3 ~ 7 のシクロアルキル、炭素数 7 ~ 1 1 のフェニルアルキル、イミダンリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリル; あるい は R<sup>55</sup> で置換されたフェニル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、イングチエニ

15 R³b' は水素原子; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、

20 ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル; あるいは $R^{\mathfrak{s}\mathfrak{b}}$  で置換された炭素数 $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数 $3\sim7$ のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、 但し、 $R^{\mathfrak{s}\mathfrak{b}}$ 、 $R^{\mathfrak{s}\mathfrak{b}}$ 、および $R^{\mathfrak{s}\mathfrak{b}}$  のいずれか1つは、式(2 B)  $\sim$  (2 D)

(式中、 $X^{06}$ ) は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。〕で表される化合物;式 (3'):

[式中、Bridge<sup>3</sup>'は、下記式(3a')~(3f'):

(式中、 $X^4$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示し、 $R^{7\,\circ}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキルを示す。) からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

5 R<sup>1</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよいフェニル;あるいはR<sup>4</sup> で置換されたフェニルを示し、R<sup>2</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換ア10 ミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリル;あるいはR<sup>5</sup> で置換されたフェニル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニ15 ルまたはベンソフリルを示し、

R<sup>3 c</sup> は水素原子; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキ5 ル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピロリジニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ペンズイミダソロニルまたはモルフォリニル; あるいはR<sup>6 c</sup> で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピロリジニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニル10 またはモルフォリニルを示し、

但し、 $R^{6e'}$ 、 $R^{6e'}$ 、 $R^{6e'}$  および $R^{7e'}$  のいずれか1つは、式( 3B)  $\sim$  (3D) :

(式中、 $X^{\circ\circ}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) から 15 なる群から選択される基であり得る。)で表される化合物;

式(4'):

[式中、R<sup>14</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3 個の置換基を有していてもよいフェニル;あるいはR<sup>44</sup> で置換されたフェニルを示し、R<sup>24</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の 直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよびR<sup>54</sup> からなる群から選択される1~3 個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル

、イミダゾリル、ビフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル

10 を示し、R 4 d'は式 (d 1'):

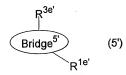
(式中、 $X^{\mathfrak{s}}$  は炭素数 $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) で表 される基であり得、

R 5 d' は、4 - ヒドロキシフェニルを示し、

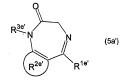
15 但し、R<sup>4d'</sup>およびR<sup>5d'</sup>のいずれか1つは、式(4B)~(4D):

(式中、X<sup>04′</sup>は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)から なる群から選択される基であり得る。〕で表される化合物;

式 (5'):



〔式中、Bridge<sup>5</sup> は、下記式(5a'):



(式中、R²\*'は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、
 シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、ベンゼン、炭素数3~7のシクロアルカン、イミダゾール、ビフェニル、チオフェン、ベンゾチオフェンまたはベンゾフラン;あるいはR⁵\*'で置換されたベンゼン、イミダゾール、ビフェニル、チオフェン、ベンゾチオフェンまたはベンゾフランを示す。)で表されるブリッジ構造を示し

 $R^{1*}$  は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよいフェニル;あるいは $R^{4*}$  で置換されたフェニルを示し、

15 R³・・は水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキ

ル、炭素数 3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ビベリジニル、ビベラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;あるいは R <sup>6 e \*</sup> で置換された炭素数 1~5 の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数 3~7 のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ビベリジニル、ビベラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、但し、R <sup>3 e \*</sup>、R <sup>5 e \*</sup> および R <sup>6 e \*</sup> のいずれか1つは、式(5 B)~(5 D):

(式中、X°・は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)から 10 なる群から選択される基であり得る。)で表される化合物; 式(6');

[式中、Bridge 6 は、下記式 (6a') ~ (6g')

(式中、 $X^{\circ}$ 'および $X^{\circ}$ 'はそれぞれ独立に、炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示し、 $X^{\tau}$ 、 $X^{\circ}$ 、 $X^{1\circ}$ 'および $X^{11}$ 'はそれぞれ独立に、

5 炭素数1~3の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

 $R^{14'}$  は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよいフェニル; あるいは $R^{44'}$  で置換されたフェニルを示し、

10 R<sup>21</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3

 $\sim$ 7のシクロアルキル、炭素数 7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、 ピフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル;式(f1'):

で表される基; あるいは $R^{5\,l'}$ で置換されたフェニル、イミダゾリル、ビフェ 5 ニル、チェニル、ベンゾチェニルまたはベンゾフリルを示し、

但し、R<sup>41</sup> およびR<sup>51</sup> のいずれか1つは、式(6B)~(6D):

(式中、Xº1'は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。] で表される化合物;

## 10 式 (7'):

$$\begin{array}{c|c}
R^{3g'} \\
\hline
Bridge^{7'} \\
R^{2g'} R^{1g'}
\end{array}$$
(7')

[式中、Bridge<sup>7</sup>は、下記式 (7a'):

(7D):

$$R^{3g'}$$
 $X^{12'}$ 
 $R^{2g'}$ 
 $R^{1g'}$ 

(式中、 $X^{12}$ は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) で表されるブリッジ構造を示し、

R¹゚゚ は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、
 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよいフェニル:あるいはR゚゚゚ で置換されたフェニルを示し、

R<sup>2 & は</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル およびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 10 いてもよい2価のピリダジニル;あるいはR<sup>5 & で</sup>置換された2価のピリダジ ニルを示し。

(式中、X<sup>o</sup>・ は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。] で表される化合物;

下記式 (8a') ~ (8j'):

R<sup>7h</sup> は水素原子; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原 子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、置換イミ ノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される 1~3個の置換基を有していてもよい、フェノチアジニル、フェナジニル、ジ 5 ヒドロフェナジニル、チオキサンセニル、ジベンソオキザゼピニル、フェノキ サジニル、アクリジニル、キサンテニル、チアントレニルまたはフェノキサチ イニル; あるいはR<sup>6h</sup> で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキ ル基、炭素数3~7のフェノチアジニル、フェナジニル、ジヒドロフェナジニ ル、チオキサンセニル、ジベンソオキザゼピニル、フェノキサジニル、アクリ ジニル、キサンテニル、チアントレニルまたはフェノキサチイニルを示し、 個1、R<sup>8h</sup>、R<sup>5h</sup> およびR<sup>6h</sup> のいずれか1つは、式(8B)~(8D)

〔式中、Bridge<sup>9</sup>'は、記式 (9a') および (9b'):

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

5 R<sup>81</sup> は式(i1'):

で表される基を示し、

R®1' は水素原子; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アルコキシカルボニルオキシ、アミノ、10 モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニル、モルフォリニル; あるいはR®i, で置換された炭素数1~5の直鎖ま

たは分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピウェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまた はモルフォリニルを示し、

但し、R<sup>51</sup> およびR<sup>91</sup> のいずれか1つは、式(9B)~(9D):

(式中、X<sup>01</sup> は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択される基であり得る。]で表される化合物; 式(10'):

10 - [式中、Bridge 10'は、記式 (10a') および (10b'):

$$R^{10j}$$
,  $R^{11j}$ ,  $R^{10j}$ ,  $R^{11j}$ ,  $R^{10j}$ ,  $R^{11j}$ ,

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

R 10 j は、式 (j 1'):

$$\begin{array}{c|c} & & \\ & &$$

で表される基を示し、 R<sup>1,1 j'</sup>は、式 (j 2')

5

(式中、X<sup>14</sup> はイソプロピル、イソプチル、secーブチルまたはベンジルを示す。)で表される基; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;あるいはR<sup>81</sup> で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、15 ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、

但し、R<sup>6j'</sup>およびR<sup>11j'</sup>のいずれか1つは、式 (10B) ~ (10D):

(式中、X<sup>01</sup> は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。) で表される化合物;および式(11'):

「式中、R<sup>12k'</sup>は、式 (lla') および (llb'):

からなる群から選択される基を示し、

R13k'は、水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲ 10 ン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換ア ミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択され る1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のア ルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニ ル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル; あるいはR<sup>6</sup>\* で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基 、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピ ペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示 5 し、

但し、R<sup>5k'</sup>およびR<sup>19k'</sup>のいずれか1つは、式(11B)~(11D):

(式中、Xº º I は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。〕で表される化合物。

10 [4] 以下の式 (1) ~ (11) からなる群から選ばれる化合物またはその医薬 として許容される塩を有効成分として含有することを特徴とする、認知症の治 療または予防薬;

## . 式(1):

$$R^{3a}$$

$$R^{2a}$$

$$R^{1a}$$

$$R^{1a}$$

$$R^{1a}$$

15 〔式中、Bridge<sup>1</sup>は、下記式 (la) ~ (lj):

からなる群から選択されるプリッジ構造を示し、

R<sup>1</sup>・は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 5 いてもよいフェニルを示し、

R<sup>2</sup>\*は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モ / 置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチル からなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、

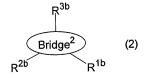
10 炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダ

ソリル、ビフェニル、チェニル、ベンソチェニルまたはベンソフリル;を示し

R<sup>3</sup>\*は水素原子; 炭素数 1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原 子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ

- 5、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1 ~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダゾリル、ベンズイミダゾロニルまたはモルフォリニル;を示し、
- 10 Xは水素原子または炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルを示す。〕で表 される化合物:

式(2):



[式中、Bridge<sup>2</sup>は、下記式 (2a) ~ (2r):

(式中、 $X^1$ は炭素数  $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレン、炭素数  $2\sim5$ の 直鎖または分岐のアルケニレンまたは炭素数  $2\sim5$ の直鎖または分岐のアルキ 5 ニレンを示し、 $X^2$ および $X^3$ はそれぞれ独立に、炭素数  $1\sim3$ の直鎖または 分岐のアルキレン、炭素数 2 または 3の直鎖または分岐のアルケニレンまたは 炭素数 2 または 3 のアルキニレンを示す。) からなる群から選択されるブリッ ジ構造を示し、

 $R^{1b}$ は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、

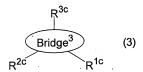
10 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよいフェニルを示し、

 $R^{2b}$ は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよい、フェニル、

5 炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダ ゾリル、ビフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル;を示し

R 3 は水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置10 換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;を示す。〕で表される化合物;

15 式(3):



[式中、Bridge<sup>3</sup>は、下記式 (3a) ~ (3f)

$$R^{3c}$$
 $R^{3c}$ 
 $R^{3c}$ 

(式中、 $X^4$ は炭素数  $1\sim 5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示し、 $R^{7e}$ は炭素数  $1\sim 5$ の直鎖または分岐のアルキル基を示す。) からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

5  $R^{1\circ}$ は炭素数  $1\sim9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim3$  個の置換基を有して いてもよいフェニルを示し、

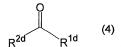
R<sup>2</sup>。は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の 直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モ 10 / 置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチル からなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、 炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダ ソリル、ピフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンソフリル:を示し

15 R<sup>3</sup>では水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置

換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5 の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピロリ ジニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ペンズイミダソロニル

5 またはモルフォリニル;を示す。〕で表される化合物;

## 式(4):



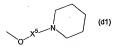
(式中、 $R^{14}$ は炭素数 $1\sim9$ の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される $1\sim3$  個の置換基10 を有していてもよいフェニルを示し、

 $R^{24}$ は炭素数  $1\sim 9$ の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数  $1\sim 9$ の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよび $R^{54}$ からなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよい、フ

15 ェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル 、イミダソリル、ピフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル を示し、

R<sup>4d</sup>は、式(d1):

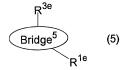
20



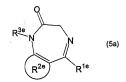
(式中、 $X^5$ は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) で表される基を示し、

R<sup>5d</sup>は4ーヒドロキシフェニルを示す。〕で表される化合物;

式(5):



[式中、Bridge<sup>5</sup>は、下記式 (5a) :



- 5 (式中、R<sup>2</sup>\*は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、ベンゼン、炭素数3~7のシクロアルカン、イミダゾール、ビフェニル、チオフェン、ベンゾチオフェンまたはベンゾフランを示す。
- 10 ) で表されるブリッジ構造を示し、

 $R^{1\circ}$ は炭素数  $1\sim9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim3$  個 の置換基を有していてもよいフェニルを示し、

R<sup>3</sup>では水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハ

15 ロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ 置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5 の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ビベリ

ジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォ リニル;を示す。〕で表される化合物;

### 式(6):

[式中、Bridge<sup>6</sup>は、下記式 (6a) ~ (6g):

(式中、 $X^6$ および $X^8$ はそれぞれ独立に、炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐の アルキレンを示し、 $X^7$ 、 $X^8$ 、 $X^{10}$ および $X^{11}$ はそれぞれ独立に、炭素数1 10 ~3の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択されるブリ ッジ構造を示し、

R<sup>11</sup>は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアリ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して いてもよいフェニルを示し、

R<sup>21</sup>は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル; 炭素数1~9の直鎖また 5 は分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換ア ミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 詳から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3 ~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、 ピフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル; あるいは式(f

10 1):

で表される基;を示す。〕で表される化合物;

式 (7):

15 [式中、Bridge<sup>7</sup>は、下記式 (7a):

$$R^{3g}$$
 $X^{12}$ 
 $HN$ 
 $R^{2g}$ 
 $R^{1g}$ 

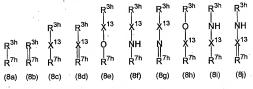
(式中、 $X^{12}$ は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) で表されるブリッジ構造を示し、

R1\*は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 5 いてもよいフェニルを示し、

R<sup>2</sup>\*は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい2価のピリダジニルを示し、

10 R3 は水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示す。1で表される化合物;

下記式 (8a) ~ (8j):



[式中、 $X^{13}$ は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示し、

20 R<sup>3h</sup>は水素原子;あるいはヒドロキシを有していてもよい炭素数1~9の直 鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、 アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲ ン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、 炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、 フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズ イミダソロニルまたはモルフォリニル;を示し、

- 5 R<sup>Ta</sup>は水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、 置換イミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェノチアジニル、フェナジニル、ジヒドロフェナジニル、チオキサンセニル、ジベンソオキザゼピニル、
   10 フェノキサジニル、アクリジニル、キサンテニル、チアントレニルまたはフェ
  - ノキサチイニル;を示す。] からなる群から選ばれる化合物; 式 (9):

Bridge<sup>9</sup> (9)

15

[式中、Bridge<sup>9</sup>は、記式 (9a) および (9b)

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、 R<sup>8i</sup>は式(i1):

で表される基を示し、

R®Iは水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アルコキシカルボニルオキシ、
7 ミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダゾリル、ベンズイミダゾロニル、モルフォリニル;を示す。〕で表される化合物;

#### 10 式(10):

〔式中、Bridge 10は、記式 (10a) および (10b) :

47

からなる群から選択されるプリッジ構造を示し、 $R^{10}$ iは、式(j1):

で表される基を示し、

5 R<sup>1,1</sup>iは、式(j2)

(式中、X14はイソプロピル、イソプチル、secーブチルまたはベンジルを示す。)で表される基;あるいは炭素数1~9の直鎖または分歧のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ 10、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ビベリジニル、ビベラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;を示す。〕で表される化合物;および

15 式(11):

[式中、R<sup>12k</sup>は、式 (Ila) および (Ilb):

からなる群から選択される基を示し、

- 5 R<sup>13\*</sup>は、水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ 置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選 択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分 岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ビベリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;を示す。〕で表される化合物。
  - [5] 被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得るか否かを評価することを含む、薬物のスクリーニング方法。
- [6] 薬物が中枢神経作用、認知症作用またはアルツハイマー病作用の調節薬 15 である、上記[5] に記載の方法。
  - [7] 薬物がNCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調節し得る物質である上記[5] に記載の方法。
  - [8] NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン遺伝子である、上記 [5] に記載の方法。

- · [9] NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン δ 遺伝子である、上記
- [5] に記載の方法。
- [10] 以下の工程 (a)~(c)を含む、上記 [5] に記載の方法:
- (a) 被験物質をN C S タンパク質またはその変異タンパク質に接触させる工

#### 5程;

- (b) 被験物質の存在下における該タンパク質またはその変異タンパク質の機能レベルを測定し、該機能レベルを被験物質の非存在下における該タンパク質またはその変異タンパク質の機能レベルと比較する工程;
- (c) 上配(b) の比較結果に基づいて、該タンパク質またはその変異タンパ 10 夕質の機能レベルの変化をもたらす被験物質を選択する工程。
  - [11] 下記の工程 (a)、(b) 及び(c) を含む、上記 [5] に記載の方法:
  - (a) 被験物質とN C S タンパク質またはそれをコードする遺伝子の発現を測 定可能な細胞とを接触させる工程;
- (b) 被験物質を接触させた細胞における該タンパク質または該遺伝子の発現量を測定し、該発現量を被験物質を接触させない対照細胞における該タンパク質または該遺伝子の発現量と比較する工程;
  - (c)上記(b)の比較結果に基づいて、該タンパク質または該遺伝子の発現 量を調節する被験物質を選択する工程。
- 20 (12) 下記の工程 (a)、(b) 及び(c)を含む、上記[5] に記載の方法:
  - (a) 被験物質をNCSタンパク質またはその変異タンパク質に接触させる工程:
  - (b) 被験物質の該タンパク質に対する結合能を測定する工程;
- 25 (c)上記(b)の結果に基づいて、該タンパク質に対する結合能を有する被 験物質を選択する工程。

- [13] 下記の工程 (a)、(b) 及び (c) を含む、上記 [5] に記載の方 法・
- (a) 被験物質、NCSタンパク質結合性物質をNCSタンパク質またはその 変異タンパク質に接触させる工程;
- 5 (b)被験物質の存在下におけるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量を測定し、該結合量を被験物質の非存在下におけるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量と比較する工程;
  - (c) 上記(b) の比較結果に基づいて、NCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量の変化をもたらす被験物質を選択する工程。
- 10 [14] NCSタンパク質結合性物質が、アトルパスタチン、ピモジド、ピフォナソール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベブリジル、塩酸ラロキシフェン、ベンズブロマロン、プラゼパム、クロチアゼパム、スロクチジル、ベンゼトニウム、ピカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルペンチキソール、
- 15 クロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジ ヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸 ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリスチンまたは スタノゾロール、あるいはそれらの誘導体である、上記〔13〕に記載の方法。 [15]被験物質がNCSまたはその変異タンパク質に対するNCSタンパク
- 20 質標的薬物の結合能を調節し得るか否かを評価することを含む、NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調節し得る物質のスクリーニング方法。
- [16] NCSタンパク質標的薬物が、アトルパスタチン、ピモジド、ピフォナソール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ペブリジル、塩酸ラロキシフェン、ペンズブロマロン、プラゼパム、クロチアゼパム、スロクチジル、ペンゼトニウム、ピカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルペンチキソール、ク

ロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒ

ドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローα-エルゴクリプチン、メシル酸ジ ヒドローβ-エルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリスチン、スタノ ソロール、あるいはNCSに結合能を有するそれらの誘導体である、上記〔1 5〕に記載の方法。

- 5 [17]以下の工程(a)~(c)を含む、上記[15]に記載の方法:
  - (a) 被験物質、NCSタンパク質標的薬物をNCSまたはその変異タンパク 質に接触させる工程:
- (b)被験物質の存在下におけるNCSタンパク質標的薬物の該タンパク質に 対する結合量を測定し、該結合量を被験物質の非存在下におけるNCSタンパ 10 ク質標的薬物の該タンパク質に対する結合量と比較する工程;
  - (c) 上記(b) の比較結果に基づいて、NCSタンパク質標的薬物の該タン パク質に対する結合量の変化をもたらす被験物質を避択する工程。
  - [18] 上記 [5] ~ [17] のいずれかに記載の方法により得られる物質。
- [19]上記[5]~[17]のいずれかに記載の方法により得られる物質を15 含有してなる、薬理作用の関節剤。
  - (20) NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節する物質を含有してなる、薬理作用の調節剤。
  - (21) 薬理作用が抗中枢神経疾患作用、抗認知症作用または抗アルツハイマー病作用である、上記(20) に記載の剤。
- 20 [22] NCS タンパク質標的薬物に関連する作用の調節剤である、上記[2 0]に記載の剤。
  - [23] NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン遺伝子である、上記 [2
  - 0] に記載の剤。
  - [24] NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン δ 遺伝子である、上記
- 25 [20] に記載の剤。

を含む発現ベクター: あるいは

- [25] NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節する物質が、以下
- (i)、(ii)のいずれかであるNCSタンパク質遺伝子の発現または機能を抑制する物質である、上記 (20) に記載の剤:
- (i) NCSアンチセンス核酸、NCSリボザイム、NCSデコイ核酸、NC5 SsiRNA、NCS抗体をコードする核酸、NCSドミナントネガティブ変 異タンパク質をコードする核酸からなる群より選ばれる核酸、または当該核酸
  - (ii) NCS抗体、NCSドミナントネガティブ変異タンパク質からなる群より選ばれる蛋白質。
- 10 [26] NCSタンパク質、又はNCSタンパク質をコードする核酸を含む発 現ベクターを含有してなる、薬理作用の調節剤。
  - [27] NCSタンパク質標的薬物を含有してなる、NCSタンパク質遺伝子 に関連する機能の調節剤。
- 〔28〕NCSタンパク質標的薬物が、アトルバスタチン、ピモジド、ピフォ サゾール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ペプリジル、塩酸 ラロキシフェン、ベンズプロマロン、プラゼパム、クロチアゼパム、スロクチ ジル、ベンゼトニウム、ピカルタミド、ベンズチアジド、ミナプリン、トリフ ロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルベンチキソール、ク ロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒ
- 20 ドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドロー $\alpha$ ーエルゴクリプチン、メシル酸ジ ヒドロー $\beta$ ーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリスチンまたはス タノゾロール、あるいはNCSに結合能を有するそれらの誘導体である、上記 [27] に記載の剤。
- [29] NCSタンパク質遺伝子の機能を調節し得るように薬物を誘導体化す 25 ることを含む、薬物誘導体の製造方法。
- (30) 薬物が抗中枢神経疾患作用、抗認知症作用または抗アルツハイマー病 作用を有するスタチン系薬物である、上記 [29] に記載の方法。

- (31)薬物が、アトルバスタチン、ビモジド、ビフォナゾール、フルナリジン、フェンジリン、クロベラスチン、ベブリジル、塩酸ラロキシフェン、ベンズブロマロン、プラゼバム、クロチアゼバム、スロクチジル、ベンゼトニウム、ビカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルブ5ロチキセン、ビメチキセン、フルベンチキソール、クロファジミン、ロキサビン、レスシンナミン、シロシンゴビン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロールである、上記(29)に配載の方法。
- 10 [32] NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン遺伝子である、上記[29] に記載の方法。
  - (33) NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン δ 遺伝子である、上記 [29] に記載の方法。
- [34] NCSまたはその変異タンパク質に対する結合能を調節し得るように15 薬物を誘導体化することを含む、NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調 筋し得る物質の誘導体の製造方法。
  - [35] 薬物が、アトルパスタチン、ビモジド、ピフォナゾール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベブリジル、塩酸ラロキシフェン、ベンズブロマロン、プラゼパム、クロチアゼパム、スロクチジル、ベンゼトニウム、
- 20 ビカルタミド、ベンズチアジド、ミナプリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルベンチキソール、クロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メンル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロール、あるいはプチン、メシル酸ジヒドローπ、あるいは
- 25 NCSに結合能を有するそれらの誘導体である、上記 [34] に記載の方法。
  - [36] 上記 [29] ~ [35] のいずれかに記載の方法により得られる物質。

- [37]上記[29]~[35]のいずれかに記載の方法により得られる物質を含有してなる、業理作用の関節剤。
- [38] 薬物とNCSまたはその変異タンパク質とを含む複合体。
- [39] 薬物とNCSまたはその変異タンパク質とを接触させることを含む、
- 5 薬物とNCSまたはその変異タンパク質とを含む複合体の製造方法。

[40] 以下 (i) 、 (i i) を含む、キット:

- (i) 薬物またはその塩;
- (ii) NCSタンパク質またはその変異タンパク質、該タンパク質をコードする核酸、該核酸を含む発現ベクターまたはNCSタンパク質遺伝子の発現を10 測定可能な細胞。

### 図面の簡単な説明

図1は、スピンカラムを用いたSEC相互作用スクリーニングシステムの概 略を示す。

図2は、スピンカラムを用いたSEC相互作用解析の概略を示す。

## 発明を実施するための最良の形態

# 1. NCSタンパク質及びその遺伝子

15

本発明は、NCSタンパク質および遺伝子を提供する。

NCSタンパク質は、網膜の光受容体、神経細胞、神経内分泌細胞等で特異的に発現し、EFハンドモチーフを有するカルシウムイオン結合タンパク質の

20 総称である。NCSタンパク質はまた、N末端にミリストイル化部位を有し、Ca<sup>2+</sup>が結合すると、コンフォメーションの変化に伴いミリストイル基が露出することによって、NCSタンパク質の細胞膜への局在が増大すると考えられている(Biochem. J. 353, 1-12 (2001)参照)。

NCSタンパク質としては、例えば、NCS-1 等のフレクエニン

25 (Frequenin) ファミリー (クラスA) に属するタンパク質、ニューロカルシン α、ニューロカルシン δ、ヒポカルシン等の VILIPS ファミリー (クラスB) に属するタンパク質、リカバリン (Recoverin) 等のリカバリン

(Recoverin) ファミリー (クラスC) に属するタンパク質、GCAP1、GCAP2、GCAP3 等の GCAPs ファミリー (クラスD) に属するタンパク質、KChIP1、KChIP2、KChIP3 等の KChIP5 ファミリー (クラスE) に属するタンパク質などが挙げられるが、VILIPS ファミリー (クラスB) に属するタンパク質が好

- 5 ましく、ニューロカルシン  $\delta$  およびヒトヒポカルシン類似タンパク質 1 (Human Hippocalcin-like protein 1 あるいは Visinin-like protein 3 あるいは VILIP-3) がより好ましい。なお、ニューロカルシン  $\delta$  は、末梢感覚神経細胞、記憶に関与する海馬歯状回等の脳内神経細胞等の神経細胞で発現していることが知られている。さらに、ヒトヒポカルシン類似タンパク質 1
- 10 (Human Hippocalcin-like protein 1 あるいは Visinin-like protein 3 あるいは VILIP-3) は、アルツハイマー患者の脳の病巣組織に局在することが知られている。本明細書中、NCSタンパク質は、ヒトNCSタンパク質に限定されず、異種動物のオルソログをも含む。なお、ヒトニューロカルシン δ は、後述の実施例に記載される FLJ39196 クローン由来のタンパク質である。また、
- 15 ヒトヒポカルシン類似タンパク質1 (Human Hippocalcin-like protein 1 あるいは Visinin-like protein 3 あるいは VILIP-3) は、後述の実施例に記載される FLJ20589 クローン由来のタンパク質である。

本発明のNCSタンパク質は、例えば、配列番号2あるいは配列番号4 (VILIP-3) で表されるアミノ酸配列を有するタンパク質であり得る。なお、

- 20 ヒトNCSタンパク質は、FLJ番号 (NEDO (新エネルギー・産業技術総合開発機構) タンパク質 c DNA構造解析プロジェクトにおける登録番号): FLJ39196、GenBankアクセッション番号: AK096515、H-Invitational データベース (H-Inv DB) におけるH-Inv c DNA ID: HIT000021370、およびH-Inv ローカスID: HIX0007693 およびFLJ
- 25 番号: FLJ20589、GenBankアクセッション番号: AK000596、H-In v cDNA ID: HIT000003071、およびH-Inv ローカスID: HIX0001817として登録され (Nat. Genet. 36(1), 40-45 (2004) 参照)、

また、本発明者らにより、スタチン系薬物(Atorvastatin)を含む実施例記載の化合物と相互作用することが見出された。また、本発明のNCSタンパク質は、OMIM (Online Mendelian Inheritance in Man: 登録商標)にOMIM606722 および600207 としても登録されている。

- 5 また、本発明によれば、NCSタンパク質の変異タンパク質が提供される。 該変異タンパク質は、例えば、配列番号2あるいは配列番号4 (VILIP-3)で 表されるアミノ酸配列において、1又は複数のアミノ酸が置換、欠失、付加ま たは挿入されたアミノ酸配列からなり、且つ薬物に対して相互作用を示すタン パク質であり得る。
- 10 置換、欠失、付加または挿入されるアミノ酸の数は、機能が保持される限り 限定されないが、例えば約1~30個、好ましくは約1~20個、より好まし くは約1~10個、さらにより好ましくは約1~5個、最も好ましくは1また は2個である。アミノ酸の置換、欠失、付加または挿入が施される部位は、機 能が保持される限り限定されないが、例えば、EFハンドモチーフの部位、ミ 15 リストイル化部位、並びにこれらの部位以外の部位であり得る。
- さらに、本発明の変異タンパク質は、配列番号2あるいは配列番号4 (VILIP-3) で表されるアミノ酸配列において、例えば約50%以上、好ましくは約70%以上、より好ましくは約80%以上、さらにより好ましくは約90%以上、最も好ましくは約95%以上の相同性(但し、100%の相同性を20除く)を有するアミノ酸配列からなり、且つ薬物に対して相互作用を示すタンパク質であり得る。ここで、上記相同性の数値は、配列解析ソフトウェアであるDNASIS(日立ソフトウェアエンジニアリング)を用いて、例えば、マキシマムマッチング法のコマンドを実行することにより算出される。その際のパラメータは、デフォルトの設定(初期設定)とする。
- 25 本発明のタンパク質が相互作用を示す薬物はNCSタンパク質標的薬物である。NCSタンパク質標的薬物とは、NCSタンパク質を介して薬効または副作用を示す薬物であり、このような薬物としては、例えば、NCSタンパク質

を意味する。

標的薬物に関連する作用を調節し得る物質(例えば、中枢神経作用を調節し得る物質)、NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調節し得る物質などが挙げられる。なお、薬物とは、医薬および試薬を含むものとする。好ましくは、NCSタンパク質糖的薬物は、後述の化合物であり得る。

- 5 本発明のNCSタンパク質またはその変異タンパク質を使用する場合、該タンパク質は標識されていても未標識であってもよく、また、標識タンパク質と未標識タンパク質を所定の割合で含む混合物も使用できる。標識用物質としては、例えば、FITC、FAM等の蛍光物質、ルミノール、ルシフェリン、ルシゲニン等の発光物質、3H、14C、32P、35S、123[等の放射性同位体、
- 10 ビオチン、ストレプトアビジン等の親和性物質などが挙げられる。

本発明のNCSタンパク質遺伝子は、本発明のNCSタンパク質をコードするものである限り限定されない。例えば、本発明のNCSタンパク質遺伝子は、上記アミノ酸配列からなるタンパク質に対応するものであり得る。好ましくは、本発明のNCSタンパク質遺伝子は、配列番号1で表されるヌクレオチド配列からなる。なお、本発明のNCSタンパク質遺伝子は、上記のヒト遺伝子に限定されず、異種動物のオルソログをも含む。

また、本発明によれば、配列番号1で表されるヌクレオチド配列と相補的な 配列に対してストリンジェント条件下でハイブリダイズするヌクレオチド配列 からなり、且つ薬物に対して相互作用を示すタンパク質に対応する遺伝子も提 20 供される。ここで、ストリンジェント条件下でハイブリダイズするとは、例え ば、6×SSC、0.5%SDS、50%ホルムアミドの溶液中で42℃にて 加温した後、0.1×SSC、0.5%SDSの溶液中で68℃にて洗浄する 条件でも依然として陽性のハイブリダイゼーションシグナルが観察されること

25 本発明のNCSタンパク質およびその遺伝子は、種々の疾患、例えば、NCSタンパク質視的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)、NCSタン

パク質遺伝子に関連する疾患に対する医薬の開発、あるいは該疾患に対する研究用試薬の開発などに有用である。以下、それぞれの疾患について詳述する。

(I. NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患)

「NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患」とは、NCSタンパク質標的 事物が適用される疾患または該薬物の副作用に相当する疾患を意味する。NC Sタンパク質標的薬物に関連する疾患は、NCSタンパク質標的薬物により改善 善または増悪され得る。NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患としては、 例えば、中枢神経疾患、その他の疾患が挙げられる。

「NCSタンパク質標的薬物に関連する作用」とは、NCSタンパク質標的 薬物が実際に示す作用(薬理作用、副作用を含む)と同種の作用または反対の 作用を意味する。換言すれば、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用は、 「NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患」の改善または増悪を引き起こし 得る作用である。即ち、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患が中枢神経 疾患である場合、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用は、中枢神経作用、 抗中枢神経作用である。なお、「NCSタンパク質標的薬物に関連する作用は、中枢神経作用」 は、「NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患」の説明により自ずと明らか

になるであろう。 (中枢神経疾患)

中枢神経疾患とは、中枢神経系である脳、脊髄の異常に伴う疾患である限り 特に限定されない。中枢神経疾患としては、例えば、認知症、癲癇、パーキン ソン病、統合失調症、不安、不眠症、うつ病、躁病等が挙げられるが、なかで も認知症が好ましい。認知症としては、原発性変性認知症と、多発梗塞性認知 症(脳血管性認知症とも呼ばれる)、慢性水頭症、脳炎、脳腫瘍、神経梅毒、 肺性脳症、薬物中毒、アルコール中毒等の二次性認知症とに大別できるが、原 発性変性認知症が好ましい。原発性変性認知症としては、例えば、65歳以上 で主に発症する老年認知症、アルツハイマー病、ピック病、ハンチントン舞踏 病等の40~65歳で主に発症する初老期認知症が挙げられる。 (その他の疾患)

NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患の一例は、アトルバスタチンに 関連する疾患であり得る。

アトルバスタチンに関連する疾患とは、アトルバスタチンが適用される疾患

5 またはアトルバスタチンの副作用に相当する疾患を意味する。アトルバスタチンは、HMG-CoA 還元酵素阻害剤などとして知られている。なお、アトルバスタチンの標的としては、ミ二染色体維持タンパク質 (Minichromosome maintenance protein) 7、ミニ染色体維持タンパク質 6、HMG-CoA 還元酵素などが知られている。アトルバスタチンが適用される疾患としては、高コレス10 テロール血症、家族性高コレステロール血症等が例示される。一方、アトルバスタチンの副作用としては、胃不快感、そう痒感、手指しびれ、不眠、下痢、胸やけ、便秘、頭痛、全身倦怠、横紋筋酸解症、ミオバシー、肝機能障害、黄疸、過敏症、血小板減少症、皮膚粘膜眼症候群 (Stevens-Johnson 症候群)、中毒性表皮壊死症 (Lyel1 症候群)、多形紅斑、高血糖、糖尿病等が例示され15 5。

さらに、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患は、NCS結合化合物に 関連する疾患であり得る。NCS結合化合物としては、例えば、Pimozide、 Bifonazole、Fendiline、Cloperastine、Bepridil、Raloxifene hydrochloride、Benzbromarone、Prazepam、Clotiazepam、Suloctidil、 20 Benzethonium、Bicaltamide、Benzthiazide、Minaprine、Trifluoperazine、

Benzethonium、Bicaltamide、Benzthiazide、minapine、filitoopitamie Chlorprothixene、Pimethixene、Flupentixol cis-(2)、Clofazimine、 Loxapine、Rescinnamine、Syrosingopine、Dihydroergotoxine mesylate、 Dihydroergocristine、Stanozolol、Flunarizineが例示できる。

Pimozide (ピモジド) に関連する疾患とは、ピモジドが適用される疾患ま 25 たはピモジドの副作用に相当する疾患を意味する。ピモジドに関連する疾患と しては、精神分裂病、小児の自閉性障害あるいは精神遅滞に伴う動作・情動・ 意欲・対人関係等にみられる異常行動、睡眠・食事・排泄・言語等にみられる 病的症状、常同症等がみられる精神症状などが例示される。一方、ビモジドの 副作用としては、錐体外路症状、パーキンソン症候群(振戦、筋強剛、流涎 等)、アカシジア(静座不能)、ジスキネジア(眼球回転発作、構音障害、嚥下 障害等)、不眠・眠気、不穏・興奮・多動・易刺激・幻覚・妄想の顕性化、低 5 血圧、発疹・そう痒感、悪心・嘔吐、食欲不振、胃部不快感、便秘、腹痛、下 痢、排尿障害、頻尿、夜尿、ブロラクチン値の上昇などが例示できる。

Bifonazole (ビホナゾール) に関連する疾患とは、ビホナゾールが適用される疾患またはビホナゾールの副作用に相当する疾患を意味する。ビホナゾールに関連する疾患としては、皮膚真菌症 (白癬、カンジダ症、癜風) などが例 10 示できる。一方、ビホナゾールの副作用としては、局所の刺激感、皮膚炎、発赤・紅斑、亀裂、鱗屑、そう痒、ぴらんなどが例示できる。

Cloperastine (クロペラスチン) に関連する疾患とは、クロペラスチンが 適用される疾患またはクロペラスチンの副作用に相当する疾患を意味する。ク ロペラスチンに関連する疾患としては、感冒・急性気管支炎・慢性気管支炎・ 気管支拡張症・肺結核・肺がんなどに伴う咳嗽などが例示できる。一方、クロ ペラスチンの副作用としては、眠気、悪心、食欲不振、口渇などが例示できる。 Bepridil (ベブリジル) に関連する疾患とは、ベブリジルが適用される疾

患またはベプリジルの副作用に相当する疾患を意味する。ベプリジルに関連す

る疾患としては、頻脈性不整脈、狭心症などが例示できる。一方、ベブリジル 20 の副作用としては、QT 延長、徐脈、心室頻拍、嘔気などが例示できる。

Raloxifene hydrochloride (塩酸ラロキシフェン) に関連する疾患とは、 塩酸ラロキシフェンが適用される疾患または塩酸ラロキシフェンの副作用に相 当する疾患を意味する。塩酸ラロキシフェンに関連する疾患としては、閉経後 骨粗鬆症などが例示できる。一方、塩酸ラロキシフェンの副作用としては、血 小板数減少、ヘモグロビン減少、ヘマトクリット減少、血中カルシウム減少、 血清総タンパク減少、良性の子宮内腔液増加などが例示できる。 Benzbromarone (ベンズブロマロン) に関連する疾患とは、ベンズブロマロンが適用される疾患またはベンズブロマロンの副作用に相当する疾患を意味する。ベンズブロマロンに関連する疾患としては、高尿酸血症、痛風、高尿酸血症を伴う高血圧症などが例示できる。一方、ベンズブロマロンの副作用としては、胃部不快感、胃腸障害、そう痒感、発疹、下痢、肝障害などが例示できる。ブラゼバム (prazepam) に関連する疾患とは、ブラゼバムが適用される疾患またはブラゼバムの副作用に相当する疾患を意味する。プラゼバムに関連する疾患としては、神経症あるいはうつ病における不安・緊張・抑うつ及び睡眠障害、心身症(消化器疾患,高血圧症,自律神経失調症)における身体症候並び10 に不安・緊張・抑うつ及び睡眠障害などが例示できる。一方、ブラゼバムの副作用としては、眠気、ふらつき、疲労、倦怠、脱力感、食欲不振などが例示できる。

クロチアゼパム (Clotiazepam) に関連する疾患とは、クロチアゼパムが適用される疾患またはクロチアゼパムの副作用に相当する疾患を意味する。クロ チアゼパムに関連する疾患としては、心身症(消化器疾患,循環器疾患)における身体症候並びに不安・緊張・心気・抑うつ・睡眠障害、自律神経失調症におけるめまい・肩こり・食欲不振などが例示できる。一方、クロチアゼパムの副作用としては、眠気、ふらつき、疲労、倦怠、脱力感、食欲不振などが例示できる。

20 トリフロペラジンに関連する疾患とは、トリフロペラジンが適用される疾患またはトリフロペラジンの副作用に相当する疾患を意味する。トリフロペラジンに関連する疾患としては、統合失調症などが例示できる。一方、トリフロペラジンの副作用としては、無動緘黙、強度の筋強削、嚥下困難、頻脈、血圧の変動、発汗、血圧降下、心電図異常などが例示できる。

25 クロファジミンに関連する疾患とは、クロファジミンが適用される疾患またはクロファジミンの副作用に相当する疾患を意味する。クロファジミンに関連する疾患としては、ハンセン病などが例示できる。一方、クロファジミンの副

作用としては、皮膚着色、皮膚乾燥、光線過敏症、魚鱗癬、発疹、そう痒、胃 腸出血、悪心、嘔吐、食欲不振、めまい、頭痛、神経痛などが例示できる。

レシナミンに関連する疾患とは、レシナミンが適用される疾患またはレシナミンの副作用に相当する疾患を意味する。レシナミンに関連する疾患としては、 5 高血圧症などが例示できる。一方、レシナミンの副作用としては、うつ状態などが例示できる。

メシル酸ジヒドロエルゴトキシンに関連する疾患とは、メシル酸ジヒドロエ ルゴトキシンが適用される疾患またはメシル酸ジヒドロエルゴトキシンの副作 用に相当する疾患を意味する。メシル酸ジヒドロエルゴトキシンに関連する疾 10 患としては、高血圧症、末梢循環障害(ピュルガー病、閉塞性動脈硬化症、動 脈塞栓、血栓症、レイノー病及びレイノー症候群、肢端紫藍症、凍瘡・凍傷、 間欠性跛行)、脳代謝障害などが例示できる。一方、メシル酸ジヒドロエルゴ トキシンの副作用としては、胃腸障害、悪心・嘔吐、食欲不振、発疹・そう痒、 頭痛 めまいなどが例示できる。

15 (II. NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患)

「NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患」とは、NCSタンパク質遺伝子の機能または発現量、あるいはNCSタンパク質遺伝子が関与するシグナル伝達系においてNCSタンパク質遺伝子の下流に位置付けられる遺伝子(下流遺伝子)の機能または発現量の変化に伴い引き起こされ得る疾患をいう。NCS タンパク質遺伝子またはその下流遺伝子の機能の変化は、例えば、該遺伝子の変異(例えば、多型)によりもたらされ得る。該変異としては、例えば、コーディング領域におけるその機能を促進または抑制させる変異、非コーディング領域におけるその発現を促進または抑制させる変異などが挙げられる。発現量の変化としては、発現量の増加または低下が挙げられる。NCSタンパク質遺 伝子に関連する疾患は、NCSタンパク質により改善または増悪され得る。

「NCSタンパク質遺伝子に関連する機能」とは、NCSタンパク質が実際 に示す機能と同種の機能または反対の機能を意味する。換言すれば、「NCS タンパク質遺伝子に関連する機能」は、「NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患」の改善または増悪を引き起こし得る機能である。NCSタンパク質遺伝子に関連する機能としては、例えば、光伝達、ホルモン・サイトカインあるいは神経伝達物質などの生理活性物質の遊離の調節、グアニルサイクラーゼあるいはアデニルサイクラーゼの活性制御、サイクリック・ヌクレオチド代謝の調節、遺伝子発現調節、イオン・チャンネルの制御、アセチルコリン受容体あるいはドーパミン受容体などのGタンパク質共役型受容体あるいはその他の細胞膜表面の受容体の制御、Gタンパク質共役型受容体キナーゼの制御、プレセニリン2などのタンパク質分解酵素の制御、イノシトールリン脂質代謝の調節な10 どが挙げられる。

また、本発明のNCSタンパク質を、SwissProt及びRefSeqに対してBLASTP検索し、その解析結果に基づきGO (Gene Ontology)カテゴリー分類情報によるさらなる解析に供したところ、MF (分子機能)としては GO:0003779¥MF|アクチン結合、GO:0005509¥MF|カルシウムイオン結合、GO:0016631¥MF|チューブリン結合、GO:0030276¥MF|クラスリン (clathrin)結合、BP (生物学的プロセス)としてはGO:0016192¥BP|小胞 (vesicle)媒介輸送、並びにCC (細胞成分)としてはGO:005829¥CC|サイトゾル、GO:0030130¥CC|トランス-ゴルジネットワーク小胞のクラスリンコートに分類されるという結果が得られている。従って、NCSタンパク質遺伝子に関連する機能としては、上述の機能の他、これらのGOカテゴリー分類情報から導き

NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患としては、NCSタンパク質遺伝子 が生体内で種々の生理学的機能を担っていると考えられることを考慮すれば、 実に様々な疾患が想定されるが、例えば、認知症、癲癇、パーキンソン病、統 25 合失調症、不安、不眠症、うつ病、躁病、神経変性、網膜形成異常、癌、糖尿 療、疼痛(特に慢性疼痛)などが挙げられる。また、NCSタンパク質遺伝子

出せる機能も挙げることもできる。

が関連する可能性のあるその他の疾患としては、軟骨石灰化症 (OMTM600668) が挙げられる。

(III. NCSタンパク質標的薬物)

本発明の (I) 乃至 (V I I I) 、式 (1) 乃至 (1 1) および式 (1')

5 乃至 (11') について説明する。

式(I) 乃至(VIII)、式(1) 乃至(11)および式(1') 乃至(11')で表される化合物は、基本骨格あるいは置換基の種類に基づく特徴を利用し、種々の公知の合成方法を適用して製造することができる。例えばアルキル化、アシル化、アミノ化、イミノ化、ハロゲン化、還元、酸化、総合、10 景化等が挙げられ、通常当分野で用いられる反応または方法が利用できる。

「ハロゲン原子」とは、フッ素原子、塩素原子、臭素原子、ヨウ素原子である。

「炭素数 1 ~ 9 の直鎖または分岐のアルキル」としては、例えば、メチル、 エチル、プロピル、イソプロピル、プチル、イソプチル、 s e c ープチル、 t 15 ertープチル、ペンチル、イソペンチル、ネオペンチル、 s e c ーペンチル 、t ertーペンチル、ヘキシル、イソヘキシル、2 ーエチルプチル、ヘプチ ル、オクチル、1, 1, 3, 3 ーテトラメチルプチル、ノニル等が挙げられる

「炭素数 1~7の直鎖または分岐のアルキル」としては、例えば、メチル、20 エチル、プロピル、イソプロピル、ブチル、イソプチル、 secープチル、 tertープチル、ペンチル、イソペンチル、ネオペンチル、 secーペンチル 、tertーペンチル、ヘキシル、イソヘキシル、2ーエチルプチル、ヘプチル等が挙げられる。

「炭素数 1~5の直鎖または分岐のアルキル」としては、例えば、メチル、25 エチル、プロピル、イソプロピル、ブチル、イソブチル、secーブチル、tertーブチル、ベンチル、イソベンチル、ネオペンチル、secーベンチル、tertーベンチル等が挙げられる。

当該アルキル基は任意の位置が、ヒドロキシ、ハロゲン原子、シアノ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、またはハロゲン化メチルで置換されていてもよく、具体的には、ヒドロキシメチル、1または2-ヒドロキシエチル、1,2または3-ヒドロキシプロビル等が5挙げられる。

「アルキルオキシ」としては炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキルオキシ、例えば、メチルオキシ、エチルオキシ、プロピルオキシ、イソプロピルオキシ、ブラルオキシ、イソプチルオキシ、secープチルオキシ、tertープチルオキシ、ベンチルオキシ、イソペンチルオキシ、ネオペンチルオキシ、10 secーペンチルオキシ、tertーペンチルオキン、ヘキシルオキシ、イソヘキシルオキシ、2ーエチルプチルオキシ、ヘプチルオキシ、オクチルオキシ、1,1,3,3-テトラメチルプチルオキシ、ノニルオキシ等が挙げられる

「炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ」としては、例えば、メ 15 チルオキシ、エチルオキシ、プロピルオキシ、イソプロピルオキシ、プチルオ キシ、イソプチルオキシ、secープチルオキシ、tertープチルオキシ、 ペンチルオキシ、イソペンチルオキシ、ネオペンチルオキシ、secーペンチ ルオキシ、tertーペンチルオキシ等が挙げられる。

「炭素数 1~7の直鎖または分岐のアルキル」としては、例えば、メチル、20 エチル、プロビル、イソプロビル、ブチル、イソプチル、secープチル、tertープチル、ペンチル、イソペンチル、ネオペンチル、secーペンチル、tertーペンチル、ヘキシル、イソヘキシル、2ーエチルプチル、ヘプチル等が挙げられる。

「炭素数 7~12のフェニルアルキル」としては、例えば、ベンジル、1ま 25 たは2~フェニルエチル、1,2または3~フェニルプロピル、1,2,3ま たは4~フェニルブチル等が挙げられる。 「炭素数 7~11のフェニルアルキル」としては、例えば、ベンジル、1または2-フェニルエチルまたは1,2または3-フェニルプロピル等が挙げられる。

「炭素数8~12のフェニルアルケニル」としては、例えば、1または2~5 フェニルエテニル ( $\alpha$ または $\beta$ -スチリル)、1,2または3-フェニル-1 -プロベニル、1,2または3-フェニル-2-プロベニル (例えば、シンナミル等)、1,2,3または4-フェニル-1-プテニル、1,2,3または4-フェニル-2-プテニル等が挙げられる。

「炭素数 7~12のフェニルアルキルオキシ」としては、例えば、ベンジル 10 オキシ、1または2-フェニルエチルオキシ、1,2または3-フェニルプロ ピルオキシ、1,2、3または4-フェニルブチルオキシ等が挙げられる。

「アルコキシカルボニルオキシ」としては、例えば、メトキシカルボニルオキシ、エトキシカルボニルオキシ、プロボキシカルボニルオキシ、イソプロボキシカルボニルオキシ、ブトキシカルボニルオキシ、イソブトキシカルボニルオキシ、secーブトキシカルボニルオキシ、tertーブトキシカルボニルオキシ等が挙げられる。

「アルキルスルファニル」としては炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキルスルファニル、例えば、メチルスルファニル、エチルスルファニル、プロビルスルファニル、イソプロビルスルファニル、ブチルスルファニル、イソプチ20 ルスルファニル、secープチルスルファニル、 tertープチルスルファニル、ペンチルスルファニル、イソペンチルスルファニル、ネオペンチルスルファニル、secーペンチルスルファニル、 tertーペンチルスルファニル、ヘキシルスルファニル、イソペキシルスルファニル、2ーエチルプチルスルファニル、ヘプチルスルファニル、オクチルスルファニル、1,1,3,3-テ25トラメチルプチルスルファニル、ノニルスルファニル等が挙げられる。

「ハロゲン化アルキル」としては、1以上のハロゲン原子で置換された炭素 数1~9の直鎖または分岐のアルキル、例えば、フルオロメチル、ジフルオロ メチル、トリフルオロメチル、クロロメチル、ジクロロメチル、トリクロロメ チル、プロモメチル、ヨードメチル、2 - クロロエチル、2 - フルオロエチル 、2、2、2 - トリフルオロエチル等が挙げられる。

「ハロゲン化メチル」としては、例えば、フルオロメチル、ジフルオロメチ 5 ル、トリフルオロメチル、クロロメチル、ジクロロメチル、トリクロロメチル 、プロモメチル、ヨードメチル等が挙げられる。

「モノ置換アミノ」とは、上記定義の炭素数1~9の直鎖または分岐のアル キル:上記定義の炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、 シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、上記定義のアルキルスルファニルお 10 よび上記定義のハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基 を有していてもよいフェニル基等からなる群から選択される置換基でモノ置換 されたアミノ基が挙げられる。具体的には、Nーメチルアミノ、Nーエチルア ミノ、Nープロピルアミノ、Nーイソプロピルアミノ、Nープチルアミノ、N ーイソブチルアミノ、N-sec-ブチルアミノ、N-tert-プチルアミ 15 ノ、N-ペンチルアミノ、N-イソペンチルアミノ、N-ネオペンチルアミノ N-sec-ペンチルアミノ、N-tert-ペンチルアミノ、N-ヘキシ ルアミノ、N-イソヘキシルアミノ、<math>N-2-エチルプチルアミノ、<math>N-ヘプチルアミノ、N-オクチルアミノ、N- (1, 1, 3, 3-テトラメチルプチ ル) アミノ、N-ノニルアミノ、N-フェニルアミノ、N-(2, 3または4 20 ークロロフェニル) アミノ、N-(2.3または4-フルオロフェニル) アミ ノ、N-(2, 3または4-メチルフェニル) アミノ、N-(2, 3または4ーメトキシフェニル)アミノ、N-(2,3または4ーメチルスルファニルフ ェニル) アミノ、N-(2, 3または4-ヒドロキシフェニル) アミノ、N-(2, 3または4-シアノフェニル) アミノ、N-(2, 3または4-トリフ 25 ルオロメチルフェニル) アミノ等が挙げられる。

「ジ世換アミノ」とは、上記定義の炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、上記定義の炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シ

アノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、上記定義のアルキルスルファニルおよ び上記定義のハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を 有していてもよいフェニル基等からなる群から選択される同一または異なる置 換基でジ置換されたアミノ基が挙げられる。具体的には、N、Nージメチルア ミノ、N. Nージエチルアミノ、N, Nージプロピルアミノ、N, Nージイソ プロピルアミノ、N. Nージブチルアミノ、N, Nージイソプチルアミノ、N -ジペンチルアミノ、N, N-ジイソペンチルアミノ、N, N-ジネオペンチ ルアミノ、N, N-ジsec-ペンチルアミノ、N, N-ジtert-ペンチ 10 ルアミノ、N, N-ジヘキシルアミノ、N, N-ジイソヘキシルアミノ、N, N-UZ (2-Iジオクチルアミノ、N, N-ビス (1, 1, 3, 3-テトラメチルブチル)ア ミノ、N、N-ジノニルアミノ、N-エチル-N-メチルアミノ、N-プロピ ルーNーメチルアミノ、NーイソプロピルーNーメチルアミノ、Nープチルー 15 N-メチルアミノ、N-イソブチル-N-メチルアミノ、N-sec-プチル -N-メチルアミノ、N-tert-ブチル-N-メチルアミノ、N-ペンチ ルーNーメチルアミノ、NーイソペンチルーNーメチルアミノ、Nーネオペン チル-N-メチルアミノ、N-sec-ペンチル-N-メチルアミノ、N-t ert-ペンチル-N-メチルアミノ、N-ヘキシル-N-メチルアミノ、N 20 ーイソヘキシルーNーメチルアミノ、N-2-エチルプチルーN-メチルアミ ノ、N-ヘプチル-N-メチルアミノ、N-オクチル-N-メチルアミノ、N - (1, 1, 3, 3-テトラメチルブチル) -N-メチルアミノ、N-ノニル -N-メチルアミノ、N, N-ジフェニルアミノ、N, N-ビス(2, 3また は4-クロロフェニル) アミノ、N, N-ビス(2, 3または4-フルオロフ 25 ェニル) アミノ、N, N-ビス (2, 3または4-メチルフェニル) アミノ、 N, N-ビス (2, 3または4-メトキシフェニル) アミノ、N, N-ビス ( 2. 3または4-メチルスルファニルフェニル) アミノ、N. N-ビス(2,

3または4-ヒドロキシフェニル)アミノ、N, N-ビス(2, 3または4-シアノフェニル)アミノ、N, N-ビス(2, 3または4-トリフルオロメチルフェニル)アミノ、N-フェニルーN-メチルアミノ、N-(2, 3または4-フルオロ 4-クロロフェニル) -N-メチルアミノ、N-(2, 3または4-フルオロ フェニル) -N-メチルアミノ、N-(2, 3または4-メチルフェニル) - N-メチルアミノ、N-(2, 3または4-メチルフェニル) - N-メチルアミノ、N-(2, 3または4-メチルスルファニルフェニル) - N-メチルアミノ、N-(2, 3または4-メチルスルファニルフェニル) - N-メチルアミノ、N-(2, 3または4-シアノフェニル) - N-メチルアミノ、N-(2, 3または4-シアノフェニル) - N-メチルアミノ、S-(2, 3または4-シアノフェニル) - N-メチルアミノ等が挙げられる または4-トリフルオロメチルフェニル) - N-メチルアミノ等が挙げられる

「置換イミノ」とは、上記定義の炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル : L記定義の炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シア ノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、上記定義のアルキルスルファニルおよび 15 上記定義のハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有 していてもよいフェニル基等からなる群から選択される置換基で置換されたイ ミノ基が挙げられる。具体的には、Nーメチルアミノ、Nーエチルイミノ、N ープロピルイミノ、N-イソプロピルイミノ、N-ブチルイミノ、N-イソブ チルイミノ、N-secーブチルイミノ、N-tertーブチルイミノ、N-20 ペンチルイミノ、N-イソペンチルイミノ、N-ネオペンチルイミノ、N-s ec-ペンチルイミノ、N-tert-ペンチルイミノ、N-ヘキシルイミノ 、N-イソヘキシルイミノ、N-2-エチルブチルイミノ、N-ヘプチルイミ ノ、N-オクチルイミノ、N- (1, 1, 3, 3-テトラメチルプチル) イミ ノ、N-ノニルイミノ、N-フェニルイミノ、N- (2, 3または4-クロロ 25 フェニル) イミノ、N-(2,3または4-フルオロフェニル) イミノ、N-(2, 3または4ーメチルフェニル) イミノ、N- (2, 3または4ーメトキ シフェニル) イミノ、N-(2,3または4-メチルスルファニルフェニル)

イミノ、N- (2, 3または4-ヒドロキシフェニル) イミノ、N- (2, 3または4-シアノフェニル) イミノ、N- (2, 3または4-トリフルオロメチルフェニル) イミノ等が挙げられる。

「炭素数3~7のシクロアルキル」としては、例えば、シクロプロパンシク 5 ロプロピル、シクロプチル、シクロペンチル、シクロヘキシルまたはシクロヘ プチルが挙げられる。

「炭素数 7~11のフェニルアルキル」としては、例えば、フェニルメチル 、1または2-フェニルエチル、1,2または3-フェニルプロビル、1,2 ,3または4-フェニルブチル、1,2,3,4または5-フェニルペンチル 10 等が挙げられる。

「イミダソリル」としては、イミダソール-1-イル、イミダソール-2-イル、イミダソール-4-イル、イミダソール-5-イルが挙げられる。

「ピフェニル」としては、2-ピフェニル、3-ピフェニル、4-ピフェニルが挙げられる。

15 「チエニル」としては、2-チエニル、3-チエニルが挙げられる。

「ベンソチェニル」としては、2 - ベンソ [b] チェニル、3 - ベンソ [b] チェニル、4 - ベンソ [b] チェニル、5 - ベンソ [b] チェニル、6 - ベンソ [b] チェニル、7 - ベンソ [b] チェニル、1 - ベンソ [c] チェニル、3 - ベンソ [c] チェニル、4 - ベンソ [c] チェニル、5 - ベンソ [c]

20 チェニル、6ーペンソ [c] チェニル、7ーベンソ [c] チェニルが挙げられる。

「ベンソフリル」としては、2-ベンソ [b] フリル、3-ベンソ [b] フリル、4-ベンソ [b] フリル、5-ベンソ [b] フリル、6-ベンソ [b] フリル、3-ベンソ [c] フリル、3-ベンソ [c] フリル、6-ベンソ [c] フリル、6-ベンソ [c] フリル、6-ベンソ [c] フリル、6-ベンソ

25 ] フリル、4ーベンソ [c] フリル、5ーベンソ [c] フリル、6ーベンソ [c] フリル、7ーベンソ [c] フリルが挙げられる。

「ピペリジニル」としては、1-ピペリジニル、2-ピペリジニル、3-ピペリジニル、4-ピペリジニルが挙げられる。

「ピロリジニル」としては、1-ピロリジニル、2-ピロリジニル、3-ピロリジニルが挙げられる。

5 「ピペラジニル」としては、1ーピペラジニル、2ーピペラジニルが挙げられる。

「ベンズイミダソロニル」としては、ベンズイミダゾールー2ーオンー1ー イル、ベンズイミダソールー2ーオンー4ーイル、ベンズイミダゾールー2ー オンー5ーイルが挙げられる。

10 「モルフォニル」としては、モルフォリンー1ーイル、モルフォリンー2ーイル、モルフォリンー3ーイルが挙げられる。

「フェノチアジニル」としては、フェノチアジンー10ーイル、フェノチアジンー1ーイル、フェノチアジンー2ーイル、フェノチアジンー3ーイル、フェノチアジンー4ーイルが挙げられる。

15 「フェナジニル」としては、フェナジニルー1ーイル、フェナジニルー2ーイルが挙げられる。

「ジヒドロフェナジニル」としては、2,10-ジヒドロフェナジニル-10-イル、2,10-ジヒドロフェナジニル-10-イリデン等が挙げられる

20 「チオキサンセニル」としては、チオキサンセンー9ーイル、チオキサンセン-1ーイル、チオキサンセンー2ーイル、チオキサンセンー3ーイル、チオキサンセン-4ーイル、チオキサンセン-9ーイリデン等が挙げられる。

「ジベンソオキザゼピニル」としては、ジベンソ [b, f] [1, 4] オキ サゼピンー 1 1 ーイル等が挙げられる。

25 「フェノキサジニル」としては、フェノキサジン-10-イル、フェノキサジン-1.-イル、フェノキサジン-2-イル、フェノキサジン-3-イル、フェノキサジン-4-イルが挙げられる。

「アクリジニル」としては、アクリジン-9-イル、アクリジン-1-イル 、アクリジン-2-イル、アクリジン-3-イル、アクリジン-4-イルが挙 げられる。

「キサンテニル」としては、キサンセン-9-イル、キサンセン-1-イル 5 キサンセン-2-イル、キサンセン-3-イル、キサンセン-4-イル、キ サンセン-9-イリデン等が挙げられる。

「チアン トレニル」としては、チアントレン-1-イル、チアントレン-2 -イル、チアントレン-3-イル、チアントレン-4-イルが挙げられる。

[フェノキサチイニル] としては、フェノキサチイン-1-イル、フェノキ 10 サチイン-2-イル、フェノキサチイン-3-イル、フェノキサチイン-4-イルが挙げられる。

「2価の ピリダジニル」としては、ピリダジンー3,6 ージイル、ピリダジンー3,4 ージイル、ピリダジンー3,5 ージイル、ピリダジンー3,4 ージィルが挙げられる。

15 「炭素数 2~6の直鎖または分岐のアルキレン」としては、例えば、エチレン、メチルメチレン、トリメチレン、メチルエチレン、エチルメチレン、テトラメチテン、1-メチルトリメチレン、2-メチルトリメチレン、エチルエチレン、プロピルメチレン、イソプロピルメチレン、ベンタメチレン、ヘキサメチレン等が挙げられる。

20 「炭素数 1~5の直鎖または分岐のアルキレン」としては、例えば、メチレン、エチレン、メチルメチレン、トリメチレン、メチルエチレン、エチルメチレン、テトラメチテン、1-メチルトリメチレン、2-メチルトリメチレン、エチルエチレン、プロピルメチレン、イソプロピルメチレン、ペンタメチレン等が挙げられる。

25 「炭素数 2~5の直鎖または分岐のアルケニレン」としては、例えば、一C H=CH-、一CH=CH-CH<sub>2</sub>-、一C (CH<sub>3</sub>) = CH-、一CH=C H-CH<sub>2</sub>-CH<sub>2</sub>-、一CH<sub>2</sub>-CH=CH-CH<sub>2</sub>-、一C (CH<sub>3</sub>) = C 5 「炭素数 2 ~ 5 の直鎖または分岐のアルキニレン」としては、例えば、- C ≡ C - 、- C≡ C - CH<sub>2</sub> - 、- C≡ C - CH<sub>2</sub> - CH<sub>2</sub> - 、- CH<sub>2</sub> - C≡ C - CH<sub>2</sub> - 、- C≡ C - C H (CH<sub>3</sub>) - 、- C≡ C - CH<sub>2</sub> - CH<sub>2</sub> - CH<sub>2</sub> - 、- CH<sub>2</sub> - C≡ C - C H<sub>2</sub> - CH<sub>2</sub> - 、- C≡ C - CH (CH<sub>3</sub>) - CH<sub>2</sub> - 、- C≡ C - CH<sub>2</sub> - C H (CH<sub>3</sub>) - 、- C≡ C - CH (Et) - 等が挙 10 げられる。

「炭素数1~3の直鎖または分岐のアルキレン」としては、例えば、メチレン、エチレン、メチルメチレン、トリメチレン、メチルエチレン、エチルメチレンが挙げられる。

「炭素数 2 または 3 の直鎖または分岐のアルケニレン」としては、例えば、 15 - CH= CH- 、- CH= CH- CH $_2$ - 、- C (CH $_3$ )= CH- が挙げられる。

「炭素数2または3のアルキニレン」としては、例えば、一C≡C−または −C≡C−CH。−が挙げられる。

式(I) 乃至(VIII) において、R<sup>2</sup>とR<sup>4</sup>、R<sup>3</sup>とR<sup>6</sup>、R<sup>6</sup>とR<sup>7</sup>、および
R<sup>7</sup>とR<sup>8</sup>はそれぞれ繋がって、独立に、ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アミノ;モノ置換アミノ;ジ置換アミノ;ハロゲン化アルキル;アルキルスルファニル;ベンズイミダゾロニル;ならびにハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもより炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい環を形成してもよい。

 $R^3 と R^4 \ R^3 と R^6 \ R^6 と R^7 \$  および/または $R^7 と R^8$ が環を形成する好ましい態様としては、以下の化合物が挙げられる。

R<sup>7</sup>とR<sup>8</sup>が繋がって環を形成する、下記式(Ia)乃至(VIIIa):

5 (式中、各記号は前記の通りである。)で表される化合物;R<sup>®</sup>とR<sup>7</sup>が繋がって環を形成する、下記式(Ib) 乃至(VIIIb):

(式中、各記号は前記の通りである。) で表される化合物; R<sup>2</sup>とR<sup>4</sup>が繋がって環を形成する、下記式(Ic) 乃至(VIIc):

(式中、各記号は前記の通りである。)で表される化合物;  $R^2$ と $R^4$ が繋がって環を形成し、かっ $R^6$ と $R^7$ が繋がって環を形成する、下記式(Id)乃至(VIId):

WO 2006/043710 PCT/JP2005/019645

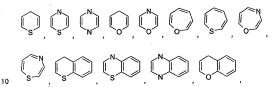
77

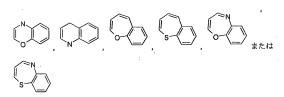
(式中、各記号は前記の通りである。) で表される化合物; R<sup>3</sup>とR<sup>6</sup>が繋がって環を形成する、下記式 (Ie) 乃至 (VIe) および (VIIIe ):

(式中、各記号は前記の通りである。)で表される化合物;あるいは、  $R^2 \& R^4$ が繋がって環を形成し、かつ $R^3 \& R^6$ が繋がって環を形成する、下記式(If)乃至(VIf):

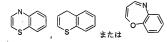
(式中、各記号は前記の通りである。) で表される化合物。

R<sup>2</sup>とR<sup>4</sup>が繋がって形成される環としては、例えば、チオクロメン、ベン ソチアジン、ジヒドロキノキサリン、ベンソピラン、ベンソオキサジン、ジヒ 5 ドロキノリン、ベンソチアゼピン、ベンソオキサゼピン、ベンソオキセピン、 ベンソチエピン、オキセピン、チエピン、オキサゼピン、チアゼピン、チオピ ラン、ジヒドロピラジン、ピラン、チアジンあるいはオキザジン等が挙げられ





等が好ましく、



5 等がより好ましい。

R³とR°が繋がって形成される環としては、例えば、ピロリジン、ピペリジン、ピペラジン、ホモピペリジン、ホモピペラジン等が挙げられ、ピペリジンまたはピペラジンが好ましい。

R®とR<sup>®</sup>が繋がって形成される環としては、例えば、シクロペンタン、シ 10 クロヘキサン、シクロヘプタン、ピロリジン、ピペリジン、ボービペリジン、ホモビペラジン、モルホリン、チオホルホリン等が挙げられ、ピロリジン、ピペリジンまたはピペラジンが好ましい。

R<sup>7</sup>とR<sup>8</sup>が繋がって形成される環としては、例えば、シクロペンタン、シ クロヘキサン、シクロヘブタン、ピロリジン、ピペリジン、パペラジン、ホモ 15 ピペリジン、ホモピペラジン、モルホリン、チオホルホリン等が挙げられ、ピ ペリジンが好ましい。

R¹としては、水素原子、フッ素原子、塩素原子、イソプロピルスルファニル、6-ヒドロキシー2- (4-ヒドロキシフェニル) ベンソ [b] チオフェン-3-イルが好ましい。

20 R<sup>2</sup>としては、水素原子、ヒドロキシ、フェニル、4ーフルオロフェニル、 2ークロロフェニル、あるいはR<sup>4</sup>と繋がって、

## を形成する態様が好ましい。

R³としては、水素原子、メチル、フェニル、あるいはR°と繋がって、ピベリジンまたはピペラジンを形成する態様が好ましい。

5 R<sup>4</sup>としては、水素原子、あるいはR<sup>2</sup>と繋がって、

## を形成する態様が好ましい。

R<sup>5</sup>としては、水素原子または塩素原子が好ましい。

R®としては、水素原子、メチル、ヘキシル、フェニル、シンナミル、R® 10 と繋がってピペリジンまたはピペラジンを形成する態様、あるいは、R®を繋がってピロリジン、ピペリジン、ピペラジン、1ーメチルピペラジン、1ー(2-ヒドロキシエチル) ピペラジンまたは4-(ベンズイミダゾール-2-オン-1-イル) ピペリジンを形成する態様を形成する態様が好ましい。

R'としては、水素原子、メチル、ヘキシル、フェニル、シンナミル、R<sup>6</sup>
15 と繋がってピロリジン、ピペリジン、ピペラジン、1ーメチルピペラジン、1
- (2-ヒドロキシエチル) ピペラジンまたは4- (ベンズイミダゾール-2
-オン-1-イル) ピペリジンを形成する態様、あるいは、R<sup>8</sup>と繋がってピペリジンを形成する態様が好ましい。

R®としては、水素原子、イソプチルオキシメチル、あるいはR<sup>7</sup>と繋がっ てピペリジンを形成する態様が好ましい。

- 式(I)で表される化合物の好適な具体例としては、スロクチジル(Suloct idil)が挙げられる。
- 5 式(II) で表される化合物の好適な具体例としては、フェンジリン(fendi line) が挙げられる。
  - 式 (III) としては、式 (IIIb) が好ましい。式 (III) で表される化合物 の好適な具体例としては、ピモジド (Pimozide) が挙げられる。
    - 式 (IV) としては、式 (IVc) 、式 (IVd) または式 (IVf) が好ましい。式
- 10 (IV) で表される化合物の好適な具体例としては、フルベンチキソール (Flu pentixol)、クロルプロチキセン (Chlorprothixene) またはピメチキセン (Pimethixene) 等が挙げられる。
- 式 (V) としては、式 (Vb) 、式 (Ve) または式 (Vf) が好ましい。式 (V ) で表される化合物の好適な具体例としては、ベブリジル (Bepridil) 、フ 15 ルナリジン (Flunarizine) またはロキサビン (Loxapine) 等が挙げられる。
  - 式 (VI) としては、式 (VId) が好ましい。式 (VI) で表される化合物の好適な具体例としては、トリフロオペラジン (Trifluoperazine) 等が挙げられる。
- 式 (VII) としては、式 (VIIb) が好ましい。式 (VII) で表される化合物 20 の好適な具体例としては、クロペラスチン (Cloperastine) 等が挙げられる
  - 式 (VIII) としては、式 (VIIIa) が好ましい。式 (VIII) で表される化合物の好適な具体例としては、塩酸ラロキシフェン (Raloxifene hydrochlori de) 等が挙げられる。
- 25 式 (I) 乃至式 (VIII) で表される化合物の他の好ましい態様として、例えば式 (I) 乃至式 (VIII) において、R¹、R²、R³、R⁴、R⁵、R⁰、R¹およびR⁵のいずれか1つを、上記定義に代えて、式 (B) ~ (D):

(式中、 $X^0$ は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基とした化合物等が挙げられる。

式 (1) において、Bridge¹としては (Ia) が好ましく、 $R^{1*}$ として k4-フルオロフェニルが好ましく、 $R^{3*}$ としてはフェニルが好ましく、 $R^{3*}$ としてはフェニルが好ましく、 $R^{3*}$ 

式 (1') において、好ましい態様は式 (1) と同様である。但し、 $\mathbb{R}^{0*}$  、 $\mathbb{R}^{4*'}$  、 $\mathbb{R}^{5*'}$  および $\mathbb{R}^{5*'}$  のいずれか1つが、式  $(1B) \sim (1D)$  :

10 (式中、X°・'は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択される基である龍様も好ましい。

式 (2) において、Bridge<sup>2</sup>としては下記式

$$R^{3b}$$
 $R^{2b}$ 
 $R^{1b}$ 
 $R^{2b}$ 
 $R^{1b}$ 
 $R^{2b}$ 
 $R^{1b}$ 
 $R^{2b}$ 
 $R^{1b}$ 
 $R^{2b}$ 
 $R^{2b}$ 
 $R^{1b}$ 
 $R^{2b}$ 
 $R^{2b}$ 
 $R^{1b}$ 

からなる群から選ばれる ブリッジ構造が好ましく、R<sup>1b</sup>としてはフェニル、 4-クロロフェニル、4 ーフルオロフェニルが好ましく、R<sup>2b</sup>としてはフェ ニル、4-フルオロフェニル、4-ピフェニル、イミダソール-1-イルが好 5 ましく、R<sup>2b</sup>としてはフェニル、4-ピフェニル、ベンズイミダソール-2 ーオン-1-イル、イミ ダソール-1-イル、ピベリジン-1-イルが好まし い

式(2)で表される化合物の好適な具体例としては、ピモジド (Pimozide )、ピフォナゾール (Bifonazole)、フルナリジン (Flunarizine)、フェン 10 ジリン (fendiline)、クロペラスチン (Cloperastine) が挙げられる。 式(2')において、好ましい態様は式(2)と同様である。但し、R<sup>4b'</sup> R<sup>5b'</sup> およびR<sup>6b'</sup> のいずれか1つが、式(2B)~(2D):

(式中、 $X^{ob}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレン を示す。) からなる群から選択される基である態様も好ましい。

式 (3) において、 $Bridge^3$ としては (3e) が好ましく、 $R^{1\circ}$ としては true (3e) が好ましく、 $R^{3\circ}$ としてはアエニルが好ましく、 $R^{3\circ}$ としてはピロリジン-1-イルが好ましく、 $R^{4\circ}$ としてはイソプチルが好ましい。

式 (3) で表される化合物の好適な具体例としては、ベブリジル (Bepridi 1) が挙げられる。

式 (3') において、好ましい態様は式 (3) と同様である。但し、 $R^{\circ\circ}$ : 10 、 $R^{\circ\circ}$ '、 $R^{\circ\circ}$ '、 $R^{\circ\circ}$ ' および $R^{\circ\circ}$ 'のいずれか1つが、式  $(3B)\sim(3D)$ :

式 (4) において、R<sup>14</sup>としては3,5-ジプロモー4-ヒドロキシフェニル、4-[2-(ピペリジン-1-イル)エトキシ]フェニルが好ましく、R<sup>24</sup>としては2-エチルペンソ[b]フラン-3-イル、2-(4-ヒドロキシフェニル)-6-ヒドロキシベンソ[b]チオフェン-3-イルが好まし
5 い。

式 (4) で表される化合物の好適な具体例としては、塩酸ラロキシフェン (
Raloxifene hydrochloride) 、ベンズプロマロン (Benzbromarone) が挙げ られる。

式 (4') において、好ましい態様は式 (4) と同様である。但し、 $\mathbf{R}^{44'}$  10 および $\mathbf{R}^{54'}$  のいずれか  $\mathbf{1}$  つが、式  $\mathbf{(4B)}\sim\mathbf{(4D)}$  :

(式中、 $X^{0.4}$  は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基である態様も好ましい。

式 (5) において、R<sup>1</sup>°としてはフェニル、2ークロロフェニルが好まし 15 く、R<sup>3</sup>°としてはメチル、イソプロピルメチルが好ましく、R<sup>2</sup>°としてなべ ンゼン、チオフェンが好ましい。

式 (5) で表される化合物の好適な具体例としては、プラゼバム (Pra zepa m)、クロチアゼバム (Clotiazepam) が挙げられる。

式 (5') において、好ましい態様は式 (5) と同様である。但し、R <sup>3</sup> · 20 '、R <sup>4</sup> · 、R <sup>5</sup> · およびR <sup>6</sup> · のいずれか1つが、式 (5B) ~ (5D) :

(式中、 $X^{0}$ ・は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる難から選択される基である態様も好ましい。

式(6)において、Bridge bしては式

からなる群から選ばれるブリッジ構造が好ましく、 $R^{1f}$ としてはフェニル、4-4イソプロピルフェニル、4-7ルオロフェニルが好ましく、 $R^{2f}$ としてはフェニル、4-(1,1,3,3-7)トリフルオロメチルフェニルまたは式(f1):

$$\begin{array}{c|c} & & & \text{Btidge}^6 \\ \text{H}_2\text{NO}_2\text{S} & & & \text{O}_2 \end{array} \tag{f1}$$

で表される基が好ましい。

5

10

式 (6) で表される化合物の好適な具体例としては、スロクチジル (Suloc tidil) 、ベンゼトニウム (Benzethonium) 、ビカルタミド (Bicaltamide) 、ベンズチアジド (Benzthiazide) が挙げられる。

式 (6') において、好ましい態様は式 (6) と同様である。但し、 $\mathbb{R}^{4'}$  5 および $\mathbb{R}^{5'}$  のいずれか1つが、式  $(6B) \sim (6D)$  :

(式中、 $X^{\text{oll}}$  は炭素数 $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基である態様も好ましい。

式 (7) において、X<sup>12</sup>としてはエチレンが好ましく、R<sup>14</sup>としてはフェ
10 ニル、4ーイソプロピルフェニル、4ーフルオロフェニルが好ましく、R<sup>25</sup> としてはピリダジンー3,6ージイルが好ましく、R<sup>35</sup>としてはモルフォリ ンー1ーイルが好ましい。

式(7)で表される化合物の好適な具体例としては、ミナブリン(Minapri ne)が挙げられる。

15 式(7') において、好ましい態様は式(7) と同様である。但し、R<sup>3 6'</sup>、R<sup>4 6'</sup>、R<sup>5 6'</sup> およびR<sup>5 6'</sup> のいずれか1つが、式(7B)~(7D):

89

(式中、Xº\*'は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基である態様も好ましい。

式 (8a) ~ (8j) において、式

からなる群から選ばれる態様が好ましく、R³hとしては4-クロロフェニル、4-メチルピペラジン-1-イル、4-(2-ヒドロキシエチル) ピペラジン-1-イル、3-(N, N-ジメチルアミノ) プロピリデン、1-メチルピペリジン-4-イリデンが好ましく、R³hとしては、チオキサンテン-9-10 イリデン、2-クロロチオキサンテン-9-イリデン、2-トリフルオロメチルチオキサンテン-9-イリデン、2-トリフルオロメチルフェノチアジン-10-イル、2-クロロジベンソ[b, f] [1, 4] オキサゼピン-11-イルまたは式

で表される基が好ましい。

式 (8a) ~ (8j) で表される化合物の好適な具体例としては、トリフロオペラジン (Trifluoperazine) 、クロルプロチキセン (Chlorprothixene) 、ビメチキセン (Pimethixene) 、フルペンチキソール (Flupentixol) 、クロ ファジミン (Clofazimine) 、ロキサピン (Loxapine) が挙げられる。

式(8a')~(8j'))において、好ましい態様は式(8a)~(8j)と同様である。但し、 $R^{sh'}$ 、 $R^{sh'}$ および $R^{sh'}$ のいずれか1つが、式(8B)~(8D):

10 (式中、Xºh'は炭素数1~5の直顧または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択される基である態様も好ましい。

式 (9) において、R°¹としては3, 4, 5ートリメトキシフェニル、3 5-ジメトキシー4-エトキシカルボニルオキシフェニルが好ましい。

式 (9) で表される化合物の好適な具体例としては、レスシンナミン (Res 15 cinnamine) 、シロシンゴピン (Syrosingopine) が挙げられる。

式 (9') において、好ましい態様は式 (9) と同様である。但し、 $R^{6i'}$ および $R^{9i'}$ のいずれか1つが、式  $(9B) \sim (9D)$ :

(式中、Xº1'は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基である態様も好ましい。

式 (10) において、Bridge<sup>10</sup>としては (10a) が好ましく、R<sup>11</sup>5 としては式 (j2)

(式中、X<sup>14</sup>はイソプロビル、イソブチル、secーブチルまたはベンジル を示す。) で表される基が好ましい。

式 (10) で表される化合物の好適な具体例としては、メシル酸ジヒドロエ

10 ルゴコルニン (Dihydroergocornine mesylate) 、メシル酸ジヒドローαー
エルゴクリプチン (Dihydro-α-ergocryptine mesylate) 、メシル酸ジヒド
ローβーエルゴクリプチン (Dihydro-β-ergocryptine mesylate) 、メシル

酸ジヒドロエルゴクリスチン (Dihydroergocristine mesylate) が挙げられ
エ

式 (10') において、好ましい態様は式 (10) と同様である。但じ、R
\*i'およびR<sup>11'</sup> のいずれか1つが、式 (10B) ~ (10D):

(式中、Xº) は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)から たる群から選択される基である能様も好ましい。

式 (11) において、 $R^{12k}$ としては (11a) が好ましく、 $R^{13k}$ としては x チルが好ましい。

式(11)で表される化合物の好適な具体例としては、スタノゾロール(Stanozolol)が挙げられる。

10 式 (11') において、好ましい態様は式 (11) と同様である。但し、R \*\* お上でRR1\*\* のいずれか1つが、式 (11B) ~ (11D):

(式中、X°\*\* は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からたる群から選択される基である態様も好ましい。

以下式(I) 乃至(VIII)、式(1) 乃至(11) および以下式(1') 乃至(11') で表わされる化合物を総称して本発明化合物と称することもある。本発明の式(1') 乃至(11') で表わされる化合物は、ニューロカルシンに対する結合作用に加え、さらにHMGCoA還元酵素にも結合し得るもの であり、HMGCoA還元酵素阻害作用による血中コレステロール低下作用なども期待でき、高脂血症に基づく脳血管障害(脳梗塞、一過性脳虚血)や認知

本発明化合物は、医薬として許容され得る塩を形成していてもよく、該塩としては酸付加塩、例えば無機酸塩(例えば、塩酸塩、硫酸塩、臭化水素酸塩、 リン酸塩等)、有機酸塩(例えば、酢酸塩、トリフルオロ酢酸塩、コハク酸塩、 マレイン酸塩、フマル酸塩、プロピオン酸塩、クエン酸塩、酒石酸塩、乳酸塩、 シュウ酸塩、メタンスルホン酸塩、pートルエンスルホン酸塩等)等が挙げら れる。

尚、本発明化合物またはその塩は水和物等の溶媒和物であってもよい。

## 15 2. スクリーニング方法、および該方法により得られる成果物

症の予防などにより幅広い効果が期待できる。

本発明は、被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得るか否かを評価することを含む、薬物のスクリーニング方法を提供する。本発明のスクリーニング方法を提供する。本発明のスクリーニング方法は、スクリーニングされる薬物の種類の観点から、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用(例えば、中枢神経作用)を調節し得る物質をスクリーニングする方法に大別できる。本発明のスクリーニング方法はまた、インビトロ、インビポまたはインシリコで行うことができる。なお、本発明のスクリーニング方法により得られるNCSタンパク質遺伝子の発現を調節し得る物質は、NCSタンパク質の量を調節し得る物質と同義であり、所定の組織または細胞におけるNCSタンパク質の存在量、あるいは所定の細胞内位置におけるNCSタンパク質の存在量を変化させ得る物質であり得る。従って、NCSタンパク質遺伝子の発現を調節し得る物質としては、例えば、NCSタンパク質遺伝子の発現を調節し得る物質としては、例えば、NCSタンパク質遺伝子の発現を調節し得る物質としては、例えば、NCSタンパク質遺伝子の発現を調節し得る物質としては、例えば、NCSタンパ

ク質遺伝子からのNCSタンパク質の生合成を調節し得る物質のみならず、NCSタンパク質の細胞内局在を調節し得る物質、NCSタンパク質の代謝(例えば、代謝による分解)を調節し得る物質もまた含まれる。

以下、それぞれのスクリーニング方法を詳述する。

5 2.1.NCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調飾し得る物質のスクリーニング方法(スクリーニング方法1)

本発明は、被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調飾し得るか否かを評価することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用を 調飾し得る物質のスクリーニング方法を提供する。

10 本スクリーニング方法を、必要に応じて「スクリーニング方法 I」と省略する。

スクリーニング方法Iは、被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現または 機能を調節し得るか否かを評価し、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能 を調節し得る被験物質を選択することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関

- 15 連する作用を調節し得る物質のスクリーニング方法 (スクリーニング方法 I a)、並びに被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得るか否かを評価し、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得ない被験物質を選択することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用 (なかでも、既知標的分子に関連する作用)を調節し得る物質のスクリーニン
- 20 グ方法(スクリーニング方法Ib)に大別できる。スクリーニング方法Iaは、 NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患または状態の調節薬の開発などに有 用であり得る。また、スクリーニング方法Ibは、既知標的分子に関連する作 用の調節能を有し、且つNCSタンパク質標的薬物が示す副作用が低減した医 薬の開発などに有用であり得る。
- 25 2.1.1.NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を関節し得る被験物質を選択することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調節し得る物質のスクリーニング方法(スクリーニング方法Ia)

スクリーニング方法に供される被験物質は、いかなる公知化合物及び新規化 合物であってもよく、例えば、核酸、糖質、脂質、タンパク質、ペプチド、有 機低分子化合物、コンピナトリアルケミストリー技術を用いて作製された化合 物ライブラリー、固相合成やファージディスプレイ法により作製されたランダ 5 ムペプチドライブラリー、あるいは微生物、動植物、海洋生物等由来の天然成 分等が挙げられる。 被験物質は、標識されていても未標識であってもよく、ま た、標識体と未標識体を所定の割合で含む混合物も被験物質として使用できる。 標識用物質は、上述したものと同様である。

— 実施形態では、スクリーニング方法 I a は、下記の工程 (a)、(b)及 10 び(c)を含む:

- (a) 被験物質をNCSタンパク質に接触させる工程;
- (b) 被験物質の存在下における該タンパク質の機能レベルを測定し、該機能 レベルを被験物質の非存在下における該タンパク質の機能レベルと比較する工程:
- . 15 (c) 上記 (b) の比較結果に基づいて、該タンパク質の機能レベルの変化を もたらす被験物質を選択する工程。

上記  $(a) \sim (c)$  の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論 I」と省略する。

方法論 I の工程 (a) では、被験物質がN C S タンパク質と接触条件下にお 20 かれる。被験物質の該タンパク質に対する接触は、溶液中での単離されたN C S タンパク質と被験物質との接触、あるいはN C S タンパク質を発現可能な細 版又は組織と被験物質との接触により行われ得る。

NCSタンパク質は自体公知の方法により調製できる。例えば、上述した発現組織からNCSタンパク質を単離・精製できる。しかしながら、迅速、容易 25 かつ大量にNCSタンパク質を調製し、また、ヒトNCSタンパク質を調製するためには、遺伝子組換え技術により組換えタンパク質を調製するのが好ましい。組換えタンパク質は、細胞系、無細胞系のいずれで調製したものでもよい。

NCSタンパク質を発現可能な細胞は、NCSタンパク質を発現するものである限り特に限定されず、NCSタンパク質の発現組織由来の細胞、NCSタンパク質発現ベクターで形質転換された細胞などであり得る。 該細胞は、当業者であれば容易に同定又は調製でき、初代培養細胞、当該初代培養細胞から誘導された細胞株、市販の細胞株、セルバンクより入手可能な細胞株などを使用できる。NCSタンパク質を発現可能な組織は、上述した発現組織を使用できる。

方法論 I の工程 (b) では、被験物質の存在下における該タンパク質の機能 レベルが測定される。機能レベルの測定は、上述したNCS タンパク質の機能 10 を測定可能な自体公知の方法により行われ得る。

また、機能レベルは、NCSタンパク質の総機能レベルに基づいて測定するのではなく、NCSタンパク質の個々のアイソフォーム(例えば、スプライシングバリアント)に対する機能レベルあるいはアイソフォーム間の機能レベル比に基づいて測定してもよい。

15 次いで、被験物質の存在下におけるNCSタンパク質の機能レベルが、被験物質の非存在下におけるNCSタンパク質の機能レベルと比較される。機能レベルの比較は、好ましくは、有意差の有無に基づいて行なわれる。被験物質の非存在下におけるNCSタンパク質の機能レベルは、被験物質の存在下におけるNCSタンパク質の機能レベルの測定に対し、事前に測定した機能レベルで20 あっても、同時に測定した機能レベルであってもよいが、実験の精度、再現性の観点から同時に測定した機能レベルであることが好ましい。

方法論 I の工程 (c) では、該タンパク質の機能レベルの変化をもたらす被 験物質が選択される。該タンパク質の変化をもたらす被験物質は、NCSタン パク質の機能を促進または抑制し得る。このように選択された被験物質は、N 25 CSタンパク質標的薬物に関連する疾患または状態の調節に有用であり得る。

別の実施形態では、スクリーニング方法 I a は、下記の工程 (a) 、 (b) 及び (c) を含む:

- (a) 被験物質とNCSタンパク質遺伝子の発現を測定可能な細胞とを接触 させる工程:
- (b) 被験物質を接触させた細胞におけるNCSタンパク質遺伝子の発現量を 測定し、該発現量を被験物質を接触させない対照細胞におけるNCSタンパク
- 5 質遺伝子の発現量と比較する工程;
  - (c) 上記(b) の比較結果に基づいて、NCSタンパク質遺伝子の発現量を 調飾する被験物質を選択する工程。
  - 上記  $(a) \sim (c)$  の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論 [1] と 省略する。
- 10 方法論 I I の工程 (a) では、被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現を 測定可能な細胞と接触条件下におかれる。NCSタンパク質遺伝子の発現を 測 定可能な細胞に対する被験物質の接触は、培養培地中で行われ得る。

「NCSタンパク質遺伝子の発現を測定可能な細胞」とは、NCSタンパク質遺伝子の産物、例えば、転写産物、翻訳産物の発現レベルを直接的又は間接 的に評価可能な細胞をいう。NCSタンパク質遺伝子の産物の発現レベルを直接的に評価可能な細胞は、NCSタンパク質遺伝子を天然で発現可能な細胞であり得、一方、NCSタンパク質遺伝子の産物の発現レベルを間接的に評価可能な細胞は、NCSタンパク質遺伝子転写調節領域についてレポーターアッセイを可能とする細胞であり得る。

- 20 NCSタンパク質遺伝子を天然で発現可能な細胞は、NCSタンパク質遺伝 子を潜在的に発現するものである限り特に限定されず、NCSタンパク質遺伝 子を恒常的に発現している細胞、NCSタンパク質遺伝子を誘導条件下(例えば、薬物での処理)で発現する細胞などであり得る。該細胞は、当業者であれば容易に同定でき、初代培養細胞、当該初代培養細胞から誘導された細胞株、
- 25 市販の細胞株、セルバンクより入手可能な細胞株などを使用できる。NCSタンバク質のうちニューロカルシンδが発現している細胞株としては、視神経

細胞、末梢感覚神経細胞、脳内の神経細胞、またはこれらの細胞由来株 が挙げ られる。

NCSタンパク質遺伝子転写調節領域についてレポーターアッセイを可能と する細胞は、NCSタンパク質遺伝子転写調節領域、当該領域に機能可能に連 5 結されたレポーター遺伝子を含む細胞である。NCSタンパク質遺伝子 転写調 節領域、レポーター遺伝子は、発現ベクター中に挿入されている。

NCSタンパク質遺伝子転写調節領域は、NCSタンパク質遺伝子の発現を 制御し得る領域である限り特に限定されないが、例えば、転写開始点から上流 約2kbpまでの領域、あるいは該領域の塩基配列において1以上の塩基が欠 10 失、置換若しくは付加された塩基配列からなり、且つNCSタンパク質遺伝子 の転写を制御する能力を有する領域などを挙げることができる。

レポーター遺伝子は、検出可能なタンパク又は酵素をコードする遺伝子であればよく、例えばGFP (緑色蛍光タンパク質) 遺伝子、GUS (βーグルクロニダーゼ) 遺伝子、LUS (ルシフェラーゼ) 遺伝子、CAT (クロラムフ15 エニコルアセチルトランスフェラーゼ) 遺伝子等が挙げられる。

NCSタンパク質遺伝子転写調節領域、当該領域に機能可能に連結されたレポーター遺伝子が導入される細胞は、NCSタンパク質遺伝子転写調節機能を評価できる限り、即ち、該レポーター遺伝子の発現量が定量的に解析可能である限り特に限定されない。しかしながら、NCSタンパク質遺伝子に対する生理的な転写調節因子を発現し、NCSタンパク質遺伝子の発現調節の評価により適切であると考えられることから、該導入される細胞としては、NCSタンパク質遺伝子を天然で発現可能な細胞が好ましい。

被験物質とNCSタンパク質遺伝子の発現を測定可能な細胞とが接触される 培養培地は、用いられる細胞の種類などに応じて適宜選択されるが、例えば、

25 約5~20%のウシ胎仔血清を含む最少必須培地(MEM)、ダルベシコ改変最少必須培地(DMEM)、RPMI1640培地、199培地などである。 培養条件もまた、用いられる細胞の種類などに応じて適宜決定されるが、例え

どが使用できる。

方法論 I I の工程(b)では、先ず、被験物質を接触させた細胞におけるN C S タンパク質遺伝子の発現量が測定される。発現量の測定は、用いた細胞の 5 種類などを考慮し、自体公知の方法により行われ得る。

例えば、NCSタンパク質遺伝子の発現を測定可能な細胞として、NCSタンパク質遺伝子を天然で発現可能な細胞を用いた場合、発現量は、NCSタンパク質遺伝子の産物、例えば、転写産物又は翻訳産物を対象として自体公知の方法により測定できる。例えば、転写産物の発現量は、細胞からtotal RN 10 Aを調製し、RT-PCR、ノザンブロッティング等により測定され得る。また、翻訳産物の発現量は、細胞から抽出液を調製し、免疫学的手法により測定され得る。免疫学的手法としては、放射性同位元素免疫測定法(RIA法)、ELISA法 (Methods in Enzymol. 70: 419-439 (1980))、 蛍光抗体法な

15 一方、NCSタンパク質遺伝子の発現を測定可能な細胞として、NCSタンパク質遺伝子転写調節領域についてレポーターアッセイを可能とする細胞を用いた場合、発現量は、レポーターのシグナル強度に基づき測定され得る。

また、発現量は、NCSタンパク質遺伝子の総発現量に基づいて測定するのではなく、NCSタンパク質遺伝子の個々のアイソフォーム (例えば、スプラ 20 イシングパリアント) に対する発現量あるいはアイソフォーム間の発現比に基づいて測定してもよい。

さらには、発現量は、細胞膜への局在に基づいて測定することもできる。細胞に局在するNCSタンパク質の量は、自体公知の方法により測定できる。例えば、GFP遺伝子等の蛍光タンパク質をコードする遺伝子と融合させたNC Sタンパク質を適切な細胞に導入し、培養培地において被験物質の存在下で培養する。次いで、共焦点顕微鏡により細胞膜における蛍光シグナルを観察し、被験物質の非存在下での該器官における蛍光シグナルと比較すればよい。また、

NCSタンパク質に対する抗体を用いる免疫染色によっても、細胞膜に局在するNCSタンパク質の量を測定できる。

次いで、被験物質を接触させた細胞におけるNCSタンパク質遺伝子の発現 量が、被験物質を接触させない対照細胞におけるNCSタンパク質遺伝子の発 男量と比較される。発現量の比較は、好ましくは、有意差の有無に基づいて行 なわれる。被験物質を接触させない対照細胞におけるNCSタンパク質遺伝子 の発現量は、被験物質を接触させな細胞におけるNCSタンパク質遺伝子の発 現量の測定に対し、事前に測定した発現量であっても、同時に測定した発現量 であってもよいが、実験の精度、再現性の観点から同時に測定した発現量であ 10 ることが好ましい。

方法論 IIの工程(c)では、NCSタンパク質遺伝子の発現量を調節する 被験物質が選択される。NCSタンパク質遺伝子の発現量の調節は、発現量の 促進または抑制であり得る。このように選択された被験物質は、NCSタンパ ク質標的薬物に関連する作用の調節に有用であり得る。

- 15 別の実施形態では、スクリーニング方法 I a は、下記の工程 (a)、(b) 及び(c)を含む:
  - (a) 被験物質をNCSタンパク質またはその変異タンパク質に接触させる工程:
  - (b) 被験物質の該タンパク質に対する結合能を測定する工程;
- 20 (c)上記(b)の結果に基づいて、該タンパク質に結合能を有する被験物質を選択する工程。

上記(a)~(c)の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論 I I I 」 と省略する。

方法論 I I I の工程 (a) では、被験物質がNCSタンパク質またはその変 25 異タンパク質と接触条件下におかれる。被験物質の該タンパク質に対する接触 は、溶液中での被験物質と該タンパク質との混合により行われ得る。 NCSタンパク質は自体公知の方法により調製できる。例えば、上述じたNCSタンパク質遺伝子の発現組織からNCSタンパク質を単離・精製できる。 しかしながら、迅速、容易かつ大量にNCSタンパク質を調製し、また、ヒトNCSタンパク質を調製するためには、遺伝子組換え技術により組換えタンパラ質を調製するのが好ましい。組換えタンパク質は、細胞系、無細胞系のいずれで調製したものでもよい。NCSタンパク質様的薬物に結合能を有する変異タンパク質もまた、当業者であれば、自体公知の方法により容易に調製できる。変異タンパク質は上述の通りである。

方法論 I I I の工程(b)では、該タンパク質に対する被験物質の結合能が 10 測定される。結合能の測定は、自体公知の方法により行われ得る。また、結合 能の他、結合強度、該タンパク質に対する結合における被験物質の濃度依存性 などがさらに測定できる。結合強度、濃度依存性は、測定手段を適宜選択する ことで測定できる。

結合能の測定は、例えば、SEC/MS (サイズ排除クロマトグラフィー/15 質量分析) 法により行われ得る (Moy, F. J. et al., Anal. Chem., 2001, 73, 571-581 参照)。 SEC/MS法では、(1) 精製したタンパク質に混合した多重化化合物標品を添加した後、遊離の化合物とタンパク質とをSECで分離する工程と、(2) タンパク質分画に含まれる結合化合物をMSによって同定する解析工程とから構成される。SEC/MS法は、タンパク質、被験物質の双方とも非修飾、非固定の状態で結合能を解析できる点で優れている。SEC/MS法では、被験物質のタンパク質に対する結合能のみならず、タンパク質に対する結合における被験物質の機度依存性などについても同時に測定できる。

結合能の測定はまた、表面プラズモン共鳴を利用した測定手段、例えば、B 25 iacoreにより行われ得る。Biacoreでは、チップ上に固定したタンパク質において、被験物質のタンパク質に対する結合及び解離を測定し、被験物質を含有しない溶液をチップ上にロードした場合と比較する。そして、結 合及び解離の速度あるいは結合量についての結果に基づいて、タンパク質に結合能を有する被験物質が選択される。Biacoreでは、被験物質のタンパク質に対する結合能のみならず、結合強度(例えば、K<sub>a</sub>値)などについても同時に測定できる。

結合能を測定し得る他の方法としては、例えば、水晶振動子マイクロバランス (Quartz Crystal Microbalance: QCM) 法、二面偏放式干渉計 (Dual Polarisation Interferometer: DPI) 法、Coupled Waveguide Plasmon Resonance 法等の SPR あるいは光学的な手法、免疫沈降法、等温滴定および示差走査カロリメトリー、キャピラリー電気泳動法、エナジートランスファー、10 蛍光相関分析等の蛍光分析法、さらには X 線結晶構造解析、Nuclear

また、結合能の測定に際しては、NCSタンパク質結合性物質をコントロールとして用いることもできる。

Magnetic Resonance(NMR)等の構造解析法が挙げられる。

その誘導体、あるいはそれらの塩であり得る。

「NCSタンパク質結合性物質」とは、NCSタンパク質またはその変異タンパク質と直接的に相互作用可能な化合物であり、例えば、タンパク質、核酸、糖質、脂質、低分子有機化合物であり得る。好ましくは、NCSタンパク質結合性物質は、上述したNCSタンパク質標的薬物であり得るが、例えばアトルバスタチン、ピモジド、ピフォナゾール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ペプリジル、塩酸ラロキシフェン、ペンズブロマロン、ブラゼパ20 ム、クロチアゼパム、スロクチジル、ベンゼトニウム、ビカルタミド、ベンズチアジド、ミナプリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ビメチキセン、フルベンチキソール、クロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロール、NCSタンパク質に結合能を有する

られる。

塩としては、特に限定されないが、医薬上許容され得る塩が好ましく、例えば無機塩基 (例えば、ナトリウム、カリウムなどのアルカリ金属;カルシウム、マグネシウムなどのアルカリ土類金属;アルミニウム、アンモニウム)、有機塩基 (例えば、トリメチルアミン、トリエチルアミン、ピリジン、ピコリン、5 エタノールアミン、ジェタノールアミン、トリエタノールアミン、ジシクロへキシルアミン、N, Nージベンジルエチレンジアミン)、無機酸(例えば、塩酸、臭化水素酸、硝酸、硫酸、リン酸)、有機酸(例えば、ギ酸、酢酸、トリフルオロ酢酸、フマル酸、シュウ酸、酒石酸、マレイン酸、クエン酸、コハク酸、リンゴ酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸、ワートルエンスルホン酸、リンゴ酸、メタンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸、アートルエンスルホン酸)、塩基性アミノ酸 (例えば、アルギニン、リジン、オルニチン)または酸性アミノ酸 (例えば、アスパラギン酸、グルタミン酸) との塩などが挙げ

さらに、結合能は、NCSタンパク質遺伝子の総結合能に基づいて測定する のではなく、NCSタンパク質遺伝子の個々のアイソフォーム (例えば、スプ 15 ライシングパリアント) に対する結合能あるいはアイソフォーム間の結合能比 に基づいて測定してもよい。

また、結合能の測定は、インシリコで行うこともできる。例えば、結合能の 測定は、S B D D (Structure-Based Drug Design: SBDD)、C A D D (Com puter-Aided Drug Design) に基づいて行われ得る。このようなスクリーニ 20 ングの例と しては、パーチャルスクリーニング、de novo デザイン、ファーマ コフォー分析、Q S A R (Quantitative Structure Activity Relationshi p) などが挙げられる。このようなスクリーニングの際にタンパク質自体、あ るいはタンパク質の標的部位の立体構造の情報が必要とされる場合、NMR、 X線結晶解析、放射光解析等の構造解析法により立体構造が判明しているなら はその情報が使用され、立体構造が判明していないならば homology 法、Thre ading 法等の構造予測法により得られる情報などが使用される。また、パーチャルスクリーニングでは、自体公知のプログラムを用いることができ、このよ うなプログラムとしては、例えば、Dock (Kuntz, I. D. et al., Science, 1992, 257, 1078)、Gold (Jones, G. et al., J. Mol. Biol., 1995, 245, 43)、FlexX (Rarey, M. et al., J. Mol. Biol., 1996, 261, 470)、AutoDock (Morris, G. M. et al., J. Comput. Chem., 1998, 19, 1639)、ICM (Abagyan, R. A. et al., J. Comput. Chem., 1994, 15, 488)などが挙げられる。

方法論 I I I の工程 (c) では、NCSタンパク質またはその変異タンパク 質に結合能を有する被験物質が選択される。該タンパク質に結合能を有する被 験物質は、NCSタンパク質の機能を促進または抑制し得る。このように選択 10 された被験物質は、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患の調節に有用で あり得る。

さらに別の実施形態では、スクリーニング方法 I a は、下記の工程 (a)、

- (b) 及び (c) を含む:
- (a) 被験物質、NCSタンパク質結合性物質を、NCSタンパク質またはそ 15 の変異タンパク質に接触させる工程;
  - (b) 被験物質の存在下におけるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質 に対する結合量を測定し、該結合量を被験物質の非存在下におけるNCSタン パク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量と比較する工程;
- (c) 上記(b)の比較結果に基づいて、NCSタンパク質結合性物質の該タ 20 ンパク質に対する結合量の変化をもたらす被験物質を選択する工程。
  - 上記 (a)  $\sim$  (c) の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論 IV」と 省略する。

方法論 I Vの工程 (a) では、被験物質、NCSタンパク質結合性物質のいずれもがNCSタンパク質またはその変異タンパク質と接触条件下におかれる。 25 被験物質、NCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する接触は、溶液中での被験物質、NCSタンパク質結合性物質、該タンパク質の混合により行われ得る。また、該タンパク質に対して被験物質、NCSタンパク質に合性物 質を接触させる順番は特に限定されず、いずれかを先に該タンパク質に接触させても、同時に接触させてもよい。

NCSタンパク質およびその変異タンパク質は自体公知の方法により調製で きる。例えば、該タンパク質の調製は、方法論IIIで上述した方法により行 5 われ得る。

NCSタンパク質結合性物質は、標識されていても未標識であってもよく。 また、標識体と未標識体を所定の割合で含む混合物もNCSタンパク質結合性 物質として使用できる。標職用物質は上述の通りである。

方法論 I Vの工程 (b) では、先ず、被験物質の存在下、N C S タンパク質 10 結合性物質の該タンパク質に対する結合量が測定される。結合量の測定は、用いたN C S タンパク質結合性物質の種類、標識の有無などを考慮し、自体公知の方法により行われ得る。また、結合量の他、結合強度 (例えば、K 4値)、該タンパク質に対する結合における被験物質の濃度依存性などがさらに測定できる。結合強度、濃度依存性は、測定手段を適宜選択することで測定できる。

15 結合量の測定は、例えば、標識されたNCSタンパク質結合性物質を用いて 行われ得る。該タンパク質に結合したNCSタンパク質結合性物質と未結合の NCSタンパク質結合性物質は、結合量の測定前に分離され得る。より詳細に は、このような測定は、方法論IIIと同様に行われ得る。

, また、結合能は、NCSタンパク質の総結合量に基づいて測定するのではな 20 く、NCSタンパク質の個々のアイソフォーム(例えば、スプライシングパリ アント)に対する結合能あるいはアイソフォーム間の結合能比に基づいて測定 してもよい。

次いで、被験物質の存在下におけるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量が、被験物質の非存在下におけるNCSタンパク質結合性 物質の該タンパク質に対する結合量と比較される。結合量の比較は、好ましくは、有意差の有無に基づいて行われる。被験物質の非存在下におけるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量は、被験物質の存在下にお

けるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量の測定に対し、 事前に測定した結合量であっても、同時に測定した結合量であってもよいが、 実験の精度、再現性の観点から同時に測定した結合量であることが好ましい。

方法論 I Vの工程 (c) では、NCS タンパク質結合性物質の該タンパク質 5 に対する結合量の変化をもたらす被験物質が選択される。結合量の変化は、例 えば、結合量の低下または増加であり得るが、結合量の低下が好ましい。この ように選択された被験物質は、NCS タンパク質標的薬物に関連する作用の調 節に有用であり得る。

スクリーニング方法 I a は、 (d) (i) 選択された被験物質がNCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調節、例えば促進または抑制し得ることを確認する工程(確認工程)、または (i i) 選択された被験物質が有する作用の種類を同定する工程(同定工程)をさらに含むことができる。確認工程または同定工程は、例えば、正常な動物に対し、あるいは「NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患」の動物またはモデル動物に対し、被験物質を投与することで行なわれ得る。あるいは、これらの工程は、被験物質を細胞に接触させ、接触後の細胞の表現型の変化を評価することで行うこともできる。また、かかる同定工程によれば、選択された被験物質が有する「NCSタンパク質標的薬物に関連する作用」の種類を決定でき、選択された被験物質が医薬または研究用試薬の心で、および該20 被験物質が使用可能な医薬または研究用試薬の種類を確認できる。

スクリーニング方法 I a はまた、動物への被験物質への投与により行うこともできる。この場合、NCSタンパク質遺伝子の発現量のみならず、NCSタンパク質の発現量(例えば、被験物質が投与された動物の所定の組織または細胞におけるNCSタンパク質の存在量、細胞膜局在)もまた測定され得る。該 動物としては、例えば、マウス、ラット、ハムスター、モルモット、ウサギ、イヌ、サル等の哺乳動物、ニワトリ等の鳥類が挙げられる。動物を用いて本発

明のスクリーニング方法が行われる場合、例えば、NICSタンパク質遺伝子の 発現最を調節する被験物質が選択され得る。

スクリーニング方法 I a は、N C S タンパク質標的薬物に関連する作用を調節し得る物質のスクリーニングを可能とする。従って、スクリーニング方法 I 5 a は、N C S タンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)の 予防・治療剤、並びに該疾患の研究用試薬の開発などに有用である。

2. 1. 2. NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得ない被験物質を選択することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調節し得る物質のスクリーニング方法(スクリーニング方法1b)

10 本発明は、被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得ないるか否かを評価し、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を関節し得ない被験物質を選択することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用(なかでも、既知標的分子に関連する作用および/またはNCSタンパク質標的薬物が実際に示す薬理作用)を調節し得る物質(例えば、NCSタンパク質標的薬物が実際に示す薬理作用を有する、NCSタンパク質標的薬物と同様の医薬用途に用いられ得る物質であって、NCSタンパク質標的薬物が実際に示す副作用を有しないまたは該副作用が低減された物質)のスクリーニング方法を提供する。

スクリーニング方法Ibは、上述した方法論I~IVの工程(c) において 変化をもたらさない、あるいは結合能又は調節能を有しない被験物質を選択すること以外は、方法論I~IVと同様に行われ得る。

スクリーニング方法 I b では、用いられる被験物質は、既知の標的分子の発現または機能を調節し得るもの、あるいは被験物質が N C S タンパク質標的薬物に関連する作用(なかでも、N C S タンパク質標的薬物が実際に示す薬理作 用)を有するものであり得る。従って、スクリーニング方法 I b は、被験物質が既知の標的分子の発現または機能を調節し得るか否かを評価することを含む、既知の標的分子に関連する作用を調節し得る物質のスクリーニング方法と組合

せて用いることができる。既知の標的分子に関連する作用を調節し得る物質のスクリーニング方法は、上述したスクリーニング方法Iaと同様に行われ得る。あるいは、スクリーニング方法Ibは、被験物質がNCSタンパク質標的薬物に関連する作用(なかでも、NCSタンパク質標的薬物が実際に示す薬理作

5 用)を調節し得るか否かを評価することを含む、NCSタンパク質標的薬物に 関連する作用を調節し得る物質のスクリーニング方法と組合せて用いることが できる。このようなスクリーニング方法は、動物または細胞を用いて、上述し たスクリーニング方法Iaの工程(d)と同様に行われ得る。

スクリーニング方法 I b は、既知標的分子に関連する作用の調節能および/ 10 またはNCSタンパク質標的薬物が実際に示す薬理作用を有し、且つNCSタ ンパク質標的薬物が示す副作用が低減した医薬の開発を可能とする。従って、 スクリーニング方法 I b は、既知標的分子に関連する作用の調節能を有する既 存医薬の改良などに有用である。

2. 2. NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を関節し得る物質のスクリー 15 ニング方法 (スクリーニング方法 I I)

本発明は、被験物質がNCSタンパク質またはその変異タンパク質に対する NCSタンパク質標的薬物の結合能を調節し得るか否かを評価することを含む、 NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調節し得る物質のスクリーニング方 法を提供する。

- 20 本スクリーニング方法を、必要に応じて「スクリーニング方法 I I 」と省略する。
  - ー実施形態では、スクリーニング方法 I I は、下記の工程 (a)、(b) 及び(c)を含む:
- (a) 被験物質、NCSタンパク質標的薬物を、NCSタンパク質またはNC 25 Sタンパク質標的薬物に結合能を有するその変異タンパク質に接触させる工 程:

- (b) 被験物質の存在下におけるNCSタンパク質標的薬物の該タンパク質に 対する結合量を測定し、該結合量を被験物質の非存在下におけるNCSタンパ ク質標的薬物の該タンパク質に対する結合量と比較する工程;
- (c) 上記(b) の比較結果に基づいて、NCSタンパク質標的薬物の該タン
- 5 パク質に対する結合量の変化をもたらす被験物質を選択する工程。

上記の工程  $(a) \sim (c)$  を含む方法論は、「NCSタンパク質結合性物質」の代わりに「NCSタンパク質標的薬物」を用いること以外は、方法論 I Vと同様である。

スクリーニング方法 I I は、例えば、N C S タンパク質遺伝子に関連する機 10 能を調節し得る物質、あるいはN C S タンパク質に対するプローブのスクリー ニングなどを可能とする。従って、スクリーニング方法 I I は、N C S タンパ ク質遺伝子に関連する疾患の予防・治療剤、並びに該疾患の研究用試薬のスク リーニングなどに有用である。

2. 3. スクリーニング方法により得られる成果物

15 本発明は、上記スクリーニング方法、例えばスクリーニング方法I、IIにより得られる成果物を提供する。

本発明のスクリーニング方法により提供される成果物は、本発明のスクリー ニング方法により得られる物質、および該スクリーニング方法により得られる 物質を含有してなる、薬理作用の調節剤であり得る。

20 本発明のスクリーニング方法により提供される成果物は、例えば、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患、あるいはNCSタンパク質遺伝子に関連する疾患の予防・治療に、あるいは該疾患の研究用試薬などとして有用である。

# 3. 調節剤

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節する物質を含有 25 してなる、薬理作用の調節剤を提供する。本発明の調節剤は、調節される薬理 作用の観点から、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用(例えば、中枢神 経作用) の調節剤、およびNCSタンパク質遺伝子に関連する機能の調節剤に 大別できる。以下、それぞれの調節剤を詳述する。

3. 1. NCSタンパク質標的薬物に関連する作用の調節剤 (調節剤 I)

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の発現又は機能を調節する物質を含有し 5 てなる、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用の調節剤を提供する。

本調節剤を、必要に応じて「調節剤Ⅰ」と省略する。

NCSタンパク質遺伝子の発現又は機能を調節する物質は、例えば、NCS タンパク質遺伝子の発現を抑制する物質であり得る。発現とは、NCSタンパク質遺伝子翻訳産物が産生され且つ機能的な状態でその作用部位に局在するこ 10 とをいう。従って、発現を抑制する物質は、遺伝子の転写、転写後調節、翻訳、

0 とをいう。使って、発現を抑制する物質は、遺伝すび転子、転子は耐暑、 新かい 翻訳後修飾、局在化及びタンパク質フォールディング等の、いかなる段階で作 用するものであってもよい。

詳細には、NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質としては、転写抑制因子、RNAポリメラーゼ阻害剤、RNA分解酵素、タンパク質合成阻害剤、15 核内移行阻害剤、タンパク質分解酵素、タンパク質変性剤等が例示されるが、細胞内で発現する他の遺伝子・タンパク質に及ぼす悪影響を最小限にするためには、標的分子に特異的に作用し得る物質であることが重要である。

NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質の例は、NCSタンパク質遺伝子の転写産物、詳細にはmRNAもしくは初期転写産物に対するアンチセン 20 ス核酸である。「アンチセンス核酸」とは、標的mRNA (初期転写産物)を発現する細胞の生理的条件下で該標的mRNA (初期転写産物)とハイブリダイズし得る塩基配列からなり、且つハイブリダイズした状態で該標的mRNA (初期転写産物) にコードされるボリペプチドの翻訳を阻害し得る核酸をいう。アンチセンス核酸の種類はDNAであってもRNAであってもよいし、あるい はDNA/RNAメラであってもよい。また、天然型のアンチセンス核酸

は、細胞中に存在する核酸分解酵素によってそのリン酸ジエステル結合が容易 に分解されるので、本発明のアンチセンス核酸は、分解酵素に安定な チオリン 酸型 (リン酸結合のP=OをP=Sに置換) や2'-O-メチル型等の修飾ヌ クレオチドを用いて合成もできる。アンチセンス核酸の設計に重要な他の要素 として、水溶性及び細胞膜透過性を高めること等が挙げられるが、これらはリ ポソームやマイクロスフェアを使用するなどの剤形の工夫によっても克服でき 5 る。

アンチセンス核酸の長さは、NCSタンパク質遺伝子の転写産物と特異的に ハイブリダイズし得る限り特に制限はなく、短いもので約15 塩基程度、長い ものでmRNA (初期転写産物)の全配列に相補的な配列を含むような配列で あってもよい。合成の容易さや抗原性の問題等から、例えば約15塩基以上、 10 好ましくは約15~約30塩基からなるオリゴヌクレオチドが例示される。

アンチセンス核酸の標的配列は、アンチセンス核酸がハイブリダイズすることにより、NCSタンパク質遺伝子もしくはその機能的断片の翻訳が阻害される配列であれば特に制限はなく、mRNAの全配列であっても部分配列であってもよいし、あるいは初期転写産物のイントロン部分であってもよいが、アン チセンス核酸としてオリゴヌクレオチドを使用する場合は、標的配列はNCSタンパク質遺伝子のmRNAの5、末端からコード領域のC末端までに位置することが望ましい。

さらに、アンチセンス核酸は、NCSタンパク質遺伝子の転写産物とハイブ リダイズして翻訳を阻害するだけでなく、二本鎖DNA形態のNCSタンパク 20 質遺伝子と結合して三重鎖(トリプレックス)を形成し、mRNAへの転写を 阻害し得るものであってもよい。

NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質の別の例は、NCSタンパク質遺伝子転写産物、詳細にはmRNAもしくは初期転写産物を、コード領域の内部(初期転写産物の場合はイントロン部分を含む)で特異的に切断し得るリ ボザイムである。「リボザイム」とは核酸を切断する酵素活性を有するRNA をいうが、最近では当該酵素活性節位の塩基配列を有するオリゴDNAも同様に核酸切断活性を有することが明らかになっているので、本発明では配列特異

的な核酸切断活性を有する限りDNAをも包含する概念として用いるものとする。リボザイムとして最も汎用性の高いものとしては、ウイロイド-やウイルソイド等の感染性RNAに見られるセルフスプライシングRNAがあり、ハンマーヘッド型やヘアピン型等が知られている。また、リボザイムを、それをコー5 ドするDNAを含む発現ベクターの形態で使用する場合には、細胞質への移行を促進するために、tRNAを改変した配列をさらに連結したハイブリッドリボザイムとすることもできる [Nucleic Acids Res., 29(13): 2780-2788 (2001)]。

NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質のさらに別の例は、デコイ核 10 酸である。デコイ核酸とは、転写調節因子が結合する領域を模倣する核酸分子 をいい、NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質としてのデコイ核酸は、 NCSタンパク質遺伝子に対する転写活性化因子が結合する領域を 模倣する核 酸分子であり得る。

デコイ核酸としては、例えば、リン酸ジエステル結合部分の酸素 原子を硫黄 I5 原子で置換したチオリン酸ジエステル結合を有するオリゴヌクレオ チド (S-オリゴ)、又はリン酸ジエステル結合を電荷を持たないメチルホス フェート基 で置換したオリゴヌクレオチドなど、生体内でオリゴヌクレオチド が分解を受 けにくくするために改変したオリゴヌクレオチドなどが挙げられる。 デコイ核 酸は転写活性化因子が結合する領域と完全に一致していてもよいが、NCSタ 20 ンパク質遺伝子に対する転写活性化因子が結合し得る程度の同一性 を保持して いればよい。 デコイ核酸の長さは転写活性化因子が結合する限り 特に制限され ない、また、デコイ核酸は、同一領域を反復して合んでいてもよい。

NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質のさらに別の例は、NCSタンパク質遺伝子転写産物、詳細にはmRNAもしくは初期転写産物のコード領 域内の部分配列(初期転写産物の場合はイントロン部分を含む)に相補的な二本鎖オリゴRNA、いわゆるsiRNAである。短い二本鎖RNAを細胞内に 導入するとそのRNAに相補的なmRNAが分解される、いわゆる RNA干渉

(RNAi) と呼ばれる現象は、以前から線虫、昆虫、植物等で知られていたが、最近、この現象が動物細胞でも起こることが確認されたことから

[Nature, 411(6836): 494-498 (2001)] 、リボザイムの代替技術として注 目されている。 siRNAとしては、後述の通り自ら合成したものを使用でき 5 るが、市販のものを用いてもよい。

アンチセンスオリゴヌクレオチド及びリボザイムは、NCSタンパク質遺伝 子のcDNA配列もしくはゲノミックDNA配列に基づいてNCSタンパク質 遺伝子転写産物、詳細にはmRNAもしくは初期転写産物の標的配列を決定し、 市販のDNA/RNA自動合成機(アプライド・バイオシステムズ社、ベック 10 マン社等)を用いて、これに相補的な配列を合成することにより調製できる。 デコイ核酸、siRNAは、センス鎖及びアンチセンス鎖をDNA/RNA自動合成機でそれぞれ合成し、適当なアニーリング緩衝液中、約90~約95℃ で約1分程度変性させた後、約30~約70℃で約1~約8時間アニーリン グさせることにより調製できる。また、相補的なオリゴヌクレオチド鎖を交互 15 にオーバーラップするように合成して、これらをアニーリングさせた後リガー ゼでライゲーションすることにより、より長い二本鎖ポリヌクレオチドを調製 できる。

NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質の別の例は、NCSタンパク質に対する抗体である。該抗体は、ポリクローナル抗体、モノクローナル抗体 20 のいずれであってもよく、周知の免疫学的手法により作製できる。また、該抗体は、抗体のフラグメント(例えば、Fab、F(ab')2)、組換え抗体(例えば、単鎖抗体)であってもよい。さらに、該抗体をコードする核酸(プロモーター活性を有する核酸に機能可能に連結されたもの)もまた、NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質として好ましい。

25 例えば、ポリクローナル抗体は、NCSタンパク質あるいはそのフラグメント(必要に応じて、ウシ血清アルプミン、KLH(Keyhole Limpet Hemocyanin)等のキャリアタンパク質に架橋した複合体とすることもでき

る)を抗原として、市販のアジュバント(例えば、完全または不完全フロイントアジュバント)とともに、動物の皮下あるいは腹腔内に2~3週間おきに2~4回程度投与し(部分採血した血清の抗体価を公知の抗原抗体反応により測定し、その上昇を確認しておく)、最終免疫から約3~約10日後に全血を採取して抗血清を精製することにより取得できる。抗原を投与する動物としては、ラット、マウス、ウサギ、ヤギ、モルモット、ハムスターなどの哺乳動物が挙げられる。

また、モノクローナル抗体は、細胞融合法(例えば、滚邊武、細胞融合法の原理とモノクローナル抗体の作成、谷内昭、高橋利忠編、「モノクローナル抗
10 体とがん―基礎と臨床―」、第2-14 頁、サイエンスフォーラム出版、1985年)により作成することができる。例えば、マウスに該因子を市販のアジュバントと共に2~4 回皮下あるいは腹腔内に投与し、最終投与の約3 日後に脾職あるいはリンパ節を採取し、白血球を採取する。この白血球と骨髄腫細胞(例えば、NS-1, P3X63Ag8 など)を細胞融合して該因子に対するモノクローナル抗体を産生するハイブリドーマを得る。細胞融合はPEG法 [J. Immunol. Methods, 81(2): 223-228 (1985)]でも電圧パルス法 [Hybridoma, 7(6): 627-633 (1988)]であってもよい。所望のモノクローナル抗体を産生するハイブリドーマは、周知のEIAまたはRIA法等を用いて抗原と特異的に結合する抗体を、培養上清中から検出することにより選択できる。モノクローナル 10 抗体を産生するハイブリドーマの培養は、インビトロ、またはマウスもしくはラット、このましくはマウス腹水中等のインビボで行うことができ、抗体はそれぞれハイブリドーマの培養上請および動物の腹水から取得できる。

しかしながら、ヒトにおける治療効果と安全性を考慮すると、本発明の抗体 は、キメラ抗体、ヒト化又はヒト型抗体であってもよい。キメラ抗体は、例え 25 ば「実験医学(臨時増刊号), Vol.6, No.10, 1988」、特公平 3-73280 号公 報等を、ヒト化抗体は、例えば特表平 4-506458 号公報、特開昭 62-296890 号 公報等を、ヒト抗体は、例えば「Nature Genetics, Vol.15, p.146-156, 1997」、「Nature Genetics, Vol. 7, p. 13-21, 1994」、特表平 4-504365 号公報、国際出願公開 W094/25585 号公報、「日経サイエンス、6月号、第4 0~第50頁、1995年」、「Nature, Vol. 368, p. 856-859, 1994」、特表平6-500233 号公報等を参考にそれぞれ作製することができる。

5 NCSタンパク質遺伝子の発現又は機能を調節する物質はまた、NCSタンパク質遺伝子の機能を抑制する物質であり得る。

NCSタンパク質遺伝子の機能を抑制する物質としては、NCSタンパク質 遺伝子の作用を妨げ得る物質である限り特に限定されないが、他の遺伝子・タ ンパク質に及ぼす悪影響を最小限にするためには、標的分子に特異的に作用し 10 得る物質であることが重要である。NCSタンパク質遺伝子の機能を特異的に 抑制する物質としては、NCSタンパク質のドミナントネガティブ変異体、該 変異体をコードする核酸(プロモーター活性を有する核酸に機能可能に連結さ れたもの)が例示される。

NCSタンパク質のドミナントネガティブ変異体とは、NCSタンパク質に 対する変異の導入によりその活性が低減したものをいう。 該ドミナントネガティブ変異体は、 天然のNCSタンパク質と競合することで間接的にその活性を 阻害することができる。 該ドミナントネガティブ変異体は、 NCSタンパク質 遺伝子をコード する核酸に変異を導入することによって作製することができる。 変異としては、 例えば、 EFハンドモチーフの部位、 ミリストイル化部位、 並 びにこれらの部位以外の部位における、 当該部位が担う機能の低下をもたらす ようなアミノ酸の変異 (例えば、1以上のアミノ酸の欠失、 置換、付加) が 挙げられる。 該変異は、 PCRや公知のキットを用いる自体公知の方法により 遠入できる。

NCSタンパク質の機能を調節する物質としてはまた、上記化合物またはそ 25 の塩が挙げられる。

NCSタンパク質遺伝子の発現を抑制する物質が、核酸分子である場合、本 発明の調節剤は、該核酸分子をコードする発現ベクターを有効成分とすること

しい。

もできる。当該発現ベクターは、上記の核酸分子をコードするオリゴヌクレオ チドもしくはポリヌクレオチドが、投与対象である哺乳動物の細胞内でプロモーター活性を発揮し得るプロモーターに機能的に連結されていなければならない。使用されるプロモーターは、投与対象である哺乳動物で機能し得るもので 5 あれば特に制限はないが、例えば、SV40由来初期プロモーター、サイトメ ガロウイルスLTR、ラウス肉腫ウイルスLTR、MoMuLV由来LTR、 アデノウイルス由来初期プロモーター等のウイルスプロモーター、並びにβ ーアクチン遺伝子プロモーター、PGK遺伝子プロモーター、トランスフェリ ン遺伝子プロモーター等の哺乳動物の構成タンパク質遺伝子プロモーターなど 10 が挙げられる。

発現ベクターは、好ましくは核酸分子をコードするオリゴ (ポリ) ヌクレオ チドの下流に転写終結シグナル、すなわちターミネーター領域を含有する。 さ らに、形質転換細胞選択のための選択マーカー遺伝子 (テトラサイクリン、ア ンピシリン、カナマイシン、ハイグロマイシン、ホスフィノスリシン等の薬剤 15 に対する抵抗性を付与する遺伝子、栄養要求性変異を相補する遺伝子等)をさ らに含有することもできる。

発現ベクターとして使用される基本骨格のベクターは特に制限されないが、 ヒト等の哺乳動物への投与に好適なベクターとしては、レトロウイルス、アデ ノウイルス、アデノ随伴ウイルス、ヘルベスウイルス、ワクシニアウイルス、 20 ポックスウイルス、ポリオウイルス、シンドビスウイルス、センダイウイルス 等のウイルスベクターが挙げられる。アデノウイルスは、遺伝子導入効率が極 めて高く、非分裂細胞にも導入可能である等の利点を有する。但し、導入遺伝 子の宿主染色体への組込みは極めて稀であるので、遺伝子発現は一過性で通常 約4週間程度しか持続しない。治療効果の持続性を考慮すれば、比較的遺伝子 25 導入効率が高く、非分裂細胞にも導入可能で、且つ逆位末端繰り返し配列(I TR)を介して染色体に組み込まれ得るアデノ随伴ウイルスの使用もまた好ま NCSタンパク質の発現又は機能を調節する物質はまた、上述したNCSタンパク質標的薬物であり得るが、例えばアトルパスタチン、ビモジド、ビフォナソール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベブリジル、塩酸ラロキシフェン、ベンズプロマロン、ブラゼパム、クロチアゼパム、スロクチ5 ジル、ベンゼトニウム、ビカルタミド、ベンズチアジド、ミナプリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルペンチキソール、クロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メタクリンロール、またはNCSタンパク質に結合能を有するその誘導体(後述)、あるいはそれらの塩であり得る。

調節剤Iは、NCSタンパク質遺伝子の発現又は機能を調節する物質に加え、 任意の担体、例えば医薬上許容され得る担体を含むことができる。

医薬上許容され得る担体としては、例えば、ショ糖、デンプン、マンニット、
ソルビット、乳糖、グルコース、セルロース、タルク、リン酸カルシウム、炭酸カルシウム等の賦形剤、セルロース、メチルセルロース、ヒドロキシブロピルセルロース、ポリプロピルピロリドン、ゼラチン、アラピアゴム、ポリエチレングリコール、ショ糖、デンプン等の結合剤、デンプン、カルボキシメチルセルロース、ヒドロキシブロピルスターチ、ナトリウムーグリコールースターチ、炭酸水素ナトリウム、リン酸カルシウム、タエン酸カルシウム等の崩壊剤、ステアリン酸マグネシウム、エアロジル、タルク、ラウリル硫酸ナトリウム等の滑剤、クエン酸、メントール、グリシルリシン・アンモニウム塩、グリシン、オレンジ粉等の芳香剤、安息香酸ナトリウム、亜硫酸 水素ナトリウム、酢酸等の安定剤、メチルセルロース、ポリピニルピロリドン、ステアリン酸アルミニウム等の懸濁剤、界面活性剤等の分散剤、水、生理食塩水、オレンジジュ

-- ス等の希釈剤、カカオ脂、ポリエチレングリコール、白灯油等のベースワックスなどが挙げられるが、それらに限定されるものではない。

経口投与に好適な製剤は、水、生理食塩水、オレンジジュースのような希釈 液に有効量の物質を溶解させた液剤、有効量の物質を固体や顆粒として含んで 5 いるカプセル剤、サッシェ剤または錠剤、適当な分散媒中に有効量の物質を懸 濁させた懸濁液剤、有効量の物質を溶解させた溶液を適当な分散媒中に分散さ せ乳化させた乳剤等である。

非経口的な投与(例えば、皮下往射、筋肉注射、局所注入、腹腔内投与など)に好適な製剤としては、水性および非水性の等張な無菌の注射液剤があり、
10 これには抗酸化剤、緩衝液、制菌剤、等張化剤等が含まれていてもよい。また、水性および非水性の無菌の懸濁液剤が挙げられ、これには懸濁剤、可溶化剤、増粘剤、安定化剤、防腐剤等が含まれていてもよい。当該製剤は、アンブルやバイアルのように単位投与量あるいは複数回投与量ずつ容器に封入することができる。また、有効成分および医薬上許容され得る担体を凍結 乾燥し、使用直15 前に適当な無菌のビヒクルに溶解または懸濁すればよい状態で保存することもできる。

調飾剤Iの投与量は、有効成分の活性や種類、病気の重篤度、投与対象となる動物種、投与対象の薬物受容性、体重、年齢等によって異なり一概に云えないが、通常、成人1日あたり有効成分量として約0.001~約500mg/20 kgである。

調節剤 I は、N C S タンパク質標的薬物に関連する作用の調節、例えば抑制 又は促進を可能とする。従って、調節剤 I は、N C S タンパク質標的薬物に関 連する疾患(例えば、中枢神経疾患)の予防・治療に、並びに酸疾患の研究用 試薬などに有用である。

25 <u>3.2.NCSタンパク質遺伝子に関連する機能の調節剤(調節剤II)</u> 本発明は、NCSタンパク質標的薬物を含有してなるNCSタンパク質遺伝

子に関連する機能の調節剤を提供する。

本調節剤を、必要に応じて「調節剤 I I 」と省略する。

NCSタンパク質標的薬物は、上述の通りであり得るが、例えばアトルバスタチン、ピモジド、ピフォナソール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベブリジル、塩酸ラロキシフェン、ベンズブロマロン、プラゼバム、5クロチアゼバム、スロクチジル、ベンゼトニウム、ピカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルペンチキソール、クロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエル ルゴクリスチン、スタノゾロール、またはNCSタンパク質に結合能を有するその懸進体(後洲)、あるいはそれらの塩であり得る。

調節剤IIは、NCSタンパク質標的薬物に加え、任意の担体、例えば、医薬上許容され得る担体を含むことができる。調節剤IIの投与量は、調節剤I と同様である。

15 調節剤IIは、NCSタンパク質遺伝子に関連する機能の調節、例えば抑制 又は促進を可能とする。従って、調節剤IIは、NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患の予防・治療、並びに該疾患の研究用試薬などに有用である。

## 4. 誘導体の製造方法、および該方法により得られる成果物

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得るように薬物を誘導体化することを含む、薬物誘導体の製造方法、及びその成果物を提供する。本発明の製造方法は、得られる誘導体の作用または機能の種類の観点から、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用(例えば、中枢神経作用)を調節し得る薬物誘導体、およびNCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調節し得る薬物誘導体の製造方法に大別できる。以下、それぞれの製造方法を詳述す

4. 1. NCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調節し得る薬物誘導体の 製造方法(製造方法 I) 本発明は、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得るように薬物を誘導体化することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調節し得る薬物誘導体の製造方法を提供する。

本製造方法を、必要に応じて「製造方法 I」と省略する。

5 誘導体化とは、リード化合物中の特定の原子または基を、他の原子または基 で置換することにより得られる化合物、あるいはリード化合物に対する付加反 応により得られる化合物を仮想的に、または実際に合成することを意味する。 例えば、リード化合物は、NCSタンパク質標的薬物であり得る。NCSタンパク質標的薬物は特に限定されないが、例えば、抗中枢神経作用を有するスタ 10 チン系薬物であり得る。

NCSタンパク質標的薬物の誘導体化は、NCSタンパク質遺伝子の発現ま

たは機能の調節能を保持するように、必要に応じて、得られる誘導体の水溶性 **/脂溶性、安定性、体内動態、バイオアベイラビリティー、毒性等のその他の** 性質についても考慮するように行われ得る。NCSタンパク質標的薬物の誘導 15 体化は、例えば、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能の調節能を向上し 得るように誘導体化され得る。NCSタンパク質標的薬物の誘導体化はまた、 NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調節し得るように誘導体化され得る。 NCSタンパク質遺伝子の発現または機能の調節能を保持するようなNCS タンパク質標的薬物の誘導体化は、例えば、SBDD (Structure-Based 20 Drug Design) 、CADD (Computer-Aided Drug Design) に基づいて行わ れ得る。このような設計の例としては、バーチャルスクリーニング、de novo デザイン、ファーマコフォー分析、QSAR (Quantitative Structure Activity Relationship) などが挙げられる。このような設計の際にタンパク 質自体、あるいはタンパク質の標的部位の立体構造の情報が必要とされる場合、 25 NMR、X線結晶解析、放射光解析等の構造解析法により立体構造が判明して いるならばその情報が使用され、立体構造が判明していないならば homology 法、Threading 法等の構造予測法により得られる情報などが使用される。また、

バーチャルスクリーニングでは、自体公知のプログラムを用いることができ、 このようなプログラムとしては、例えば、DOCK (Kuntz, I. D. et al., Science, 1992, 257, 1078)、Gold (Jones, G. et al., J. Mol. Biol., 1995, 245, 43)、FlexX (Rarey, M. et al., J. Mol. Biol. 5, 1996, 261, 470)、AutoDock (Morris, G. M. et al., J. Comput. Chem., 1998, 19, 1639)、ICM (Abagyan, R. A. et al., J. Comput. Chem., 1994, 15, 488) などが挙げられる。

NCSタンパク質遺伝子の発現または機能の調節能を保持するようなNCS タンパク質標的薬物の誘導体化はまた、例えば、生物学的検証に基づいて行わ 10 れ得る。この場合、例えば、上述の方法論I~IVが用いられ得る。さらに、 上述したSBDD、CADD等の方法と生物学的検証とを併用してもよい。

誘導体の製造のため置換されるNCSタンパク質標的薬物中の特定の原子は、 リード化合物中に存在する原子である限り限定されず、例えば、水素原子、ハロゲン原子(例えば、フッ素原子、塩素原子、臭素原子、ョウ素原子)、酸素 15 原子、硫黄原子、窒素原子、炭素原子などが挙げられる。

誘導体の製造のため置換されるNCSタンパク質標的薬物中の特定の基は、NCSタンパク質標的薬物中に存在する基である限り限定されず、例えば分子量1~500、好ましくは分子量1~300、より好ましくは分子量1~200、最も好ましくは分子量1~100の基であり得る。該特定の基としては、

- 25 ル基、炭素数1~4のアルキル基でモノあるいはご置換されたカルバモイル基、 スルファモイル基、炭素数1~4のアルキル基でモノあるいはご置換されたス ルファモイル基、カルボキシル基、炭素数2~8のアルコキシカルボニル基、

ヒドロキシ基、1~3個のハロゲン原子で置換されていてもよい炭素数1~6のアルコキシ基、1~3個のハロゲン原子で置換されていてもよい炭素数2~5のアルケニルオキシ基、炭素数3~7のシクロアルキルオキシ基、炭素数7~9のアラルキルオキシ基、炭素数6~14のアリールオキシ基、チオール基、

5 1~3個のハロゲン原子で置換されていてもよい炭素数1~6のアルキルチオ 基、炭素数7~9のアラルキルチオ基、炭素数6~14のアリールチオ基、ス ルホ基、シアノ基、アジド基、ニトロ基、ニトロソ基などが挙げられる。

置換されていてもよい $C_1 \sim C_s$  炭化水素基は、例えば、置換されていてもよい $C_1 \sim C_s$  アルキル基、置換されていてもよい $C_2 \sim C_s$  アルケニル基、

10 置換されていてもよい $C_2 \sim C_8$ アルキニル基であり得る。

置換されていてもよい $C_1 \sim C_8$ アルキル基の $C_1 \sim C_8$ アルキル基としては、 直鎖または分岐鎖のいずれでもよく、好ましくは炭素数 $1 \sim 6$ であり、 例えば、 メチル、エチル、プロビル、イソプロビル、ブチル、イソプチル、  $s \in c-\mathcal{I}$ チル、  $t \in r$  t = r

15 置換されていてもよい $C_2 \sim C_8$ アルケニル基の $C_2 \sim C_8$ アルケニル基としては、直鎖または分岐鎖のいずれでもよく、好ましくは炭素数  $2 \sim 6$  であり、例えば、エテニル、1 -プロペニル、2 -プロペニル、2 -プテニル等が挙げられる。

置換されていてもよい $C_2 \sim C_8$ アルキニル基の $C_2 \sim C_8$ アルキニル基と 20 しては、直鎖または分岐鎖のいずれでもよく、好ましくは炭素数  $2 \sim 6$  であり、 例えば、エチニル、1 -プロピニル、2 -プロピニル、1 -プチニル、2 -プ チニル、3 -プチニル等が挙げられる。

置換されていてもよい $C_1 \sim C_8$ アシル基の $C_1 \sim C_8$ アシル基としては、 直鎖または分岐鎖のいずれでもよく、好ましくは炭素数  $2 \sim 6$  であり、 例えば、 25 ホルミル、アセチル、プロピノイル、ブタノイル、 2 -メチルプロピノイル等 が挙げられる。 置換されていてもよい芳香族 $C_3 \sim C_1$ 。換化水素環基の芳香族 $C_5 \sim C_1$ 。炭化水素環基としては、単環式、二環式または三環式のいずれでもよく、好ましくは炭素数  $3 \sim 1$  2 であり、例えば、フェニル、ナフチルが挙げられる。

置換されていてもよい非芳香族 C。~C、炭化水素環基の非芳香族 C₃~ C 5 は炭化水素環基としては、飽和または不飽和の単環式、二環式または三環式 のいずれでもよく、好ましくは炭素数3~12であり、例えば、シクロアルキ ル基(例えば、シクロプロピル、シクロブチル、シクロペンチル、シクロヘキ シル、シクロヘプチル、シクロオクチル)、シクロアルケニル基(例えば、2 −シクロペンテン-1-イル、3-シクロペンテン-1-イル、2-シクロへ 10 キセンー1ーイル、3ーシクロヘキセンー1ーイル)、シクロアルカジエニル 基(例えば、2、4-シクロペンタジエン-1-イル、2,4-シクロヘキサ ジエン-1-イル、2、5-シクロヘキサジエン-1-イル) 等が挙げられる。 置換されていてもよい芳香族C。~C、複素環基の芳香族C。~C、複素環 基としては、環構成原子として炭素原子以外に酸素原子、硫黄原子および窒素 15 原子から選ばれるヘテロ原子を1~5個含有する単環式、二環式または三環式 の芳香族複素環基であり、好ましくは炭素数3~12である。単環式芳香族 〇 。~ C14複素環基の例としては、フリル、チエニル、ピロリル、オキサゾリバン、 イソオキサソリル、チアソリル、イソチアゾリル、イミダゾリル、ピラゾリル、 オキサジアソリル、フラザニル、チアジアソリル、トリアゾリル、テトラゾリ 20 ル、ピリジル、ピリミジニル、ピリダジニル、ピラジニル、トリアジニルなど が挙げられる。また、2環式または3環式の芳香族複素環基の例としては、べ ンゾフラニル、イソベンゾフラニル、ベンゾ [b] チエニル、インドリル、イ ソインドリル、1 Hーインダゾリル、ベンズイミダゾリル、ベンゾオキサゾリ ル、ベンソチアソリル、1Hーベンソトリアソリル、キノリル、イソキノリル、 25 シンノリル、キナゾリル、キノキサリニル、フタラジニル、ナフチリジニル、 プリニル、プテリジニル、カルバゾリル、α-カルボニリル、β-カルボニリ ル、ソーカルボニリル、アクリジニル、フェノキサジニル、フェノチアジニル、 フェナジニル、フェノキサチイニル、チアントレニル、インドリジニル、'ピロロ[1,2-b] ピリダジニル、ピラソロ[1,5-a] ピリジル、イミダソ[1,2-a] ピリジル、イミダソ[1,5-a] ピリジル、イミダソ[1,2-b] ピリダジニル、イミダソ[1,2-a] ピリミジニル、1,2,4-5 トリアソロ[4,3-b] ピリダジニルなどが挙げられる。

置換されていてもよい非芳香族C₃~C₁₄複素環基の非芳香族C₃~C₁₄複素環基としては、環構成原子として炭素原子以外に酸素原子、硫黄原子および窒素原子から選ばれるヘテロ原子を1~5個含有する単環式、二環式または三10 環式の飽和又は不飽和の複素環基であり、好ましくは炭素数3~12であり、例えば、オキシラニル、アゼチジニル、オキセタニル、チエタニル、ピロリジニル、テトラヒドロフリル、テトラヒドロピラニル、モルホリニル、チオモルホリニル、ピペラジニル、ピロリジニル、ピペリジノ、モルホリノ、チオモルホリニル、ピペラジニル、ピロリジニル、ピペリジノ、モルホリノ、チオモルホリノなどが挙げられる。

15 置換されていてもよい任意の基における置換基の種類は、誘導体の製造のため置換されるNCSタンパク質標的薬物中の特定の基(上述)と同様であり得る。

誘導体の製造のため置換されるNCSタンパク質標的薬物中の特定の原子または基の数は、製造される誘導体が、NCSタンパク質遺伝子の発現または機 20 能の調節能を有し得る限り、例えばNCSタンパク質に結合能を有する限り特に限定されないが、例えば1~10個、好ましくは1~5個、より好ましくは 1~3個、さらにより好ましくは1~2個、最も好ましくは1個であり得る。

置換に使用される特定の原子または基(即ち、置換部位に導入される原子または基)の種類は、誘導体の製造のため置換されるNCSタンパク質標的薬物25 中の特定の原子または基と同様であり得る。

誘導体の製造のためNCSタンパク質標的薬物に付加される原子または基 (即ち、付加反応に使用される原子または基) は、誘導体の製造のため置換さ れるNCSタンパク質標的薬物中の特定の原子または基(上述)の うち、付加 反応が可能なもの、例えば、水素原子、ハロゲン原子等の原子、水核試薬また は求電子試薬として作用し得る基である。

誘導体の製造のためNCSタンパク質標的薬物に付加される原子 または基の 数は、製造される誘導体が、NCSタンパク質遺伝子の発現または機能の調節 能を有し得る限り、例えばNCSタンパク質に結合能を有する限り、例えばNCSタンパク質に結合能を有する限り、例えばNCSタンパク質に結合能を有する限り、特に限定さ れないが、例えば6個未満、好ましくは4個未満、より好ましくは2個未満で あり得る。

製造方法 I は、例えば、N C S タンパク質標的薬物に関連する疾患 (例えば、 10 中枢神経疾患) の予防・治療剤、あるいは該疾患の研究用試薬の開発などに有 用である。

4. 2. NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調飾し得る薬物誘導体の製造方法(製造方法 II)

本発明は、NCSタンパク質またはその変異タンパク質に対する結合能を調 15 節し得るように薬物を誘導体化することを含む、NCSタンパク質遺伝子に関 連する機能を調節し得る薬物誘導体の製造方法を提供する。

本製造方法を、必要に応じて「製造方法 II」と省略する。

薬物の誘導体化は、NCSタンパク質またはその変異タンパク質に対する結合能を保持するように、必要に応じて、得られる誘導体の水溶性/脂溶性、安20 定性、体内動態、パイオアベイラビリティー、毒性等のその他の性質についても考慮するように行われ得る。薬物の誘導体化は、例えば、該結合能を向上し得るように行われ得る。

該結合能を保持するような薬物の誘導体化は、例えば、SBDD、CADD に基づいて行われ得る。

25 該結合能を保持するような薬物の誘導体化はまた、例えば、生物学的検証に基づいて行われ得る。この場合、例えば、上述の方法論IVと同様に行われ得る。

る。さらに、上述したSBDD、 CADD等の方法と生物学的検証とを併用してもよい。

誘導体の製造のため置換されるリード化合物中の特定の原子および基、並び にそれらの数は、上述と同様であり得る。置換に使用される特定の原子または 5 基(即ち、置換部位に導入される原子または基)、誘導体の製造のため薬物に 付加される原子または基(即ち、付加反応に使用される原子または基)、それ らの数についても、上述と同様である。

製造方法 I I は、NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患の予防・治療剤、 あるいは該疾患の研究用試薬の開発などに有用である。

### 10 4.3.誘導体の製造方法により得られる成果物

本発明は、上記製造方法Ⅰ、 Ⅰ Ⅰ により得られる成果物を提供する。

上記製造方法により提供される成果物は、本発明の製造方法により得られる NCSタンパク質標的薬物の誘導体、および該誘導体を含有してなる、薬理作 用の翻節剤 (上述)であり得る。

15 上記製造方法により提供される成果物は、例えば、NCSタンパク質標的薬 物に関連する疾患、あるいはNCSタンパク質遺伝子に関連する疾患の予防・ 治療に、あるいは眩疾患の研究用試薬などとして有用である。

## 5. 複合体、及びその製造方法

本発明は、薬物とNCSタンパク質またはその変異体とを含む複合体を提供 20 する。

薬物は上述したNCSタンパク質標的薬物であり得、例えば、アトルバスタチン、ビモジド、ビフォナソール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベブリジル、塩酸ラロキシフェン、ベンズプロマロン、ブラゼバム、クロチアゼバム、スロクチジル、ベンゼトニウム、ビカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ビメチキセン、フルベンチキソール、クロファジミン、ロキサビン、レスシンナミン、シロシンゴビン、メシル酸ジヒドローαーエルゴンルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴ

クリプチン、メシル酸ジヒドローβ-エルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエ ルゴクリスチン、スタノンロール、あるいはNCSタンパク質に結合能を有す るその誘導体などが挙げられる。

本発明はまた、薬物とNCSタンパク質またはその変異体とを接触させるこ 5 とを含む、薬物とNCSタンパク質またはその変異体とを含む複合体の製造方 法を提供する。該接触は、例えば、溶液中での薬物、タンパク質の混合により 行われ得る。

本発明の複合体、及び当該複合体の製造方法は、例えば、本発明のスクリー ニング方法、本発明の誘導体の製造方法を行う際に、あるいは、複合体の構造 10 解析を行い、薬物とタンパク質との相互作用の様式を精査する場合などに有用 であり得る。

### <u>6. キット</u>

本発明は、薬物またはその塩を含むキットを提供する。

- 一実施形態では、本発明のキットは、以下(i)、(ii)を含む:
- 15 (i) 薬物またはその塩:
  - (ii) NCSタンパク質またはその変異タンパク質、酸タンパク質をコード する核酸、 該核酸を含む発現ペクター、NCSタンパク質遺伝子の発現を測定 可能な細胞、あるいはNCSタンパク質遺伝子の転写調節領域及び該領域に機 能可能に連結されたレポーター遺伝子を含む発現ペクター。
- 20 本発明のキットがタンパク質を含む場合、タンパク質は薬物と複合体を形成していない状態にある。

発現ベクター、NCSタンパク質遺伝子の発現を測定可能な細胞、NCSタンパク質遺伝子の転写調節領域及び該領域に機能可能に連結されたレポーター 遺伝子は、上述と同様である(例えば、「2. スクリーニング方法、及び該方 25 法により得られる成果物」を参照)。 本発明の上記キットは、例えば、本発明のスクリーニング方法、本発明の誘導体の製造方法、並びに本発明の複合体の製造方法を行う際などに有用であり 得る。

- 7. 疾患の発症または発症リスクの判定方法および判定用キット
- 本発明は、所定の疾患の発症または発症リスクの判定方法・判定用キットを 提供する。本発明の判定方法・判定用キットは、測定される対象の観点から、 発現量および多型の測定に基づく判定方法・判定用キットに大別でき、さらに、 発症または発症リスクの判定が所望される疾患の観点から、NCSタンパク質 標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)、ならびにNCSタンパク 質遺伝子に関連する疾患の発症または発症リスクの判定方法・判定用キットに
  - 分類できる。以下、それぞれの判定方法・判定用キットを詳述する。 7. 1. NCSタンパク質遺伝子の発現量の測定に基づく、疾患の発症または 発症リスクの判定方法および判定用キット
- 7. 1. 1. NCSタンパク質遺伝子の発現量の測定に基づく、NCSタンパ 15 ク質標的薬物に関連する疾患の発症または発症リスクの判定方法 (判定方法 1)

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の発現量を測定することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患の発症または発症リスクの判定方法を提供する。

- 20 本判定方法を、必要に応じて「判定方法 I」と省略する。
  - 一実施形態では、判定方法 I は、以下の工程(a)、(b)を含む:
  - (a) 動物から採取した生体試料においてNCSタンパク質遺伝子の発現量を 測定する工程;
- (b) NCSタンパク質遺伝子の発現量に基づきNCSタンパク質標的薬物に 25 関連する疾患の発症または発症可能性を評価する工程。
  - 上記  $(a) \sim (b)$  の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論V」と省略する。

方法論Vの工程 (a) では、動物から採取した生体試料においてNCSタンパク質遺伝子の発現量が測定される。動物は特に限定されないが、例えば、マウス、ラット、ハムスター、モルモット、ウサギ等の実験動物、ブタ、ウン、ヤギ、ウマ、ヒツジ等の家畜、イヌ、ネコ等のペット、サル、オランウータン、

5 チンパンジー、ヒト等の霊長類などの哺乳動物が挙げられる。

現量は、自体公知の方法により決定できる。

生体試料は、NCSタンパク質遺伝子の発現組織を含む試料である限り特に 限定されない。NCSタンパク質遺伝子の発現組織は、上述の通りである。

NCSタンパク質遺伝子の発現量は、NCSタンパク質遺伝子の産物、例えば転写座物又は翻訳座物を対象として自体公知の方法により測定できる。

10 方法論Vの工程(b)では、NCSタンパク質遺伝子の発現量に基づき、動物がNCSタンパク質領的薬物に関連する疾患に罹患しているか否かが評価される。詳細には、先ず、測定されたNCSタンパク質遺伝子の発現量が、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患に罹患していない動物(例えば、正常な動物)におけるNCSタンパク質遺伝子の発現量と比較される。発現量の比較は、好ましくは、有意差の有無に基づいて行われる。NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患に罹患していない動物におけるNCSタンパク質遺伝子の発

次いで、NCSタンパク質遺伝子の発現量の比較結果より、動物がNCSタンパク質標的薬物に関連する疾患に罹患している可能性があるか否か、あるい は将来的に罹患する可能性が高いか低いかが判断される。特定の疾患を発症した動物では、当該疾患に関連する遺伝子の発現の変化がしばしば観察されることが知られている。また、特定の疾患の発症前に、特定の遺伝子の発現の変化 がしばしば観察されることが知られている。従って、NCSタンパク質遺伝子の発現量の解析より、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患の発症あるい 25 は発症可能性を判断することが可能である。

判定方法 I は、N C S タンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)の有無、あるいは該疾患に罹患する可能性の判定を可能とする。従って、判定方法 I は、例えば、該疾患の容易且つ早期の発見などに有用である。
7. 1. 2. N C S タンパク質遺伝子の発現量の測定に基づく、N C S タンパク質療的薬物に関連する疾患の発症または発症リスクの判定用キット(判定用キット1)

本発明は、判定方法 I を容易に行うことを可能とする判定用キットを提供する。

本判定用キットを、必要に応じて「判定用キットI」と省略する。

- 10 一実施形態では、判定用キット I は、以下(i)、(ii)を含む:
  - (i) NCSタンパク質遺伝子の発現量を測定し得る手段;
  - (ii) NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患とNCSタンパク質遺伝子の発現量との関係を記録した媒体。

NCSタンパク質遺伝子の発現量を測定し得る手段は、NCSタンパク質遺 15 伝子の発現量を定量可能である限り特に限定されず、例えばNCSタンパク質 を定量可能な手段(例えば、抗体、NCSタンパク質標的薬物)、NCSタン パク質遺伝子転写産物を定量可能な手段(例えば、核酸プロープ、プライマー 対)に大別される。該手段は、標識用物質で標識されていてもよい。また、該 手段が標識用物質で標識されていない場合、本発明の判定用キットは、該標識 20 用物質をさらに含むこともできる。標識用物質は上述の通りである。

判定用キットIは、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)の有無、あるいは該疾患に罹患する可能性の判定を可能とする。 従って、判定用キットIは、例えば、該疾患の容易且つ早期の発見などに有用 である。

25 <u>7.2.NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、疾患の発症リスクの</u> 判定方法および判定用キット 7. 2. 1. NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCSタンパク 管標的薬物に関連する疾患の発症リスクの判定方法(判)定方法 [1]

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の多型を測定することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患の発症リスクの判定方法を提供する。

- 5 本判定方法を、必要に応じて「判定方法 I I 」と省略する。
  - 一実施形態では、判定方法IIは、以下の工程(a)、(b)を含む:
  - (a) 動物から採取した生体試料においてNCSタンパク質遺伝子の多型を測 定する工程:
- (b) 多型のタイプに基づきNCSタンパク質標的薬物に関連する疾患の発症 10 可能性を評価する工程。
  - 上記 (a) ~ (b) の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論VI」と 省略する。

方法論VIの工程(a)では、動物から採取された生体試料においてNCS タンパク質遺伝子の多型のタイプが測定される。動物は上述の通りである。

生体試料は、方法論Vで上述したものを使用できるが、本方法論VIによれば、生体試料として毛髪、爪、皮膚、粘膜等のゲノムDNAを含む任意の組織も使用できる。入手の容易性、人体への負担等を考慮すれば、生体試料は、毛髪、爪、皮膚、粘膜、血液、血漿、血清、唾液などが好ましい。

NCSタンパク質遺伝子の多型とは、ある母集団において、NCSタンパク 質遺伝子を含むゲノムDNAに一定頻度で見出されるヌクレオチド配列の変異 を意味し、NCSタンパク質遺伝子を含むゲノムDNAにおける1以上のDN Aの置換、欠失、付加(例えば、SNP、ハプロタイプ)、並びに該ゲノムD NAの反復、逆位、転座などであり得る。NCSタンパク質遺伝子の多型は、例えば、H-Inv DB等の公知のデータベースに登録されている。本判定 5 方法に用いられるNCSタンパク質遺伝子の多型のタイプは、NCSタンパク質遺伝子における全てのタイプの多型のうち、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患に罹患した動物と罹患していない動物との間で頻度が異なるヌクレ

オチド配列の変異であり、例えば、NCSタンパク質遺伝子の発現の変化、またはNCSタンパク質遺伝子に関連する機能(例えば、NCSタンパク質標的 薬物に対するNCSタンパク質の結合能)の変化をもたらすものであり得る。 このような多型のタイプは、連鎖解析等の自体公知の方法により決定できる。

多型のタイプの測定は、自体公知の方法により行われ得る。例えば、RFLP(制限酵素切断断片長多型)法、PCR-SSCP(一本鎖DNA高次構造 多型解析)法、ASO(Allele Specific Oligonucleotide)ハイブリダイ ゼーション法、TaRMan PCR法、インベーダー法などが使用できる。

方法論 V I の工程 (b) では、多型のタイプに基づき、動物が N C S タンパ 10 ク質標的薬物に関連する疾患に罹患する可能性が高いか低いかが評価される。 特定の疾患を発症しやすい動物では、当該疾患に関連する遺伝子に特定のタイ プの多型をしばしば有することが知られている。従って、多型の解析より、N C S タンパク質標的薬物に関連する疾患の発症可能性を判断することが可能で ある。

5 判定方法 I I は、N C S タンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)に罹患する可能性の判定を可能とする。従って、判定方法 I I は、該疾患の予防を目的とする生活習慣改善の契機などを提供するため有用である。
7. 2. 2. N C S タンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、N C S タンパク質標的薬物に関連する疾患の発症リスクの判定用キット(判定用キットII)

20 本発明はまた、判定方法IIを容易に行うことを可能とする判定用キットを 提供する。

本判定用キットを、必要に応じて「判定用キットII」と省略する。

- 一実施形態では、判定用キットIIは、以下(i)、(ii)を含む:
- (i) NCSタンパク質遺伝子の多型を測定し得る手段(例えば、核酸プロー
- 25 ブ、プライマー対);

(ii) NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患とNCSタンパク質遺伝子の多型との関係を記録した媒体。

判定用キットIIは、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)に罹患する可能性の判定を可能とする。従って、判定用キットIIは、該疾患の予防を目的とする生活習慣改善の契機などを提供するため有用である。

5 7.2.3.NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCSタンパク 質遺伝子に関連する疾患の発症リスクの判定方法(判定方法111)

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の多型を測定することを含む、NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患の発症リスクの判定方法を提供する。

本判定方法を、必要に応じて「判定方法 I I I 」と省略する。

- 10 一実施形態では、判定方法 I I I は、下記の工程 (a)、(b)を含む:
  - (a) 動物から採取した生体試料においてNCSタンパク質遺伝子の多型のタイプを測定する工程;
  - (b) 多型のタイプに基づきNCSタンパク質遺伝子に関連する疾患の発症可能性を評価する工程。
  - 判定方法 I I I では、発症リスクの判定に使用される多型のタイプは、N C S タンパク質のN C S タンパク質標的薬物に対する結合性を変化させるものである。このような多型のタイプは、パインディングアッセイ等の自体公知の方法により決定できる。

判定方法 I I I における上記 (a)、(b)の工程を含む方法論は、測定されるべきNCSタンパク質遺伝子の多型のタイプを除き、方法論VIと同様である。

判定方法IIIは、NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患に罹患する可能 性の判定を可能とする。従って、判定方法IIIは、該疾患の予防を目的とす る生活習慣改善の契機などを提供するため有用である。

25 7.2.4.NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患の発症リスクの判定用キット(判定用キットIII)

本発明はまた、判定方法 I I を容易に行うことを可能とする判定用キット を提供する。

本判定用キットを、必要に応じて「判定用キット I I I I と省略する。

- 一実施形態では、判定用キットIIIは、以下(i)、(ii)を含む:
- 5 (i) NCSタンパク質遺伝子の多型を測定し得る手段;
  - (ii) NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患とNCSタンパク質遺伝子の 多型との関係を記録した媒体。

判定用キットIIIでは、発症リスクの判定に使用される多型のタイプは、 NCSタンパク質のNCSタンパク質標的薬物に対する結合性を変化させるも 10 のである。このような多型のタイプは、パインディングアッセイ等の自体公知 の方法により決定できる。

判定用キットIIIの構成要素は、測定されるべきNCSタンパク質遺伝子の多型のタイプを除き、判定用キットIIと同様である。

判定用キットIIIは、NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患に罹患する 15 可能性の判定を可能とする。従って、判定用キットIIIは、該疾患の予防を 目的とする生活習情故跡の契機などを提供するため有用である。

### 8. 薬物に対する感受性の判定方法および判定用キット

本発明は、薬物に対する感受性の判定方法・判定用キットを提供する。本発明の判定方法・判定用キットは、発現量の測定、および多型の測定に基づく判定方法・判定用キットに大別でき、さらに、感受性の判定が所望される疾患の観点から、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)、ならびにNCSタンパク質遺伝子に関連する疾患における判定方法・判定用キットに分類できる。以下、それぞれの判定方法・判定用キットを詳述する。

25 <u>8.1.NCSタンパク質遺伝子の発現量の測定に基づく、薬物に対する感受</u>性の判定方法および判定用キット

8.1.1.NCSタンパク質遺伝子の発現量の測定に基づく、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物に対する感受性の判定方法(判定方法IV)

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の発現量を測定することを含む、NCS 5 タンパク質標的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物に対す る威受性の判定方法を提供する。

本判定方法を、必要に応じて「判定方法IV」と省略する。

- 一実施形態では、判定方法 I Vは、以下の工程(a)、(b)を含む:
- (a) 動物から採取した生体試料においてNCSタンパク質遺伝子の発現量を 10 測定する工程:
  - (b) NCSタンパク質遺伝子の発現量に基づきNCSタンパク質標的薬物の効果を予測する工程。

上記(a)~(b)の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論VII」 と省略する。

15 方法論VIIの工程(a)は、方法論Vの工程(a)と同様である。

方法論VIIの工程(b)では、NCSタンパク質遺伝子の発現量に基づき、 NCSタンパク質標的薬物の動物に及ぼし得る効果が評価される。詳細には、 先ず、測定されたNCSタンパク質遺伝子の発現量が、NCSタンパク質遺伝 子の発現量とNCSタンパク質標的薬物に対する感受性との相関性に関するデ 20 一タと照合される。NCSタンパク質遺伝子の発現量とNCSタンパク質標的

取物に対する感受性との相関性は、自体公知の方法により決定できる。
次いで、照合結果より、NCSタンパク質標的薬物に対する感受性が推定さ

れる。NCSタンパク質遺伝子を高発現している動物では、薬物に対する感受性が高い(または低い)と考えられ、低発現する動物は、感受性が低い(また 25 は高い)と考えられる。従って、NCSタンパク質遺伝子の発現量の解析より、

NCSタンパク質標的薬物に対する感受性を判断することが可能である。例え

ば、薬物の効き易さまたは効き難さ、あるいは薬物の副作用が発現する確率を 判断することが可能である。

8. 1. 2. NCSタンパク質遺伝子の発現量の測定に基づく、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患の発症または発症リスクの判定用キット(判定用キットIV)

本発明は、判定方法 I Vを容易に行うことを可能とする判定用キットを提供 10 する。

本判定用キットを、必要に応じて「判定用キットIV」と省略する。

一実施形態では、判定用キットIVは、以下(i)、(ii)を含む:

- (i) NCSタンパク質遺伝子の発現量を測定し得る手段;
- (ii) NCSタンパク質標的薬物の効果とNCSタンパク質遺伝子の発現量 15 との関係を記録した媒体。

判定用キットIVの構成要素は、(ii)の媒体以外は、判定用キットIと 同様である。

判定用キットIVは、NCSタンパク質標的薬物に対する感受性の容易な判定を可能とする。従って、判定方法IVは、例えば、特定の動物に対するNC 20 Sタンパク質標的薬物の作用の評価などに有用である。

- 8.2. NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCSタンパク質標 的事物に対する感受性の判定方法および判定用キット
- 8. 2. 1. NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCSタンパク 質標的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物に対する感受性
- 25 の判定方法(判定方法V)

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の多型を測定することを含む、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物に対する 感受性の判定方法を提供する。

本判定方法を、必要に応じて「判定方法V」と省略する。

- 5 一実施形態では、判定方法 V は、以 下の工程 (a)、(b)を含む:
  - (a) 動物から採取した生体試料においてNCSタンパク質遺伝子の多型を測 定する工程:
  - (b) 多型の特定のタイプの有無に基づきNCSタンパク質遺伝子に関連する 疾患におけるNCSタンパク質標的薬物の効果を予測する工程。
- 10 上記(a)~(b)の工程を含む方法論を、必要に応じて「方法論VII

方法論VIIIの工程(a)は、方法論VIの工程(a)と同様である。

方法論VIIIの工程(b)では、NCSタンパク質遺伝子の多型のタイプ に基づき、NCSタンパク質様的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク 質標的薬物の効果が評価される。詳細には、先ず、測定されたNCSタンパク 質遺伝子の多型のタイプが、NCSタンパク質遺伝子の多型のタイプと、NC Sタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物に対 する感受性との相関性に関するデータと照合される。該相関性は、自体公知の 方法により決定できる。

- 20 次いで、照合結果より、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患における NCSタンパク質標的薬物に対する感受性が予想される。薬物に対する感受性 が高い動物では、該NCSタンパク質遺伝子に特定のタイプの多型をしばしば 有することが知られている。従って、多型の解析より、NCSタンパク質標的 薬物に対する感受性を判断することが可能である。例えば、薬物の効き易さま 25 たは効き難さ、あるいは薬物の副作用が発現する確率を判断することが可能で
  - 5 たは効き難さ、あるいは薬物の副作用が発現する権率を判断することが可能で ある。

判定方法Vは、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神 経疾患)におけるNCSタンパク質標的薬物に対する感受性の容易な判定を可 能とする。従って、判定方法Vは、例えば、NCSタンパク質標的薬物に関連 する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物の作用の評価などに有用である。

5 8.2.2.NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCSタンパク 質標的薬物に関連する疾患の発症リスクの判定用キット(判定用キットV)

本発明はまた、判定方法Vを容易に行うことを可能とする判定用キットを提供する。

本判定用キットを、必要に応じて「判定用キットV」と省略する。

- |O 一実施形態では、判定用キットVは、以下(i)、(ii)を含む:
  - (i) NCSタンパク質遺伝子の多型を測定し得る手段;
  - (ii) NCSタンパク質標的薬物の効果とNCSタンパク質遺伝子の多型との関係を記録した媒体。

判定用キットVの構成要素は、 (i i) の媒体以外は、判定用キットIIと 15 同様である。

判定用キットVは、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患(例えば、中枢神経疾患)におけるNCSタンパク質標的薬物に対する感受性の判定を可能とする。従って、判定用キットVは、例えば、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物の作用の評価などに有用である。

20 <u>8.2.3.NCSタンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCSタンパク 質遺伝子に関連する疾患におけるNCSタンパク質標的薬物に対する感受性の</u> 判定方法(判定方法VI)

本発明は、NCSタンパク質遺伝子の多型を測定することを含む、NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患↓こおけるNCSタンパク質類的薬物に対する感 25 受性の判定方法を提供する。

本判定方法を、必要に応じて 「判定方法VI」と省略する。

一実施形態では、判定方法V I は、下記の工程(a)、(b)を含む:

- (a) 動物から採取した生体試料においてNCSタンパク質遺伝子の多型のタイプを測定する工程:
- (b) 多型の特定のタイプの有無に基づきNCSタンパク質遺伝子に関連する 疾患におけるNCSタンパク質標的薬物の効果を予測する工程。
- 5 本判定方法では、感受性の判定に使用される多型のタイプは、NCSタンバク質のNCSタンパク質標的薬物に対する結合性を変化させるものである。このような多型のタイプは、バインディングアッセイ等の自体公知の方法により決定できる。薬物に対する結合能が増強または低下するような多型のタイプを含む標的遺伝子を有する動物では、薬物に対する感受性が高い(または低い)
- 10 と考えられ、該結合能が低下するような多型のタイプを含む標的遺伝子を有する動物は、感受性が低い(または高い)と考えられる。従って、このような多型のタイプの解析より、NCSタンパク質標的薬物に対する感受性を判断することが可能である。

判定方法VIにおける上記(a)、(b)の工程を含む方法論は、測定され
15 るべきNCSタンパク質遺伝子の多型のタイプを除き、方法論VIIIと同様
である。

判定用キットVIは、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるN CSタンパク質標的薬物に対する感受性の容易な判定を可能とする。従って、 判定用キットVIは、例えば、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患にお 20 けるNCSタンパク質標的薬物の作用の評価などに有用である。

8. 2. 4. NCS タンパク質遺伝子の多型の測定に基づく、NCS タンパク 質遺伝子に関連する疾患の発症リスクの判定用キット (判定用キットV 1) 本発明はまた、判定方法VIを容易に行うことを可能とする判定用キットを 提供する。

25 本判定用キットを、必要に応じて「判定用キットVI」と省略する。 一実施形態では、判定用キットVIは、以下(i)、(ii)を含む: (i) NCSタンパク質遺伝子の多型を測定し得る手段: (ii) NCSタンパク質遺伝子に関連する疾患とNCSタンパク質遺伝子の 多型との関係を記録した媒体。

判定用キットVIでは、発症リスクの判定に使用される多型のタイプは、N CSタンパク質のNCSタンパク質標的薬物に対する結合性を変化させるもの 5 である。このような多型のタイプは、バインディングアッセイ等の自体公知の 方法により決定できる。

判定用キットVIの構成要素は、測定されるべきNCSタンパク質遺伝子の 多型のタイプを除き、判定用キットVと同様である。

判定用キットVIは、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるN 10 CSタンパク質標的薬物に対する感受性の判定を可能とする。従って、判定用 キットVIは、例えば、NCSタンパク質標的薬物に関連する疾患におけるN CSタンパク質標的薬物の作用の評価などに有用である。

本明細書中で挙げられた特許および特許出願明細書を含む全ての刊行物に記 載された内容は、本明細書での引用により、その全てが明示されたと同程度に 15 本明細書に組み込まれるものである。

#### 実施例

以下に実施例を挙げ、本発明を更に詳しぐ説明するが、本発明は下記実施例 等に何ら制約されるものではない。

参考例1:ヒト完全長 cDNA クローンからのタンパク質発現方法

20 Invitrogen の Gateway システムの PCR クローニング法によって、ヒト完全 長 cDNA クローンをクローニングベクターGatewaypDONR201 と BP 反応させて、 エントリークローンを得た。このエントリークローンを、Gateway システムの デスティネーションベクターpDEST17 としRクロナーゼにより 25℃60 分間し R反応させて、発現プラスミドを作製した。この発現プラスミドによって、大 25 脇菌コンピテントセル BL21star (DE3) pLysS を形質転換し、発現ベクターが導 入されたクローンを選択して FrozenStock を作製した。形質転換体をLB培 地に植菌して前培養後、SB培地中に移して本培養を行い、IPTG発現誘導 をかけた菌体を凍結保存した。

参考例2:ヒト完全長 cDNA クローンの発現タンパク質精製方法

ヒト完全長 cDNA クローンを N末Hi s タグ付きのタンパク質として発現させ、

- BioRobot8000 (Qiagen) あるいは ACTA Crystal (Amersham) を用いて実施した。BioRobot8000 による精製では、参考例1の発現誘導をかけた凍結保存菌体を解凍してリゾチームで溶菌後、Ni-NTA Superflow 96 BioRobot Kit (Qiagen) を用いてアフィニティ精製した。ACTA Crystal による精製では、HisTrap HP カラムによるアフィニティー精製後に、Gel Filtration Column
   HiLoad 16/60 または 10/30 Superdex 75 prep grade カラムによるゲルろ過精製を実施した。精製分画のSDS-PAGE を実施して、推定分子最と純度を検
- 定してから相互作用解析に使用した。 参考例3;サイズ排除クロマトグラフィー法を用いたヒトタンパク質-医薬品

参考例3;サイス排除クロマトクラフィー伝を用いたとドランパッ員 位来に 相互作用

### 15 解析方法

汎用医薬品とヒト全長 cDNA クローンから発現したタンパク質との相互作用を、タンパク質と化合物の双方とも非修飾・非固定の状態で解析するために、サイズ排除クロマトグラフィー(SEC)と質量分析を組み合わせた手法を用いた(図1、2)。具体的な手順は次の通りである。

#### 20 ステップ 1.

単一の医薬品溶液、あるいは、複数の医薬品(8、16、24種など)を混合した多重化化合物溶液を、参考例2で精製したタンパク質に添加した。 ステップ2.

ステップ1で調製した化合物とタンパク質の混合物のSECカラムによるク 25 ロマトグラフィーを実施し、化合物とタンパク質とをSECで分離し、タンパ ク質分画に含まれる結合化合物あるいはタンパク質と相互作用した化合物を質 最分析計によって解析した。 精製タンパク質標品は、限外ろ過法による濃縮と緩衝液置換を行い、最終的 に 10mM ADA (N-(2-Acetamido)iminodiacetic acid) Buffer (pH6.5)-300mM NaCl-100μM mineral ion cocktail(Ca(0Ac)<sub>2</sub>、Zn(0Ac)<sub>2</sub>・2H<sub>2</sub>0、 Cu(0Ac)<sub>2</sub>・H<sub>2</sub>0、Co(0Ac)<sub>2</sub>・4H<sub>2</sub>0、Mn(0Ac)<sub>2</sub>・4H<sub>2</sub>0、Mg(0Ac)<sub>2</sub>・4H<sub>4</sub>0、FeCl<sub>3</sub>・ 5 6H<sub>2</sub>0)水溶液中で 25μM 以上の濃度になるまで濃縮した。タンパク質濃度は BCA Protein Assay (PIERCE) を用いて測定し、SDS-PAGE で算定した純度を 考慮した。

医薬品化合物は、1.25mM 濃度の単一化合物の DMSO (Dimethy1 sulfoxide) 溶液あるいは複数 (8あるいは16種) の化合物を混合した多重 10 化化合物の DMSO 溶液を調製して相互作用解析に用いた。また、再現性を確認 する試験あるいは濃度依存性を調べる試験では、各種濃度の単一化合物の DMSO (Dimethyl sulfoxide) 溶液を用いた。

質量分析は、ESIプローブを装着したLCQ DECA XP (Thermoelectron) あるいは Q-TOF micro (Micromass) を用いて行った。また、LC ポンプは
15 Agilent1100 (Yokogawa Analytical Systems) 、オートサンプラーはクーリングスタッカーを搭載した HTC-PAL (CTC Analytics) を使用した。
384 穴スピンカラムを用いたSEC法では、ユニフィルター100
(Whatman) に乾燥容量 10 μ L の Bio-Gel P6 (BIO-RAD) を充填し、milliQ 水で膨潤させたものをSECカラムとして使用した。タンパク質を含まないリファレンス標品および 25 μ M 濃度のタンパク質標品 13.3 μ L と、各 25 μ M 濃度の医薬品化合物の多重化液 (5% DMSO 水溶液) 0.7 μ L とを混合し、その9μ L をSECスピンカラムに分注した。アセトニトリルを分注した 384 穴 U 底プレート上にSECスピンカラムを上乗せして遠心し、タンパク質分画であるSECスピンカラムのろ液を50%アセトニトリル中に回収した。アセトニトリルによって生じたタンパク質沈酸を遠心およびフィルターろ過で除去して、除タンパク質操作を行い、そのろ液を遠心濃縮後に 10 μ L の 50 %Methanol で再溶解して、質量分析サンプルとした。質量分析計への移動相は、Positive

ionモードの場合には 0.1% 半酸/50%methanol 溶液、Negative ionモードの場合には 0.1% アンモニア/50%methanol 溶液を、40μL/min の流速で用いた。オートサンプラーを用いて質量分析サンプル2μL ずつを2分 間間隔でインジェクションして化合物の質量スペクトル強度を測定し、SECスピンカ5ラムのろ液(SECからのタンパク質溶出分画)に含まれる医薬品化合物のスペクトル強度を得た。タンパク質標品を添加したSECサンプルから 得られた質量分析サンプル中の化合物のスペクトル強度が、タンパク質が添加されていないリファレンスのSEC標品の質量分析サンプル中のその化合物のスペクトル強度よりも大きい場合に、相互作用ありと判定した。また、濃度依存性を10関べる試験においては、SECサンプルの化合物濃度あるいは/およびタンパク質濃度を増加させた時に、SECスピンカラムのろ液(SECからのタンパク質溶出分画)に含まれる医薬品化合物のスペクトル強度が増大する場合に、

実施例1:FLJ39196クローン由来タンパク質とアトルバスタチンとの相互作 15 用解析

参考例1および参考例2の方法に従ってFLJ39196クローンに由来するタンパク質の発現精製を行い、参考例3の方法に従ってFLJ39196から発現精製したタンパク質と、アトルバスタチンとの相互作用を解析した。その結果を表1に示した。アトルバスタチンとFLJ39196発現タンパク質の両者の用量に依存20して、SECスピンカラムのろ該(SECからのタンパク質溶出分画)に含まれる医薬品化合物のスペクトル強度が増大しており、濃度依存性の相互作用と判定した。

「表 1 ]

濃度依存性の相互作用と判定した。

			測定Ma	ss Range:m/z≕	559.25-559.5			
- 100100 - 1 H . C		化合物(μM)						
FLJ39196-アトルバ	1972 <u> </u>	0	12,5	25	62.5			
	0	53987	31597	68345	604452			
L. 1550/ 10	5	56604	247204	110996	2.703426			
タンパク質(μM)	10	117020	569000	597628	3 448280			
	25	164530	1285142	2719479	7108230			

従って、FLJ39196 由来タンパク質は、抗コレステロール薬として開発され、かつ、抗認知症(アルツハイマー)薬などとしての効能が認められているスタチン化合物の1種、アトルバスタチンの標的タンパク質の1つであることが判明した。このことより、FLJ39196 由来タンパク質とスクリーニング候補物 質とを作用させることで、新規抗認知症薬のスクリーニングを行うことができる。すなわち、FLJ39196 由来タンパク質と候補物質との相互作用を、例えば実施例1の方法で検出するような系を構築することによって、新規抗認知症 (アルツハイマー)薬のスクリーニングを行うことができる。

実施例 2:FLJ39196クローン由来タンパク質と各種化合物との相互作用解析 参考例 1 および参考例 2の方法に従って FLJ39196 クローンに由来するタン パク質の発現精製を行い、参考例 3 の方法に従って FLJ39196 から発現精製し たタンパク質と、各種化合物との相互作用を解析した。その結果を表 2~2 8 に示した。各種化合物と FLJ39196 発現タンパク質の両者の用量に依存して、 SECスピンカラムのろ液(SECからのタンパク質溶出分画)に含まれる医 薬品化合物のスペクトル強度が増大しており、濃度依存性の相互作用と判定し た。

[表 2]

		測定Mass Range	:m/z=461.8-4	62.8		
FLJ39196 - ピモジド(pimozide)		化合物(μM)				
FF338180 - F-	E>P(piniozide)	O.	11	10	100	250
	0	18219277	4813337	4354460	5504067	9203835
タンパク質(μM)	23.75	5818424	6161857	27706749	456093959	1174368945
プンハン風(μm)	475	5080308	8507799	142633352	1412301047	2935095895

20 〔表3〕

		謝定Mass Range:①m/z=310.7-311.7および②m/z(Naイオン付加体)=332.6-333.6						
FLJ39196 - ビホナ	ゾール(Bifonazole)	ol	1	化合物(μM) 10	100	250		
	0	38593590	32068857	34579053	30705006	32278650		
タンパク質(μM)	23.75	37989067	27516354	30253800	60323012	85169446		
,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,,	475	34294270	33844567	38342358	152159135	322219706		

	測定Mass Range:m/z=298.7-299.7								
- 100400 - N	FLJ39196 - フェンジリン(Fendiline)		化合物(µM)						
FEJ39196 - 713			1	10	100	250			
	0	16096640	18341826	21106520	134902492	315067466			
タンパク質(μM)	23.75	15565227	15884361	18323956	118321460	396979100			
	47.5	15343412	24572438	26691498	256481478	565679716			

# 〔表 5〕

到定Mass Ranga:m/z=329.7-330.7

FLJ39196 - クロベ	ラスチン(chlopera		化合物(μM)				
stine)		. 0	1	10	100	250	
タンパク質(μM)	0	5350191	2920008	13165487	276180260	803023959	
	23,75	3537409	2972794	9288224	218420294	773924506	
	47.5	2912771	4085344	18612563	338617522	1411536255	

5

# [表 6]

測定Mass Range;m/z=366.7-367.7								
FLJ39198 - ペプリジル(Bepridil)			化合物(μM)					
		. 0	1	10	100	250		
タンパク質(μM)	0	11238373	9581826	14048756	358168208	1566782176		
	23,75	7541774	7408112	35655439	771184721	1841002486		
	47.5	6335047	7866658	40680909	1156825217	1990085657		

# 〔表 7〕

新中Mana Panga m /マー472 7-474 7

FLJ39196 - 塩百		化合物(μM)					
(Reloxifene hydrochloride)		O)	• 1	10	100	250	
-	0	17843366	3754698	2330594	7909682	10553153	
タンパク質(μM)	23.75	4991164	3790373	6024709	124641622	157539770	
	47.5	4375846	3014448	17385466	122918120	666932700	

# 〔表 8〕

		測定Mass Range					
FLJ39196 - <	ンズブロマロン	化合物(μM)					
(Benzbro	marone)	0	1	10	100	250	
	0	327259	231212	300847	378850	461737	
【タンパク質(μM)】	23.75	301936	357666	1258120	10722991	19795682	
	475	353375	412022	1942184	29076230	43413619	

81 St. -- D----- /2-224 7-225 7

FLJ39196 - プラゼパム(prazepam)		化合物(µM)					
		ol	1	10	100	250	
	0	57513356	45379226	21988256	130413200	139016191	
タンパク質(μM)	23.75	28065745	38417587	46660512	258681345	517983224	
	47.5	30688137	26479402	67670753	264065408	706383483	

[表10]

测定Mass Range:m/z=318,7-319.7

FLJ39196 - 5	フロチアゼバム	化合物(μM)				
(clotia	zepam)	0	1	10	100	250
	0	8807574	8089543	19826757	251469420	633414607
タンパク質(μM)	23.75	7459143	8254340	25038949	283452799	759706893
	47.5	7176640	9022620	60448900	657940514	1089985810

5

〔表11〕

測定Mess Renge:m/z=337.7-338.7								
			化合物(μM)					
FLJ39196 - スロクチジル(Suloctidil)		0	1	10	100	250		
	0	3542413	6080126	3684060	4969067	9177432		
タンパク質(μM)	23.75	6558607	4318261	7828150	163940015	357100809		
	47.5	4836197	5977944	7209043	507388292	74201 5343		

〔表12〕

間中Mana Dango im /2=411 0=412

FLJ39196 - <		プム 化合物(μM)				
(Benzethe	onium)	0 1 10 100				250
	0	22495292	7744717	5781630	110985750	3418189873
タンパク質(μM)	23.75	8694278	7361705	346972055	5864609237	6839519322
	47.5	9038570	18097692	724595729	9268734340	14536894458

10

[表13]

		3	即定Mass Range;					
	FLJ39196 - ピカルタミド (Bicaltamide)		化合物(μM)					
			0	1	10	100	250	
Ì	1 0	0	1319316	196020	269681	3889442	1804944	
	タンパク質(μM)	23.75	278471	264437	914364	18349511	53664833	
		47.5	191214	390946	4168309	24933110	112816687	

	測	定Mass Range	m/z=430.2-43	1.2		,
FLJ39196 - 4	ベンズチアジド		- 1	:合物(μM)		
(Benzt	hiazide)	0	1	10	100	250
	0	1189971	271261	505597	1323031	1475428
タンパク質(μM)	23.75	315296	361168	1095223	9348303	25333199
1	47.5	176906	249695	1261413	16067473	28434802

[表15]

到完Mass Range: m/z=298 7-299 7

FLJ39196 - ミナプリン(Minaprine)				化合物(µM)		
		0	1	10	100	250
	0	16639217	15652447	95722839	530918568	1025547751
タンパク質(μM)	23.75	9882171	10946604	88615018	727082711	1272226745
	47.5	8025117	10185140	49245292	427303459	1448860391

5

〔表16〕

	測	定Mass Range							
FLJ39196 - FL	フルオペラジン			化合物(μM)					
(Trifluoperazine)		0	1	10	100	250			
1,1,1,1,1	0	9858178	6645734	7904072	204390563	6329062B1			
タンパク質(µM)	23.75	6423833	7580781	40058178	293702761	1292987653			
	47.5	5642729	7231665	14142338	5846308	2293500744			

〔表17〕

測学Mace Pange:m/z=315.7-316.7

FLJ39196 - クロ	ルプロチキセン			化合物(μM)		
(Chlorprothixene)		0	• 1	10	100	250
	0	20818137	12908294	15368592	30558420	80321853
タンパク質(μM)	23.75	20012122	21615977	31548696	104338961	243359670
77	47.5	18192912	25013147	52145413	207034486	433637183

10

〔表18〕

	29	定Mass Range							
FLJ39196 -	ピメチキセン			<b>と合物(μM)</b>					
	hixene)	0	1	10	100	250			
	0	3544903	2913965	4868887	58800844	224525009			
タンパク質(μM)	23.75	3278835	2449690	5737072	121577640	265475649			
1	47.5	2729497	2762592	9271060	197624997	359356100			

測定Mass Range:m/z=434.7-438.7									
FLJ39196 - フル	ペンチキソール			化合物(μM)					
(Flupentixol) cis-(Z)		ol	1	10	100	250			
	0	42590489	57845690	59201705	138331819	1019443291			
タンパク質(μM)	23.75	36874292	38801184	66148127	474717521	1437323119			
	47.5	27636011	54783295	82852252	1301876646	1766098462			

# [表20]

5

# [表21]

		測定Mass Range							
FLJ39196 - 📭	442.0			化合物(μM)					
FLJ39196 - LJ-4	マピン(Loxapine)	0	1	10	100	250			
	0	3522176	3432353	21044859	169361258	460296582			
タンパク質(μM)	23.75	3879570	4528499	11931004	251879811	825422861			
	47.5	2827091	4199361	15635610	339486695	830945491			

# 〔表22〕

was often a	-	 225.0

EL 100100 1 3 1	FLJ39196 - レシナミン(Rescinnamine)		化合物(μM)					
FLJ39196 - DD7			- 1	10	100	250		
	0	11639431	9843174	6544896	12903374	7315419		
タンパク質(µM)	23.75	12301790	11269941	21895843	215933519	288844471		
	47.5	13358537	17653515	40677751	675671326	1469409087		

10

### [表23]

		測定Mass Range	-8.666=z/m:e		·					
FLJ39196 - 3	ノロシンゴビン			化合物(μM)						
(Syrosia	(Syrosingopine)		1	10	100	250				
	0	52552166	38126829	47209784	41362697	38512184				
タンパク質(μM)	23,75	56051742	63594361	101347281	465474678	596250311				
	47.5	55701703	70443152	105524442	897067633	1499127775				

測定Mass Range:m/z=564.1-565.1							
FLJ39196 - メシル酸ジヒドロエルゴト							
キシン(Dihydroergotoxine mesylate)		0	1	10	100	250	
	0	28173635	25150786	29311635	76261189	326128137	
タンパク質(μM)	23.75	20474057	19680823	36914079	177369018	232715490	
1	47.5	14315178	16556794	45033425	221983211	530510575	

### [表25]

期定Mess Renge:m/z=577.9-578.9 ドン(Dihydroargetodne mesylate) 0 1 10 100 250 0 20191674 17035989 25943575 22394501 234971558 タンパク質(μM) 23,75 15759781 25990358 11132200 47134902 498003500 19716789 0716789

[表26]

5

10

測定Mass Range:m/z=611.7-61 2.7								
FLJ39196 - メシル	酸ジヒドロエルゴト	化合物(μM)						
キシン(Dihydroers	otoxine mesylate)	0	1	10	100	· 250		
タンパク質(μM)	0	33357241	18486648	24024699	30737736	58888872		
	23.75	25102744	35126832	106708813	397014202	267260198		
	47.5	31509157	40595551	194133547	931095764	1112309560		

#### [表27]

		测定Mass Range	e:m/z≃611.9~l				
FLJ39196 - ジヒドロ	コキシエルゴクリス	化合物(μM)					
チン(Dihydron	ergocristine)	0	- 1	10	100	250	
	0	34818618	25663523	10810305	75466444	137535150	
タンパク質(μM)	23.75	28551541	68120944	327393156	910395859	871970698	
	47.5	38121433	95970671	593118709	1961163889	2985742521	

[表28]

-	源	定Mass Range	:m/z=328.9-32	.9.9				
FLJ39196 - 2	スタノゾロール	化合物(μM)						
(stand	zoloľ)	0	1	10	100	250		
	0	8793284	3108300	2749518	3830491	4150230		
タンパク質(μM)	23,75	3069987	3620481	10223886	127989356	194560574		
	47.5	2505684	3989532	25533379	619287498	778914733		

15 従って、FLJ39196 由来タンパク質は、これらの各種化合物の標的タンパク質の1つであることが判明した。このことより、FLJ39196 由来タンパク質とスクリーニング候補物質とを作用させることで、新規医薬のスクリーニングを

行うことができる。すなわち、FLJ39196 由来タンパク質と候補物質との相互 作用を、例えば実施例1の方法で検出するような系を構築することによって、 新規医薬のスクリーニングを行うことができる。

実施例3:FLJ20589クローン由来タンパク質と各種化合物との相互作用解析 5 参考例1および参考例2の方法に従ってFLJ20589クローンに由来するタン パク質の発現精製を行い、参考例3の方法に従ってFLJ20589から発現精製し たタンパク質と、各種化合物との相互作用を解析した。その結果を表29~3 3に示した。各種化合物とFLJ20589発現タンパク質の両者の用量に依存して、 SECスピンカラムのろ液(SECからのタンパク質溶出分画)に含まれる医 10 薬品化合物のスペクトル強度が増大しており、濃度依存性の相互作用と判定した。

### [表29]

		测定Mass Range:	Dm/z=310.8-31	11.8 および ②m/z	(Naイオン付加タ	k)=332.9-333.9		
E 100500 12-1-1	ゾール(Bifonazole)		化合物(μM)					
FLJ20589 - E ホフ	-7 —/V(Bifonazole)	0	1	10	100	250		
	0	3600159	2704636	2935358	2558136	3779926		
タンパク質(μM)	23.75	2324791	2343078	2189489	3826699	3607174		
	47.5	2094320	1367901	2513645	8024232	28949362		

#### 15 〔表30〕

	,	財運Mass Range:	m/z=325,1-3					
FLJ20589 - プラゼパム(Prazepam)		化合物(µM)						
		0	1	10	100	250		
	0	696402	563508	752185	5911478	8158416		
タンパク質(μM)	23,75	438127	372254	1912944	27662748	53037838		
	47.5	· 172968	603084	8279573	67316791	87274751		

#### [表 3 1]

			測定Mass Rang	ge:m/z=412.0-			
	FLJ20589 - ベンゼトニウム 化合物(μM)						
	(Benzethonium)		0	1	10	100	250
	タンパク質(μM)	0	2920130	681042	536408	1019183	1894576
		23,75	852430	567621	13777320	732075554	363052655
		47.5	169123	179741	1125025	368271326	1844957985

	an an	定Mass Range				
FLJ20589 - 1-1	ノフルオペラジン			と合物(μM)		1
(Trifluoperazine)		0	1	10	100	250
	0	1872134	1499445	1420853	2266965	4146130
タンパク質(μΜ)	23,75	548622	469062	893634	41947038	57062370
	47.5	226024	459554	2953415	67433540	116228047

#### [表33]

测定Mass Range: m/z=405.1-406.1

FLJ20589 - フルナジン(Flunarizine)		化合物(μM)					
		0	1	10	100	250	
タンパク質(μM)	0	418270	188851	200579	198757	253795	
	23.75	185731	501950	137693	181386	308575	
	47.5	154411	58869	178128	2683794	9317332	

5

従って、FLJ20589 由来タンパク質は、これらの各種化合物の標的タンパク質の1つであることが判明した。このことより、FLJ20589 由来タンパク質とスクリーニング候補物質とを作用させることで、新規医薬のスクリーニングを行うことができる。すなわち、FLJ20589 由来タンパク質と候補物質との相互10 作用を、例えば実施例1の方法で検出するような系を構築することによって、新規医薬のスクリーニングを行うことができる。

実施例4: FLJ39196 または FLJ20589 クローン由来タンパク質と各種化合物 とのドッキングスタディ

次いで、FLJ39196 または FLJ20589 クローン由来タンパク質を標的タンパ 15 夕質とじて、先に記載した各種化合物とのドッキングスタディを行った。

その結果、本発明の式 (I) 乃至 (VIII) 、式 (1) 乃至 (11) および式 (1') 乃至 (11') で表される化合物またはその塩等が、FLJ39196 または FLJ20589 に結合し得ることから、FLJ39196 または FLJ20589 クローン由来 タンパク質の機能を調節し得ると考えられた。

20 以上より、本発明の式(I) 乃至(VIII)、式(1) 乃至(11) および式(1') 乃至(11') で表される化合物またはその塩等は、認知症等の対象 疾患等の予防・治療、あるいは本明細書中に記載されるその他の用途などに有 用であると考えられる。

### 産業上の利用可能性

本発明のNCSタンパク質および遺伝子は、抗中枢神経疾患薬等の創薬などを可能とする。本発明のスクリーニング方法および本発明の誘導体の製造方法は、中枢神経疾患等の疾患の予防・治療剤、並びに該疾患の研究用試薬の開発などを可能とする。本発明の調節剤および誘導体は、中枢神経疾患等の疾患の予防・治療に、並びに該疾患の研究用試薬などに使用できる。本発明の複合体およびキットは、本発明のスクリーニング方法などに使用できる。本発明の判定方法および判定用キットは、動物における疾患の発症または発症可能性の評価、並びに薬物に対する感受性の評価などを可能とする。

10 本出願は、日本で出願された特願2004-304864(出願日:2004年10月19日)を基礎としており、その内容は本明細書に全て包含されるものである。

5

#### 請求の範囲

1. 以下の式(I) ~ (VIII) からなる群から選ばれる化合物である、NCS タンパク質に対する結合能を有する化合物またはその塩:

「式中、R¹は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスルファニル;ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化10 アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;あるいは15 −CO−R® (ここで、R®は、炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;

あるいは炭素数 1 ~ 9 の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シナノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよび4 ーヒドロキシフェニルからなる群から選択される 1 ~ 3 個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数 3 ~ 7 のシクロアル

- 5 キル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、ビフェニル、チェニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリルを示す。);を示し、
  - R<sup>2</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換
- 10 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ ェニルオキシ、フェニルスルファニル、炭素数7~12のフェニルアルキル、
- 15 炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し、
  - R®は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換
- 20 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ ェニルスルファニル、炭素数7~12のフェニルアルキル、炭素数8~12の
- 25 フェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し

R\*は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の値鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスルファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ 置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フェニルスルファニル、フェニルイミノ、炭素数7~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルトル、炭素数8~12のフェニルアルトルキシ;を示し、

 $R^5$ は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキル;あるいはハロゲン化アルキル;を示し、

R<sup>6</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル15 ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し

R<sup>7</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル 25 ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フェニルスルファニル、炭素数7~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し

5

 $R^{8}$ は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アルキルスルファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、ハロゲン化アルキルおよびアルキルオキシからなる群から選択される $1\sim3$ 個の置換基を有していてもよい、炭素数 $1\sim7$ の直鎖または分岐のアルキルまたは炭素数 $1\sim7$ の直鎖ま

10 たは分岐のアルキルオキシを示し、

但し、R<sup>2</sup>とR<sup>4</sup>、R<sup>3</sup>とR<sup>5</sup>、R<sup>6</sup>とR<sup>7</sup>、およびR<sup>7</sup>とR<sup>8</sup>はそれぞれ繋がって、独立に、ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アミノ;モノ置換アミノ;ジ 置換アミノ;ハロゲン化アルキル;アルキルスルファニル;ベンズイミダゾロニル;ならびにハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ 、ジ置換アミノ、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルまたは炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい環を形成してもよい。〕

20

2. 以下の式(I) ~ (VIII) からなる群から選ばれる化合物またはその医薬 として許容される塩を有効成分として含有することを特徴とする、認知症の治 療または予防率:

[式中、R¹は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスルファニル;ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換ア 5 ミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12のフェールスルファニル、炭素数7~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;あるいは一CO一R°(ここで、R°は、炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル,カロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよび4−ヒドロキシフェニルからなる群から選択される15 1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアル

キル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、ビフェニル、'チエ ニル、ベンソチエニルまたはベンゾフリルを示す。);を示し、

 $R^2$ は、水素原子: ハロゲン原子; シアノ; ヒドロキシ; 炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル:ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル 5 ファニル; あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ 10 エニルオキシ、フェニルスルファニル、炭素数7~12のフェニルアルキル、 炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキ

ルオキシ:を示し、

 $R^3$ は、水素原子: ハロゲン原子: シアノ: ヒドロキシ: 炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル:ハロゲン化アルキル:アルキルオキシ:アルキルスル 15 ファニル: あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ 20 エニルスルファニル、炭素数 7~12のフェニルアルキル、炭素数 8~12の フェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ:を示し

R<sup>4</sup>は、水素原子:ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖 または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル 25 ファニル; あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換 アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン 化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択

される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシ、フェニル、フ ェニルスルファニル、フェニルイミノ、炭素数7~12のフェニルアルキル、 炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキ 5 ルオキシ:を示し、

 $R^{5}$ は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキル:あるいはハロゲン化アルキル;を示し、

R°は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスル
10 ファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数8~12の

フェニルアルケニルまたは炭素数 7~12 のフェニルアルキルオキシ;を示し

R<sup>®</sup>は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;炭素数1~7の直鎖または分岐のアルキル;ハロゲン化アルキル;アルキルオキシ;アルキルスルファニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン化アルキル、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル大キシ、フェニル、フェニルスルファニル、炭素数7~12のフェニルアルキル、炭素数8~12のフェニルアルケニルまたは炭素数7~12のフェニルアルキルオキシ;を示し

 $R^{s}$ は、水素原子;ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アルキルスルプァニル;あるいは、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、ハロゲン化アルキルおよびアルキルオキシからなる群から選択される $1\sim3$ 個の置換基を有していてもよい、炭素数 $1\sim7$ の直鎖または分岐のアルキルまたは炭素数 $1\sim7$ の直鎖また

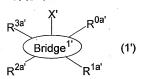
5 たは分岐のアルキルオキシを示し、

但し、R<sup>2</sup>とR<sup>4</sup>、R<sup>3</sup>とR<sup>6</sup>、R<sup>6</sup>とR<sup>7</sup>、およびR<sup>7</sup>とR<sup>8</sup>はそれぞれ繋がって、独立に、ハロゲン原子;シアノ;ヒドロキシ;アミノ;モノ置換アミノ;ジ 置換アミノ;ハロゲン化アルキル;アルキルスルファニル;ベンズイミダソロニル;ならびにハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルオキシおよびアルキルスルファニルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルまたは炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルオキシからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい環を形成してもよい。〕

15

3.以下の式(1')~(11')からなる群から選ばれる化合物である、NCSタンパク質に対する結合能を有する化合物またはその塩;

式(1'):



20 〔式中、Bridge<sup>1</sup> は、下記式(la')~(lj'):

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

R<sup>14</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 5 いてもよいフェニル: あるいはR<sup>44</sup> で置換されたフェニルを示し、

R<sup>2\*</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3 10 ~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、 ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリル; あるいはR<sup>ss</sup>で置換されたフェニル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリルを示し、

R³・は水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原
5 子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;
10 あるいはR⁵・で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、X'は水素原子または炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルを示し、X'は水素原子または炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルを示し、

但し、 $R^{\circ a'}$ 、 $R^{4a'}$ 、 $R^{5a'}$ および $R^{5a'}$ のいずれか1つは、式( $1\,B$ )~

15 (1 D) :

(式中、X°\*'は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択される基であり得る。]で表される化合物;

式(2'):

5 (式中、 $X^1$  は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレン、炭素数 $2\sim5$ の直鎖または分岐のアルケニレンまたは炭素数 $2\sim5$ の直鎖または分岐のアルケニレンを示し、 $X^2$  および $X^3$  はそれぞれ独立に、炭素数 $1\sim3$ の直鎖ま

たは分岐のアルキレン、炭素数2または3の直鎖または分岐のアルケニレンまたは炭素数2または3のアルキニレンを示す。) からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

R1b は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、
5 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよいフェニル;あるいはR4b で置換されたフェニルを示し、
R2b は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる

- 10 群から選択される  $1 \sim 3$  個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数  $3 \sim 7$  のシクロアルキル、炭素数  $3 \sim 7$  のシクロアルキル、炭素数  $3 \sim 7$  のシクロアルキル、ベンゾチエニルまたはベンソフリル; あるいは  $3 \sim 7$  で置換されたフェニル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリルを示し、
- 15 R³b′は水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、
- 20 ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル; あるいは $R^{6b}$  で置換された炭素数 $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数 $3\sim7$  のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、但し、 $R^{4b}$ 、 $R^{5b}$  および $R^{6b}$  のいずれか1つは、式(2 B) $\sim$  (2 D)

(式中、 $X^{ob'}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。〕で表される化合物;式(3'):

[式中、Bridge<sup>3'</sup>は、下記式 (3a') ~ (3f')

(式中、 $X^4$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示し、 $R^{7\circ}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキルを示す。)からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

5 R<sup>10</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよいフェニル;あるいはR<sup>40</sup> で置換されたフェニルを示し、R<sup>20</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、アミノ、モノ置換ア ミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリル;あるいはR<sup>50</sup> で置換されたフェニル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニ15 ルまたはベンソフリルを示し、

R<sup>3°</sup> は水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキラが、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピロリジニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;あるいはR<sup>6°</sup> で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピロリジニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニル

但し、 $R^{0e'}$ 、 $R^{4e'}$ 、 $R^{6e'}$ 、 $R^{6e'}$  および $R^{7e'}$  のいずれか1つは、式(3B)  $\sim$  (3D) :

(式中、X°°'は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)から15 なる群から選択される基であり得る。]で表される化合物;式(4');

10 またはモルフォリニルを示し、

[式中、R<sup>14</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよいフェニル;あるいはR<sup>44</sup> で置換されたフェニルを示し、R<sup>24</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の 直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよびR<sup>54</sup> からなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル

R<sup>4d</sup>' は式 (d1'):

10 を示し、

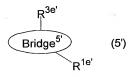
(式中、 $X^{5}$ ) は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) で表される基であ り得、

15 R<sup>5 d'</sup>は、4 — ヒドロキシフェニルを示し、

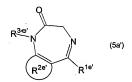
但し、R<sup>4d</sup> およびR<sup>5d</sup> のいずれか1つは、式(4B)~(4D):

(式中、 $X^{\circ a}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。) で表される化合物;

式 (5'):



[式中、Bridge<sup>5</sup>は、下記式 (5a'):



5 (式中、R<sup>2</sup>・は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、ベンゼン、炭素数3~7のシクロアルカン、イミダソール、ピフェニル、チオフェン、ベンゾチオフェンまたはベンゾフラン;あるい10 はR<sup>5</sup>・で置換されたベンゼン、イミダソール、ピフェニル、チオフェン、ベンゾチオフェンまたはベンソフランを示す。)で表されるブリッジ構造を示し

R<sup>1 •</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒ ドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 15 いてもよいフェニル:あるいはR<sup>1 •</sup> で置換されたフェニルを示し、

R3°' は水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1

~3個の置換基を有していてもよい、炭素数 1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数 3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;あるいはR<sup>6°</sup> で置換された炭素数 1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭 5 素数 3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、但し、R<sup>3°°</sup>、R<sup>4°°</sup>、R<sup>5°°</sup> およびR<sup>5°°</sup> のいずれか 1 つは、式(5 B)~(5 D):

10 (式中、X<sup>0</sup>\* は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択される基であり得る。] で表される化合物;

式 (6'):

〔式中、Bridge 6'は、下記式 (6a') ~ (6g'):

(式中、 $X^{9}$ 'および $X^{9}$ 'はそれぞれ独立に、炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示し、 $X^{7}$ 、 $X^{8}$ 、 $X^{10}$ 'および $X^{11}$ 'はそれぞれ独立に、

5 炭素数1~3の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

R<sup>11</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよいフェニル: あるいはR<sup>41</sup> で置換されたフェニルを示し、

10 R<sup>21</sup> は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3 ~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、 イミダソリル、 ピフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリル; 式 (f1'):

$$\begin{array}{c|c} & & & \\ & & & \\ & & & \\ & & & \\ & & & \\ & & & \\ & &$$

で表される甚;あるいは $R^{51}$ で置換されたフェニル、イミダソリル、ピフェ 5 ニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリルを示し、 但し、 $R^{41}$  および $R^{51}$  のいずれか1つは、式(6 B)  $\sim$  **(**6 D):

(式中、Xº1'は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。] で表される化合物;

### 10 式(7'):

〔式中、Bridge"は、下記式 (7a'):

(式中、 $X^{12}$ ・は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) で表されるブリッジ構造を示し、

 $R^{1\,\epsilon'}$  は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 5 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよいフェニル; あるいは $R^{4\,\epsilon'}$  で置換されたフェニルを示し、

 $R^{2\epsilon'}$  は炭素数  $1\sim9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル およびハロゲン化メチルからなる群から選択される  $1\sim3$  個の置換基を有して 10 いてもよい 2 価のピリダジニル; あるいは $R^{5\epsilon'}$  で置換された 2 価のピリダジニルを示し、

R\*\* は水素原子; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1

- 15 ~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペリジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル;あるいはR\*\*で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラ
- 20 ジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、 但し、 $R^{3\epsilon'}$ 、 $R^{4\epsilon'}$ 、 $R^{5\epsilon'}$  および $R^{5\epsilon'}$  のいずれか1つは、式(7B)~ (7D):

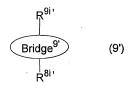
(式中、 $X^{\circ \bullet}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。」で表される化合物;

下記式 (8a') ~ (8j'):

またはモルフォリニルを示し、

(8d') (8e')(8f)(8g') (8h') (8i') (8i)(8a') (8b') (8c') 「式中、X13 は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示し、 R³h'は水素原子:ヒドロキシを有していてもよい炭素数1~9の直鎖または 分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、 モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチ 10 ルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1 ~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル 、ビフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダゾリル、ベンズイミダゾ ロニルまたはモルフォリニル:あるいは $R^{6h'}$ で置換された炭素数 $1\sim 5$ の直 鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフ 15 ェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダゾリル、ベンズイミダゾロニル R<sup>7h</sup> は水栗原子; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、 置換アミノ、 置換イミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される 1~3個の置換基を有していてもよい、フェノチアジニル、フェナジニル、ジ 5 ヒドロフェナジニル、チオキサンセニル、ジベンソオキザゼピニル、フェノキサジニル、アクリジニル、キサンテニル、チアントレニルまたはフェノキサチイニル; あるいはR<sup>5h</sup> で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のア ルキル甚、炭素数3~7のフェノチアジニル、フェナジニル、ジヒドロフェナジニル、チオキサンセニル、ジベンソオキザゼピニル、フェノキサジニル、アクリ ジニル、キサンテニル、チアントレニルまたはフェノキサチイニルを示し、 (8 L)、R<sup>5h</sup> およびR<sup>6h</sup> のいずれか1つは、式(8 B)~(8 D)

(式中、 $X^{\circ h'}$  は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) から 15 なる群から選択される基であり得る。〕からなる群から選ばれる化合物; 式 (9')):



〔式中、Bridge 9'は、記式 (9a') および (9b'):

(3a,) (3p,)
$$K_{g_{i}}, \bigcup_{M} K_{g_{i}}, \bigcup_{M} K_{g_{i}}, \bigcup_{M} K_{g_{i}}$$

からなる群から選択されるプリッジ構造を示し、

# 5 R<sup>8 i'</sup>は式(i 1'):

で表される基を示し、

R<sup>91</sup> は水素原子; 炭素数 1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原 子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アルコキシカルボニルオキシ、アミノ、 10 モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチ ルからなる群から選択される 1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数 1 ~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数 3~7のシクロアルキル、フェニル 、ビフェニル、ビベリジニル、ビベラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソ ロニル、モルフォリニル; あるいはR<sup>61</sup> で置換された炭素数 1~5の直鎖ま たは分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、 ピウェニ ル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダゾリル、ベンズイミダゾロニルまた はモルフォリニルを示し、

但し、R<sup>61</sup> およびR<sup>81</sup> のいずれが1つは、式(9B)~(9D):

 $(式中、<math>X^{0+}$  は炭素数 $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。〕で表される化合物;

#### 式 (10'):

O 〔式中、Bridge 10'は、下記式 (10a') および (10b'):

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

$$\begin{array}{c|c} & & \\ & &$$

で表される基を示し、 R<sup>11 j'</sup>は、式 (j 2')

5

(式中、X<sup>14</sup> はイソプロピル、イソプチル、secーブチルまたはベンジルを示す。) で表される基; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される10 れる1~3 個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル; あるいはR<sup>81</sup> で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、15 ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、

但し、R<sup>61</sup> およびR<sup>11</sup> のいずれか1つは、式 (10B) ~ (10D):

(式中、 $X^{0}$ )' は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択される基であり得る。)で表される化合物;および式(11'):

[式中、R <sup>12k'</sup>は、式 (lla') および (llb'):

からなる群 から選択される基を示し、

R<sup>13</sup> \* は、水素原子;炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲ 10 ン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換ア ミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択され る1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のア ルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニ ル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル; あるいはR <sup>6 k</sup> で置換された炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル基、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニル、ピペリジニルを示し、イミダソリル、ペンズイミダソロニルまたはモルフォリニルを示し、

但し、R 6 k' およびR 13 k' のいずれか1つは、式(11B)~(11D):

(式中、Xº \* iは炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)からなる群から選択される基であり得る。)で表される化合物。

10

15

4. 以下の式(1) ~ (11) からなる群から選ばれる化合物またはその医薬として許容される塩を有効成分として含有することを特徴とする、認知症の治療または予防薬:

$$\begin{array}{ccc}
 & X \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\
 & & \\$$

[式中、Bridge1は、下記式 (la) ~ (lj):

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

R<sup>1</sup>\*は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 5 いてもよいフェニルを示し、

 $R^{2*}$ は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ 置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよい、フェニル、

10 炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダ

ゾリル、ビフェニル、チェニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル;を示し

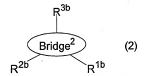
R3・は水素原子; 炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ

5 、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖 または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダゾリル、ベンズイミダゾロニルまた はモルフォリニル;

10 Xは水素原子または炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキルを示す。〕で表される化合物:

# 式(2):

を示し、



[式中、Bridge<sup>2</sup>は、下記式 (2a) ~ (2r):

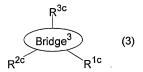
(式中、X¹は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレン、炭素数2~5の 直鎖または分岐のアルケニレンまたは炭素数2~5の直鎖または分岐のアルキ 5 ニレンを示し、X²およびX³はそれぞれ独立に、炭素数1~3の直鎖または 分岐のアルキレン、炭素数2または3の直鎖または分岐のアルケニレンまたは 炭素数2または3のアルキニレンを示す。) からなる群から選択され るブリッ ジ構造を示し、

 $R^{16}$ は炭素数 $1\sim9$ の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、10 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される $1\sim3$ 個の置換基を有していてもよいフェニルを示し、

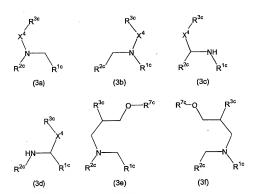
R<sup>2b</sup>は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の 直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モ ノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチル からなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、 5 炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダ ソリル、ビフェニル、チエニル、ベンソチエニルまたはベンソフリル;を示し

R<sup>36</sup>は水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置10 換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォリニル:を示す。〕で表される化合物;

#### 15 式(3):



[式中、Bridge<sup>3</sup>は、下記式 (3a) ~ (3f):



(式中、 $X^4$ は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキレンを示し、 $R^{7e}$ は炭素数  $1\sim5$  の直鎖または分岐のアルキル基を示す。)からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、

5  $R^{1\circ}$  は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよいフェニルを示し、

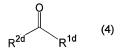
 $R^{2c}$ は炭素数 $1\sim9$ の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数 $1\sim9$ の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モ

- 10 ノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダソリル、ビフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル;を示し
- 15 R<sup>3</sup>·は水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置

接アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピロリジニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニル

5 またはモルフォリニル;を示す。〕で表される化合物;

式(4):

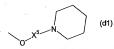


[式中、 $R^{14}$ は炭素数  $1\sim9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim3$  個の置換基 10 を有していてもよいフェニルを示し、

R<sup>24</sup>は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;あるいは炭素数1~9の 直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モ ノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル、ハロゲン化メチルおよ びR<sup>24</sup>からなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フ

15 エニル、炭素数3~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル 、イミダゾリル、ピフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル を示し。

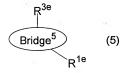
R<sup>44</sup>は、式(d1):



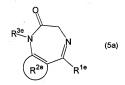
20 (式中、X<sup>5</sup>は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。)で表される基を示し、

R54は4-ヒドロキシフェニルを示す。〕で表される化合物;

式(5):



[式中、Bridge<sup>5</sup>は、下記式 (5a) :



- 5 (式中、R<sup>2</sup>では炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、ベンゼン、炭素数3~7のシクロアルカン、イミダゾール、ビフェニル、チオフェン、ベンゾチオフェンまたはベンゾフランを示す。
- 10 ) で表されるブリッジ構造を示し、

 $R^{1*}$ は炭素数  $1\sim 9$  の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される  $1\sim 3$  個の置換基を有していてもよいフェニルを示し、

R3°は水素原子:あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハ

15 ロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置 換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択 される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐 のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリ ジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフォ リニル;を示す。〕で表される化合物;

式(6):

(式中、X<sup>6</sup>およびX<sup>8</sup>はそれぞれ独立に、炭素数1~5の直鎖または分岐の アルキレンを示し、X<sup>7</sup>、X<sup>8</sup>、X<sup>10</sup>およびX<sup>11</sup>はそれぞれ独立に、炭素数1 10 ~3の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) からなる群から選択されるプリ ッジ構造を示し、

R<sup>11</sup>は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シア<sup>ノ</sup>、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して いてもよいフェニルを示し、

R<sup>21</sup>は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル;炭素数1~9の直鎖また 5 は分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換ア ミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる 群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェニル、炭素数3 ~7のシクロアルキル、炭素数7~11のフェニルアルキル、イミダゾリル、 ピフェニル、チエニル、ベンゾチエニルまたはベンゾフリル;あるいは式(f

10 1):

で表される基;を示す。〕で表される化合物;

式(7):

$$\begin{array}{c}
\mathbb{R}^{3g} \\
\mathbb{R}^{1g}
\end{array}$$

$$\begin{array}{c}
\mathbb{R}^{2g} \mathbb{R}^{1g}
\end{array}$$
(7)

15 〔式中、Bridge 7は、下記式 (7a):

$$R^{3g}$$
 $X^{12}$ 
 $R^{2g}$ 
 $R^{1g}$ 

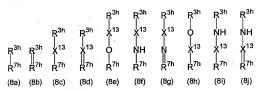
(式中、X<sup>12</sup>は炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキレンを示す。) で表 されるブリッジ構造を示し、

R<sup>1</sup>\*は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシおよびアミノからなる群から選択される1~3個の置換基を有して 5 いてもよいフェニルを示し、

R<sup>2</sup>は炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル、ハロゲン原子、シアノ、 ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニル およびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有して いてもよい2価のピリダジニルを示し、

10 R®は水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダゾロニルまたはモルフォリニルを示す。〕で表される化合物;

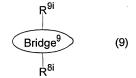
下記式 (8a) ~ (8j) ;



[式中、 $X^{13}$ は炭素数 $1\sim5$ の直鎖または分岐のアルキレンを示し、

20 R³hは水素原子;あるいはヒドロキシを有していてもよい炭素数1~9の直 鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、 アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲ ン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、 炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、 フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズ イミダソロニルまたはモルフォリニル;を示し、

- 5 R<sup>1</sup>トは水薬原子:あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、 置換イミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、フェノチアジニル、フェナジニル、ジヒドロフェナジニル、チオキサンセニル、ジベンゾオキザゼビニル、 10 フェノキサジニル、アクリジニル、キサンテニル、チアントレニルまたはフェ
- 10 フェノキサジニル、アクリジニル、キサンテニル、チアントレニルまたはフェノキサチイニル;を示す。〕からなる群から選ばれる化合物; 式(9):



15

[式中、Bridge <sup>®</sup>は、記式 (9a) および (9b) :

$$R^{gi} \xrightarrow{O} R^{gi} \qquad R^{gi} \xrightarrow{O} R^{gi}$$

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、 R<sup>81</sup>は式(i1):

で表される基を示し、

R<sup>9</sup> は水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アルコキシカルボニルオキシ、
5 アミノ、モノ置換アミノ、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ピフェニル、ピペリジニル、ピペラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニル、モルフォリニル;を示す。〕で表される化合物;

## 10 式(10):

[式中、Bridge 10は、記式 (10a) および (10b):

$$R^{10j}$$
  $H$   $R^{11j}$   $R^{10j}$   $H$   $R^{11j}$   $R^{11j$ 

からなる群から選択されるブリッジ構造を示し、 $R^{10}$ は、式(j1):

$$\begin{array}{c|c} & & \\ & &$$

で表される基を示し、

5 R<sup>1,1</sup>は、式(j2)

(式中、X14はイソプロピル、イソプチル、secーブチルまたはベンジルを示す。) で表される基;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル基、ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキシ、アミノ、モノ置換アミノ
10 、ジ置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ビベリジニル、ビベラジニル、イミダソリル、ベンズイミダンロニルまたはモルフォリニル;を示す。) で表される化合物;および

15 式(11):

$$\begin{array}{ccc}
R^{13k} \\
& (11)
\end{array}$$

「式中、R12kは、式 (11a) および (11b):

からなる群から選択される基を示し、

- 5 R<sup>13</sup>\*は、水素原子;あるいは炭素数1~9の直鎖または分岐のアルキル上基、 ハロゲン原子、シアノ、ヒドロキシ、メトキン、アミノ、モノ置換アミノ、ジ 置換アミノ、アルキルスルファニルおよびハロゲン化メチルからなる群から選 択される1~3個の置換基を有していてもよい、炭素数1~5の直鎖または分 岐のアルキル、炭素数3~7のシクロアルキル、フェニル、ビフェニル、ビベ 10 リジニル、ビベラジニル、イミダソリル、ベンズイミダソロニルまたはモルフ ォリニル:を示す。〕で表される化合物。
  - 5. 被験物質がNCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節し得る か否か を評価することを含む、薬物のスクリーニング方法。

15

6. 薬物が中枢神経作用、認知症作用またはアルツハイマー病作用の調 節薬で ある、請求の節用 5 に記載の方法。

- 7. 薬物がNCSタンパク質標的薬物に関連する作用を調節し得る物質である 結束の範囲 5 に記載の方法。
- 8. NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン遺伝子である、請求の範囲 5 に記載の方法。
  - 9. NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン δ 遺伝子である、請求の範 用 5 に記載の方法。
- 10 10. 以下の工程(a)~(c)を含む、請求の範囲5に記載の方法:
  - (a) 被験物質をNCSタンパク質またはその変異タンパク質に接触させる工程;
- (b) 被験物質の存在下における該タンパク質またはその変異タンパク質の機能レベルを測定し、該機能レベルを被験物質の非存在下における該タンパク質15 またはその変異タンパク質の機能レベルと比較する工程;
  - (c) 上記(b) の比較結果に基づいて、該タンパク質またはその変異タンパク質の機能レベルの変化をもたらす被験物質を選択する工程。
- 11. 下記の工程 (a)、 (b) 及び (c) を含む、請求の範囲 5 に記載の方 20 法:
  - (a) 被験物質とNCSタンパク質またはそれをコードする遺伝子の発現を測 定可能な細胞とを接触させる工程:
  - (b) 被験物質を接触させた細胞における該タンパク質または該遺伝子の発現 量を測定し、該発現量を被験物質を接触させない対照細胞における該タンパク
- 25 質または該遺伝子の発現量と比較する工程;
  - (c) 上記(b) の比較結果に基づいて、該タンパク質または該遺伝子の発現 最を調節する被験物質を選択する工程。

- 12. 下記の工程 (a)、 (b) 及び (c) を含む、請求の範囲 5 に記載の方 法・
- (a) 被験物質をNCSタンパク質またはその変異タンパク質に接触させるエ 5 程:
  - (b) 被験物質の該タンパク質に対する結合能を測定する工程;
  - (c) 上記(b) の結果に基づいて、該タンパク質に対する結合能を有する被 験物質を選択する工程。
- 10 13. 下記の工程 (a)、 (b) 及び (c) を含む、請求の範囲 5 に記載の方 法:
  - (a) 被験物質、NCSタンパク質結合性物質をNCSタンパク質またはその 変異タンパク質に接触させる工程:
- (b) 被験物質の存在下におけるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質 15 に対する結合量を測定し、該結合量を被験物質の非存在下におけるNCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量と比較する工程;
  - (c) 上記(b) の比較結果に基づいて、NCSタンパク質結合性物質の該タンパク質に対する結合量の変化をもたらす被験物質を選択する工程。
- 20 14. NCSタンパク質結合性物質が、アトルバスタチン、ビモジド、ピフォ ナゾール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベブリジル、塩酸 ラロキシフェン、ベンズブロマロン、プラゼバム、クロチアゼパム、スロクチ ジル、ベンゼトニウム、ピカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフ ロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルペンチキソール、ク 25 ロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒ
- 25 ロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンコピン、メシル酸シヒ ドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローα-エルゴクリプチン、メシル酸ジ

15に記載の方法。

ヒドローβ-エルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリスチン、メタノ ゾロール、またはそれらの誘導体である、請求の範囲13に記載の方法。

- 15. 被験物質がNCSまたはその変異タンパク質に対するNCSタンパク質5 標的薬物の結合能を調節し得るか否かを評価することを含む、NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調節し得る物質のスクリーニング方法。
- 16. NCSタンパク質標的薬物が、アトルバスタチン、ピモジド、ピフォナソール、フルナリジン、フェンジリン、クロベラスチン、ベブリジル、塩酸ラ
   10 ロキシフェン、ベンズブロマロン、プラゼバム、クロチアゼバム、スロクチジル、ベンゼトニウム、ピカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルベンチキソール、クロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロール、あるいはNCSに結合能を有するそれらの誘導体である、請求の範囲
  - 17. 以下の工程 (a) ~ (c) を含む、請求の範囲15に記載の方法:
- 20 (a) 被験物質、NCSタンパク質標的薬物をNCSまたはその変異タンパク 質に接触させる工程;
  - (b) 被験物質の存在下におけるNCSタンパク質標的薬物の該タンパク質に 対する結合量を測定し、該結合量を被験物質の非存在下におけるNCSタンパ ク質標的薬物の該タンパク質に対する結合量と比較する工程;
- 25 (c)上記(b)の比較結果に基づいて、NCSタンパク質標的薬物の該タンパク質に対する結合量の変化をもたらす被験物質を選択する工程。

- 18. 請求の範囲5~17のいずれかに記載の方法により得られる物質。
- 19. 請求の範囲 5~17のいずれかに記載の方法により得られる物質を含有 してなる、薬理作用の調節剤。

- 20. NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節する物質を含有してなる、薬理作用の調節剤。
- 21. 薬理作用が抗中枢神経疾患作用、抗認知症作用または抗アルツハイマー 10 病作用である、請求の範囲20に記載の剤。
  - 22. NCSタンパク質標的薬物に関連する作用の調節剤である、請求の範囲 20に記載の剤。
- 15 23. NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン遺伝子である、請求の範囲 20に記載の剤。
  - 24. NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン δ 遺伝子である、請求の 節用20に記載の剤。

20

- 25. NCSタンパク質遺伝子の発現または機能を調節する物質が、以下 (i)、(ii)のいずれかであるNCSタンパク質遺伝子の発現または機能 を抑制する物質である、請求の範囲20に記載の剤:
- (i) NCSアンチセンス核酸、NCSリボザイム、NCSデコイ核酸、NC 25 SsiRNA、NCS抗体をコードする核酸、NCSドミナントネガティブ変 異タンパク質をコードする核酸からなる群より選ばれる核酸、または当該核酸 を含か発現ベクター:あるいは

(ii) NCS抗体、NCSドミナントネガティブ変異タンパク質からなる群 より選ばれる蛋白質。

26. NCSタンパク質、又はNCSタンパク質をコードする核酸を含む発現 5 ベクターを含有してなる、薬理作用の調節剤。

27. NCSタンパク質標的薬物を含有してなる、NCSタンパク 質遺伝子に 関連する機能の調節剤。

- 10 28.NCSタンパク質標的薬物が、アトルバスタチン、ビモジド、ビフォナ ソール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベプリジル、塩酸ラ ロキシフェン、ベンズプロマロン、ブラゼパム、クロチアゼパム、スロクチジ ル、ベンゼトニウム、ピカルタミド、ベンズチアジド、ミナプリン、トリフロ オペラジン、クロルプロチキセン、ピメチキセン、フルペンチキソール、クロ 15 ファジミン、ロキサビン、レスシンナミン、シロシンゴビン、メシル酸ジヒド
- 15 ファジミン、ロキサビン、レスシンナミン、シロシンゴビン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドロー αーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリスチン、スタノソロール、あるいはNCSに結合能を有するそれらの誘導体である、請求の範囲27に記載の剤。

20

- 29. NCSタンパク質遺伝子の機能を調節し得るように薬物を誘導体化する ことを含む、薬物誘導体の製造方法。
- 30. 薬物が抗中枢神経疾患作用、抗認知症作用または抗アルツハイマー病作 25 用を有するスタチン系薬物である、請求の範囲29に記載の方法。

31. 薬物が、アトルバスタチン、ビモジド、ビフォナソール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ベブリジル、塩酸ラロキシフェン、ベンズブロマロン、プラゼバム、クロチアゼバム、スロクチジル、ベンゼトニウム、ビカルタミド、ベンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルプロ5 チキセン、ビメチキセン、フルペンチキソール、クロファジミン、ロキサビン、レスシンナミン、シロシンゴビン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローαーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドローβーエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリプチン、メシル酸ジヒドロエルゴクリスチンまたはスタノソロールである、請求の範囲29に記載の方法。

10

- 32. NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン遺伝子である、請求の範囲 29に記載の方法。
- 33. NCSタンパク質遺伝子がニューロカルシン δ 遺伝子である、請求の15 範囲 29 に記載の方法。
  - 34. NCSまたはその変異タンパク質に対する結合能を関節し得るように薬 物を誘導体化することを含む、NCSタンパク質遺伝子に関連する機能を調節 し得る物質の誘導体の製造方法。

20

3 5. 薬物が、アトルバスタチン、ピモジド、ピフォナゾール、フルナリジン、フェンジリン、クロペラスチン、ペプリジル、塩酸ラロキシフェン、ペンズブロマロン、プラゼパム、クロチアゼパム、スロクチジル、ペンゼトニウム、ピカルタミド、ペンズチアジド、ミナブリン、トリフロオペラジン、クロルプロ25 チキセン、ピメチキセン、フルペンチキソール、クロファジミン、ロキサピン、レスシンナミン、シロシンゴピン、メシル酸ジヒドロエルゴコルニン、メシル酸ジヒドローα-エルゴクリプチ

ン、メシル酸ジヒドロエルゴクリスチン、スタノソロール、あるいはN C S に 結合能を有するそれらの誘導体である、請求の範囲34に記載の方法。

36.請求の範囲29~35のいずれかに記載の方法により得られる物質。

5

- 37. 請求の範囲29~35のいずれかに記載の方法により得られる物質を含 有してなる、薬理作用の調節剤。
- 38. 薬物とNCSまたはその変異タンパク質とを含む複合体。

10

- 39. 薬物とNCSまたはその変異タンパク質とを接触させることを含む、薬物とNCSまたはその変異タンパク質とを含む複合体の製造方法。
- 40. 以下(i)、(ii)を含む、キット:
- 15 (i) 薬物またはその塩;
  - (ii) NCSタンパク質またはその変異タンパク質、該タンパク質をコード する核酸、該核酸を含む発現ベクターまたはNCSタンパク質遺伝子の発現を 測定可能な細胞。

# 図 1

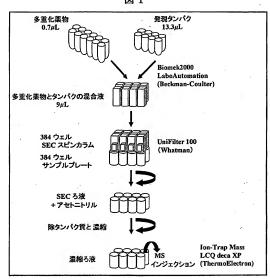
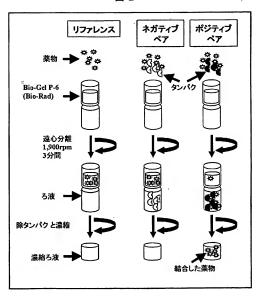


図 2



### SEQUENCE LISTING

<120> target proteins and target genes for creating drugs, and screening

(110) Reverse Proteomics Research Institute Co., Ltd.

⟨130⟩ 09815

methods

- <150> JP 2004-304864
- <151> 2004-10-19
- <160> 2
- <170> PatentIn version 3.2
- <210> 1
- (211) 3667
- <212> DNA
- <213> Homo sapiens
- <400> 1

agacgctggg agcggccgag gcgagatcct atcattattt taaaattcct cctcctccac

120

60

gaagteette etgatteett caa agaaata teacteetee gaatteecag agtgatttet

tetgaettga	gcctgcagtg	t gctgtgaga	gatctaccac	tagattatct	caactttggt	180
ctcctgggac	cactcgttgc	t gacagtcag	aaattgcagg	gcatctgatc	tcctggtgtt	240
aaaatetgte	gtgataccga	ggaaggecec	gagateccag	gcactgagtg	actgcatact	300
ctgaattctt	geegeeagga	t ggggaaada	gaacagcaag	ctgcgcccgg	aggtcatgca	360
ggacttgctg	gaaagcacag	actttacaga	gcatgagatc	caggaatggt	ataaaggctt	420
cttgagagac	tgccccagtg	gacatttgtc	aatggaagag	tttaagaaaa	tatatgggaa	480
ctttttccct	tatggggatg	c ttccaaatt	tgcagagcat	gtcttccgca	ccttcgatgc	540
aaatggagat	gggacaatag	actttagaga	attcatcatc	gccttgagtg	taacttcgag	600
ggggaagctg	gagcagaagc	t gaaatgggc	cttcagcatg	tacgacctgg	acggaaatgg	660
ctatatcagc	aaggcagaga	t gctagagat	cgtgcaggca	atctataaga	tggtttcctc	720
tgtaatgaaa	atgcctgaag	atgagtcaac	cccagagaaa	agaacagaaa	agatetteeg	780
ccagatggac	accaatagag	acggaaaact	ctccctggaa	gagttcatcc	gaggagccaa	840
aagegaeeeg	tccattgtgc	gcctcctgca	gtgcgacccg	agcagtgccg	gccagttctg	900

PCT/JP2005/019645

agecetgege ccaccaateg aattgtagag etgettgtgt tecettttga ttettetttt taacaatttt ttttttttt tgccaaacaa tatcaatggt gatgccgtcc cctgtgcggt 1020 ctgatgcgcc ttcctccgtg acgccttcag cttcttttgt cgtggatgct tcgtgggaat 1080 gcccagagcc ccagtgtgct tgtggagagc atggacagac ttcgtggtgt tcattgtttg 1140 atgattttta atcgttacta ttatttttt ttattctaat gtctctgttc taaaacgtaa 1200 1260 gactoggggg ttggggcaaa agaagggaaa cocatocagt cotgtgatto tattgcaago ctcaaggggc ttttgtttga aagacaaaac tccccacctg aatctgttgt cacacgtgcc 1320 gtaggggtga tggatggcac cggatgctgg attccccaag aacaagttac cctctggggt 1380 gaggetatte cagegagetg ggacatttee ceatggggge coacteeet etetteecea 1440 1500 gcaggctgta gtttctaagc tgtgaacatt tcaagataaa ttaacagagg agaggaaaaa 1560 gatggctcag ctattttttc acaggtttac actagttgag ctaatatgcg tgtctttgga aattaaacac aaatggtaac atattccaaa accagaccca tcttgttgcc tattgtgata 1620 aaataaaaag acggctgtat ataacatatt gggtaatgca gaccaaatta agtgttttgc

cttgtttaaa	tgaaatgcat	gtttagtgag	cactaataca	atcttattcc	agaagact gt	1740
ttttagtagc	ttattgtgaa	gtaagacaac	tataatgaat	gtctgtcttg	tttggaag tc	1800
atatctgtct	ttgcacaaat	gtaccaatcg	acaagtatat	tttatatatt	ccataaaaaat	1860
acaaagtaac	cctgactagg	gcccaacttt	aatittgaat	gcatttccag	agtggccatg	1920
cctagagggc	agatgcagag	caggtggtag	tgggacagga	caattggagc	acaggaatgt	1980
taacatgtat	gacaggggac	cagtagggtg	gtttccctct	caggcccagc	agcccatt ga	2040
cagcattaga	ctggcggcat	ggtgcttttc	tgagcagatc	aatactctgc	agactega.aa	2100
aaacatcaca	tacattcttg	gaacttccca	gtggtttaat	ctatgtgcat	ggttagggag	2160
ccaggtctgg	aatattcagt	ttccctgccc	ctgttaaaga	atcagaggtt	gggcagtcat	2220
caaattcatc	atasagacat	gggcaagtgt	gtctgtggtt	tccaaggccc	ccctatggag	2280
aatccaaaag	tattttccat	tgccgtgctc	tttgaatgca	gacttctatt	tccagaagtg	2340
acagcacaag	tctgagttgc	tgtttggtct	ggtgacctca	gacacactaa	tttgaattga	2400
aagctaagag	taaaaatttg	ctggttacag	gcgagtcata	ctcttgcaag	tagttagcaa	2460

agggaggccc	aaattctcaa	ggttgttgat	ggggaacttg	ccactaagag	aaggcagaga	2520
ggtccctagt	gggtatattt	gctgccaagc	cacttgccaa	agaagaggaa	ccacagaaag	2580
agagacatca	tgaccaggag	aaaaatgtga	ctagacatgc	taacctccag	gtttttatat	2640
atgacttgag	tctgctgtaa	ttggcagcag	aaatccaaat	ttgtatggta	gaccaaaaag	2700
aaccaaatcc	atagggtgaa	attttgagac	ctagactctg	taaaaataat	cctagtcttc	2760
ctccaggggt	cagttcctca	cagtggttct	gtaccaaaac	ttgccaaatt	cctccatggc	2820
caagtgttaa	aatctgtgtt	tggaaaatag	cgaattaacc	taagacacag	aaggcagact	2880
gggtgaggag	acctagcatg	ccctattggc	agtgctcagg	agctgcatcc	cacttttccc	2940
tgctctgaat	cgaagtccta	gttccttcct	ttgattctcc	tttggtaggt	ggaatcagtt	3000
aatgttttga	gaaacctgcc	tgggctctgc	ccttagtcat	gacatetege	tgagccagac	3060
ccactctgtt	ccttggaacc	tagagctgga	gtgaggagta	gaggteteeg	gctattccag	3120
aaagaaaagt	gagccacatg	caggctgatg	aatgccgaca	cttccagaat	gtatagaaat	3180
agtccctgtc	ctggcctgcc	actgaccctg	tctgtatttt	ctcggaggtt	gtttttctcc	3240

WO 2006/043710 PCT/JP2005/019645

6/13

ttctccttcc caggaaggtc tttgtatgtc gaatccagtg cactcaagtt tggccaaggg	3300
actecacage acceagaaga ctgcatgect caaggtttat gtcactcctc tgctgggctg	3360
ttcattgtca ttgctgtgtt cagggacctt tggaaataaa acctgttctg tcccaaataa	3420
aaccagcctg tgatgttcaa gggactggaa taaagtggct tacgacctga aggattctac	3480
agagtgctca actgttcata catcattcag agtgggaggg agctgggggt gctgtcccat	3540
. cccatctgta tgcccacggt ggatttaata atatataatt tataaatcat agcctatgga	3600
gtggcccgta aatcagttga ctgtgtagct cttgcctggc attaaagcat gtttttggtt	3660
taacatg	3667

⟨210⟩ 2

(211) 193

<212> PRT

(213) Homo sapiens

⟨400⟩ 2

Met Gly Lys Gln Asn Ser Lys Leu Arg Pro Glu Val Met Gln Asp Leu 1 . 5 10 15

Leu Glu Ser	Thr Asp	Phe	Thr	G1u	His	Glu	Ile	Gln	Glu	Trp	Tyr	Lys
	20				25					30		

Gly Phe Leu Arg Asp Cys Pro Ser Gly His Leu Ser Met Glu Glu Phe 35 40 45

Lys Lys Ile Tyr Gly Asn Phe Phe Pro Tyr Gly Asp Ala Ser Lys Phe
50 55 60

Ala Glu His Val Phe Arg Thr Phe Asp Ala Asn Gly Asp Gly Thr Ile 65 70 75 80

Asp Phe Arg Glu Phe Ile Ile Ala Leu Ser Val Thr Ser Arg Gly Lys 85 90 95

Leu Glu Gln Lys Leu Lys Trp Ala Phe Ser Met Tyr Asp Leu Asp Gly

100 105 110

Asn Gly Tyr Ile Ser Lys Ala Glu Met Leu Glu Ile Val Gln Ala Ile

115

120

125

Tyr Lys Met Val Ser Ser Val Met Lys Met Pro Glu Asp Glu Ser Thr

135

130

140

Pro Glu Lys Arg Thr Glu Lys Ile Phe Arg Gln Met Asp Thr Asn Arg

145

150

155

160

Asp Gly Lys Leu Ser Leu Glu Glu Phe Ile Arg Gly Ala Lys Ser Asp

165

170

175

Pro Ser Ile Val Arg Leu Leu Gln Cys Asp Pro Ser Ser Ala Gly Gln

180 .

185

190

Phe

⟨210⟩ 3

(211) 1926

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 3

aaaaaaagct tctgccaagg gtgggggccc acgcggaggc gatccgctcg ttcctcccag 120 ggccatgggg cgacgaggag agccctggcc tccccgcgac ccgcaccgcg acctgggcca 180 gacgcgccac cttccccggt cgcggtttgc ttctctttaa aatgaggaca gctcctccct tgggggctgt ggtgacaggt gaaatgagaa cgcactgaag acagctcttg gtccaaagcc 240 300 ccgcacacag ggcatggtct agtggcccag tcaggacgcg gaaacactcc ctggaggttc tgacccactc cctctcagcc tccgcctggt ctctgggttg gctgttccag ctccaaagag 360 aaggaggaac cttttccttc tgcagcccct ccccaccagc cccattcctt agctggggtc 420 agacctgggg tcctcactgc agctggcctc tggcagcgtt ctcaggctag ccctccctgc tgaaaagaga accgtgtggg actcacaggt gtagtcgccg ccgccagccg ccatgggcaa 540 600 acagaacagc aagctgcggc ccgaggtgct gcaggacctg cgggagaaca cggagttcac 660 cgaccacgag ctgcaggagt ggtacaaggg cttcctcaag gactgcccca ccggccacct gaccgtggac gagttcaaga agatctacgc caacttcttc ccctacggcg acgcttccaa 720

gttcgccgag	cacgtcttcc	gcaccttcga	caccaacggc	gacggcacca	tcgacttccg	780
ggagttcato	attgcgctga	gcgtgacctc	gcggggcaag	ctggagcaga	agctcaagtg	840
ggccttcago	atgtacgacc	tggacggcaa	cggctacatc	agccgcagcg	agatgctgga	900
gatcgtgcag	gccatctaca	agatggtgtc	gtctgtgatg	aagatgccgg	aggatgagtc	960
caccccggag	aagcgcacag	acaagatett	caggcagatg	gacaccaaca	atgacggcaa	1020
actgtccttg	gaagaattca	tcagaggtgc	caagagegae	ccctccatcg	teegeetget	1080
gcagtgcgac	cccagcagtg	ccagtcagtt	ctgagcgagc	ggcccctgga	cagttgcaga	1140
gaaacacagg	cttgtcgtgc	cgtttaagct	ttgcttgcaa	gagtggatgc	cccgcaatcg	1200
ttcctgctct	cccgggcccc	gggcctgggg	catgcgttgc	acctgcccgg	cccggtggct	1260
gegeeteect	cctccacctg	accaacgcga	cattectece	ctcacgcctg	gcccggtccc	1320
ttccagggca	actcccaggg	atgtggtgac	atgcagggtt	caagtgttct	tggttccagg	1380
cacctcccgg	ctcacgggga	gctcagaggt	ccatgccgag	gagaccaggc	aggacctccc	1440
gaggctgcgc	cccggccggc	ccatgcgttt	tgtgatccca	agtgactctg	tgggaagggt	1500

# aaaaaa

1926

⟨210⟩ 4

(211) 193

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 4

WQ 2006/043710 PCT/JP2005/019645

12/13

Met Gly Lys Gln Asn Ser Lys Leu Arg Pro Glu Val Leu Gln Asp Leu

1 5 10 15

Arg Glu Asn Thr Glu Phe Thr Asp His Glu Leu Gln Glu Trp Tyr Lys
20 25 30

Gly Phe Leu Lys Asp Cys Pro Thr Gly His Leu Thr Val Asp Glu Phe 35 40 45

Lys Lys Ile Tyr Ala Asn Phe Phe Pro Tyr Gly Asp Ala Ser Lys Phe 50 55 60

Ala Glu His Val Phe Arg Thr Phe Asp Thr Asn Gly Asp Gly Thr Ile 65 70 75 80

Asp Phe Arg Glu Phe Ile Ile Ala Leu Ser Val Thr Ser Arg Gly Lys 85 90 95

Leu Glu Gln Lys Leu Lys Trp Ala Phe Ser Met Tyr Asp Leu Asp Gly

· 100 105 110

### 13/13

Asn Gly Tyr Ile Ser Arg Ser Glu Met Leu Glu Ile Val Gln Ala Ile  $115 \hspace{1.5cm} 120 \hspace{1.5cm} 125$ 

Tyr Lys Met Val Ser Ser Val Met Lys Met Pro Glu Asp Glu Ser Th.r 130 135 140

Pro Glu Lys Arg Thr Asp Lys Ile Phe Arg Gln Met Asp Thr Asn Asn 145 150 155 160

Asp Gly Lys Leu Ser Leu Glu Glu Phe Ile Arg Gly Ala Lys Ser Asp  $165 \hspace{1.5cm} 170 \hspace{1.5cm} 175$ 

Pro Ser Ile Val Arg Leu Leu Gln Cys Asp Pro Ser Ser Ala Ser Gln 180 185 190

Phe

Facsimile No.
Form PCT/ISA/210 (second sheet) (April 2005)

International application No.

			PCI/UP2	005/019645
C07C211/2 (2006.01) C12N1/15	ATION OF SUBJECT MATTER 7(2006.01), C12N15/09(2006.01) , A61P25/00(2006.01), A61P25/2 (2006.01), C12N1/19(2006.01) emailoanl Patent Classification (IPC) or to both nation. ARCHED	28(2006.01),	C07K14/47(	
Minimum docur	nentation searched (classification system followed by c	Inceification exmbole)		
C07C211/2	nemarious searcheu (classification system ioniowed by e 7, A61K45/00, A61K45/00, A61P2 C12N1/19, C12N15/09		/28, C07K1	4/47,
Jitsuyo		ent that such document tsuyo Shinan Toroku Jitsuyo S	oroku Koho	he fields scarched 1996-2006 1994-2006
1001001		rona orobajo c		2001 2000
	pase consulted during the international search (name of (STN), REGISTRY (STN)	data base and, where	practicable, search	terms used)
C. DOCUME	NTS CONSIDERED TO BE RELEVANT			
Category*	Citation of document, with indication, where ap	propriate, of the relev	ant passages	Relevant to claim No.
X		an Molecular Genetics, (2004), 13(4), 1,2 es 437 to 446, Abstract, introduction		1,2
x	JP 58-55454 A (Mitsubishi Yuka Yakuhin 1,2 Kabushiki Kaisha), 01 April, 1983 (01.04.83), Full text		1,2	
	(Family: none)			·
			œ.	
× Further do	cuments are listed in the continuation of Box C.	See patent far	nily annex.	
"A" document de	gories of cited documents: fining the general state of the art which is not considered to lar relevance	"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention		
	cation or patent but published on or after the international filing	"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive		
cited to esta	which may throw doubts on priority claim(s) or which is ablish the publication date of another citation or other on (as specified)	step when the document is taken alone  "Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is		
"O" document re	ferring to an oral disclosure, use, exhibition or other means	combined with or	one or more other such d person skilled in the	ocuments, such combination
	document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed "&" document member of the same palent family			
	al completion of the international search wary, 2006 (25.01.06)	Date of mailing of the O7 Febru	ne international sea pary, 2006	
Name and mailin	ag address of the ISA/	Authorized officer		
	se Patent Office	Authorized officer		

International application No.
PCT/JP2005/019645

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.	
х	JP 55-33467 A (Continental Pharma),	1,2	
	08 March, 1980 (08.03.80),		
	Full text		
	EB 877694 A & FI 7902123 A & SE 7905992 A & DE 2927789 A & CA 1127164 A & AT 7904835 A & DE 0007902329 A & DE 0007902321 A & DE 0007903231		
	& SE 7905992 A & DE 2927789 A		
	& CA 112/164 A & AT /904835 A		
	& DK 7902937 A & NO 7902329 A		
	& GB 2025417 A & ES 482432 A		
	& FR 2438649 A & CH 644355 A		
	& NL 7905507 A & ZA 7903554 A		
	& FR 2443457 A & AT 8104430 A		
	& AT 8104431 A		
х	WO 2004/050619 A1 (GLAXO GROUP LTD.),	1,2	
	17 June, 2004 (17.06.04),		
	Page 138, E80 etc.		
	& CA 2508325 A & EP 1567488 A1		
	& BR 2003017020 & NO 2005003263 A		
х	WO 2003/072535 A2 (ELAN PHARMACEUTICALS INC.),	1,2	
	04 September, 2003 (04.09.03),	1 -/-	
	ex.326 etc.		
	6 CA 2477607 A 6 PD 1502000 A2		
	& CA 2477607 A & EP 1503980 A2 & BR 2003007998 A & JP 2005-519082 A		
	& NO 2004004046 A		
x	WO 2003/040096 A2 (ELAN PHARMACEUTICALS INC.),	1,2	
	15 May, 2003 (15.05.03),	1	
	Claims; RN=527718-05-4 etc.	1	
	& CA 2466284 A & US 2004/171881 A1 & EP 1453789 A2 & BR 2002014035 A		
	& EP 1453789 A2		
	& JP 2005-520791 A & NO 2004002359 A		
x	WO 2002/098849 A2 (ELAN PHARMACEUTICALS INC.),	1,2	
	12 December, 2002 (12.12.02),		
	Claim 14, page 323, line 3 etc.		
	& CA 2448834 A & US 2003/166717 A1 & EP 1395551 A2 & BR 2002010122 A		
	& EP 1395551 A2 & BR 2002010122 A		
	& JP 2004-535421 A	1	
x	WO 2003/041563 A2 (BE ABLE LLC),	1,2	
^	22 May, 2003 (22.05.03),		
	Claim 5 etc.	1	
	& US 2002/091145 A1 & CA 2429801 A		
	& AU 2001018105 A & EP 1347778 A1		
	& CA 2466355 A & JP 2004-525867 A	1	
	& CA 2466355 A & JP 2004-525867 A & EP 1453510 A2 & JP 2005-511615 A	1	
		131	
	9	I	
	0	1	

International application No.
PCT/JP2005/019645

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages Ro		
x	JP 2004-502669 A (Elan Pharmaceuticals, Inc.), 29 January, 2004 (29.01.04), (Claims 23; page 37, line 13 etc. & WC 2002/002512 A2 & CA 2410551 A & AU 2001073137 A & GUS 2002/128255 A1 & BR 2001012000 A & EP 1353998 A2 & E 20020716 A & NC 522899 A & EP 1586556 A2 & & NC 200206199 A	1,2	
х	WO 98/09523 A1 (MASSACHUSETTS INSTITUTE OF TECHNOLOGY), 12 March, 1998 (12.03.98), Page 13 etc. & CA 22795651 A & EP 1006798 A1	1,2	
x	WO 94/07144 Al (UNITED STATES DEPT. OF HEALTH AND HUMAN SERVICES), 31 Marth, 1994 (31.03.94), Page 14, line 15 etc. & AD 9351553 A	1,2	
х	JP 1-238524 A (Mitsui Toatsu Chemicals, Inc.), 22 September, 1989 (22.09.89), Full tox* & EP 333522 A2 & JP 2-53767 A & DF 7-20929 A & FT 8901227 A & DK 8901303 A & MO 8901191 A & AU 8931443 A & JP 2-152950 A & US 5232923 A	1,2	
		*	
	* *		
	* ,		

International application No. PCT/JP2005/019645

Box No. II Obser	vations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)
1. Claims Nos.:	eport has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:
because they re	tate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely.
Claims Nos.: 5  because they related to the control of the co	3. part indicated below the to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an
no definition in claim 3 and	neaningful international search can be carried out, specifically: is given to ROc' of formula (3') and ROa' of formula (1') shown i hence the chemical structures thereof are not clear so that
	of part relating to these compounds is unclear.
Ciannis Nos.:	e dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).
Box No. III Observ	ations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)
	ing Authority found multiple inventions in this international application, as follows:
See extra s	heet.
	·
As all required ad claims.	ditional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable
any additional fee	claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of
As only some of the only those claims	he required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers § for which fees were paid, specifically claims Nos.:
	÷
4. X No required addi	tional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is avention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:
See extra sh	eet.
Remark on Protest	The additional search fees were accompanied by the applicant's protest and, where applicable, payment of a protest fee.
	The additional search fees were accompanied by the applicant's protest but the applicable protest fee was not paid within the time limit specified in the invitation.
	No protest accompanied the payment of additional search fees.

International application No.

PCT/JP2005/019645

### Continuation of Box No.III of continuation of first sheet (2)

(A) The compounds of formulae I to VIII shown in claim 1 are publicly known compounds as recited in the description of this application. Consequently, as among these compounds there is no technical relationship involving special technical feature, claim I covers eight inventions relating to the formulae Ito VIII. Incidentally, although claim I recites "capable of binding to NCS proteins", this recitation is nothing but describing of the property of compound. The compounds having the chemical structures of formulae I to VIII correspond to the inventions of claim 1

(B) Similarly, although the compounds of formula (2') shown in claim 3 have any of 18 chemical structures of formulae (2a') to (2r'), it does not appear that among these there is a technical relationship involving special technical feature. Further, although the compounds of formula (6') shown in claim 3 have any of seven chemical structures of formulae (6a') to (6g'), it does not appear that among these there is a technical relationship involving special technical feature. Still further, it does not appear that among the compounds of ten formulae (8a') to (8j') there is a technical relationship involving special technical feature. Still further, it does not appear that among the compounds of ten formulae (2') and (4') to (11') there is a technical relationship involving special technical feature. Therefore, claim 3 involves 41 inventions.

(C) With respect to the compounds of formula (1) or (3) shown in claim 4, asset forth with respect to item a"below, the invention of corresponding claim 3 is unclear, and the inventions of these compounds, as among them and with inventions relating to compounds of other formulae shown in claim 4 there is no technical relationship involving special technical feature, constitute two inventions.

(D) The inventions of claims 5 to 37 relate to "screening method" associated with the presence or absence of regulation of NCS protein gene expression or function and the presence or absence of regulation of binding potency of NCS protein target drug with NCS or its variant protein, "substance" obtained by the screening method, "pharmacological activity regulator" containing the substance, etc.

(E) The inventions of claims 38 to 40 relate to "complex" containing a drug and an NCS or its variant protein, and "production process" therefor and "kit".

Taking into account that the NCS protein per se is publicly known, among the above invention groups (a) to (E), there is no technical relationship involving special technical feature.

Therefore, this application does not satisfy the requirement of unity of invention. Claims 1 to 40 involve 53 inventions.

This international search report has been established on the inventions of a compound, or its salt, of formula (1) shown in claim 1 and a therapeutic or preventive agent for dementia comprising the compound of the formula (1) shown in claim 2 or pharmaceutically acceptable salt thereof as an active ingredient.

関連する

#### 国際調査報告

発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))

Int.Cl. COTC211/27 (2006.01), C12N15/09 (2006.01), A61831/40 (2006.01), A61845/00 (2006.01), A61P25/00 (2006.01), A61P25/28 (2006.01), C77K14/47 (2006.01), C12N1/15 (2006.01), C12N1/19 (2006.01)

調査を行った分野

調査を行った最小限資料(国際特許分類(IPC))

Int.Cl. CO7C 211/27, A61K 31/40, A61K 45/00, A61P 25/00, A61P 25/28, CO7K 14/47, C12N 1/15, C12N 1/19,

### 最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

日本国実用新案公報

1922-1996年 1971-2006年

日本国公開実用新案公報日本国実用新案登録公報

引用文献の

1996-2006年

日本国登级実用新客公報

1994-2006年

### 国際調査で使用した電子データ ベース (データベースの名称、調査に使用した用語)

CAplus (STN), REGISTRY (STN) 関連すると認められる文献

カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連する	5ときは、その関連する箇所の表示	請求の範囲の番号	
Х	Human Molecular Genetics, (2004), 13(4), p. 437-446, Abstract, introduction 等		1, 2	
x	JP 58-55454 A (三菱油化薬品株式会社) 1983.04.01 全文 (ファミリーなし)		1, 2	
	-			
F C欄の続き	☑ C欄の続きにも文献が列挙されている。 □ パテントファミリーに関する別紙を参照。			
もの 「E」国際出際 以後に公 「L」優先権主 日若しく る文献 「O」ロ頭によ	カテゴリー (のある文献ではなく、一般的技術水準を示す (のある文献ではない、一般的技術水準を示す 目前の出題はたは特許であるが、国際出題目 選ぶ経緯を提起する文献文は他の女親の発用 (担心を付け、担心を明するために引用す (知力を円、展示等に意及するために 日前で、かつ態先権の主張の基礎となる出願	の日の後に公表された文献 「T」国際規制日又は逆先日後に公表さ 出版記入海するものではなく、発 の重新のために引用するもの 「X」等に関連のある文献であって、当 の新設性又は進歩性がないと考え り、等に関連のある文献であって、当 上の文献との、当業者にとって信 もって進歩性がないと考えされ 「&」同一パテントファミリー文献	月の原理又は理論 核文献のみで発明 られるもの 核文献と他の1以 月である組合せに	
国際調査を完了	した日 25. 01. 2006	国際調査報告の発送日 07.02	2006	
	名称及びあて先 I特許庁(ISA/JP)	特許庁審査官 (権限のある戦員) 憲永 保	4H 9159	

富永 保

電話番号 03~3581-1101 内線 3443

郵便番号100-8915

C(統き).	関連すると認められる文献	
引用文献の カテゴリー *	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
X	JP 55-33467 A(コンチネンタル・フアーマ)1980.03.08 全文 & BE 877694 A & FI 7902123 A & SE 7905992 A & DE 2927789 A & CA 1127164 A & AT 7904835 A & DK 7902937 A & NO 7902329 A & GB 2025417 A & ES 462423 A & FR 2438649 A & CH 644355 A & NL 7905507 A & ZA 7903554 A & FR 2443457 A & AT 8104430 A & AT 8104431 A	1, 2
X	WO 2004/050619 A1 (GLAXO GROUP LIMITED) 2004.06.17 138 頁 E80 etc. & CA 2508325 A & EP 1567488 A1 & BR 2003017020 &	1, 2
	NO 2005003263 A	1
X	WO 2003/072535 A2 (ELAN PHARMACEUTICALS INC.) 2003.09.04 ex. 326 etc. & CA 2477607 A & EP 1503980 A2 & BR 2003007998 A & JP 2005-519082 A & NO 2004004046 A	1, 2
X	WO 2003/040096 A2(ELAN PHARMACEUTICALS INC.) 2003.05.15 Claims, RN=527718-05-4 etc. & CA 2466284 A & US 2004/171881 A1 & EP 1453789 A2 & BR 2002014035 A & JP 2005-520791 A & NO 2004002359 A	1, 2
Х	WO 2002/098849 A2(ELAN PHARMACEUTICALS INC.) 2002.12.12 Claim 14, p.323 line 3 etc. & CA 2448834 A & US 2003/166717 A1 & EP 1395551 A2 & BR 2002010122 A & JP 2004-535421 A	1, 2
х .	WO 2003/041563 A2 (BE ABLE LLC) 2003. 05. 22 Claim 5 etc. & US 2002/091145 A1 & CA 2429901 A & AU 2001018105 A & EP 1347778 A1 & CA 2466355 A & JP 2004-525867 A & EP 1453510 A2 & JP 2005-511615 A	1, 2
х	JP 2004-502669 A (イーラン ファーマスーティカルズ、インコーポレイテッド) 2004.01.29 claim 23, p. 37 line 13 etc. & W0 2002/002512 A2 & CA 2410651 A & AU 2001073137 A & US 2002/128255 A1 & RR 2001012000 A & EP 1353698 A2 & EE 20020716 A & NZ 522899 A & EP 1586556 A2 & NO 20020006199 A	1, 2
х	WO 98/09523 A1(MASSACHUSETTS INSTITUTE OF TECHNOLOGY) 1998.03.12 p.13 etc. & CA 2279651 A & EP 1006798 A1	1, 2
х	WO 94/07144 A1 (UNITED STATES DEPT. OF HEALTH AND HUMAN SERVICES) 1994. 03.31 p.14 line 15 etc. & AU 9351353 A	1, 2

### 国際調査報告

国際出願番号 PCT/JP2005/019645

	国际同堂和古	骨号 FCI/ JF20	00,019040
C(続き).	関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関	連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
х	JP 1-238524 A (三井東圧化学株式会社) 1989.09 EP 333522 A2 & JP 2-53767 A & JP 7-20929 A & DK 8901303 A & NO 8901191 A & AU 8931443 A & US 5232923 A	FI 8901227 A &	1, 2
		*	
			*

第11欄 請求の範囲の一部の調査ができないときの意見(第1ページの2の続き)
法第8条第3項 (PCT17条(2)(a)) の規定により、この国際調査報告は次の理由により請求の範囲の一部について作成しなかった。
1. 「 請求の範囲 は、この国際調査機関が調査をすることを要しない対象に係るものである。
つまり、
•
   2.
ない国際出願の部分に係るものである。つまり、
請求の範囲3に記載された式(1')のROa'、式(3')のROc'について定義されておらず化学構造が不明であるため、これらの化合物に関する部分の発明は不明である。
3. 「請求の範囲」 は、従属請求の範囲であってPCT規則6.4(a)の第2文及び第3文の規定に 従って記載されていない。
第皿欄 発明の単一性が欠如しているときの意見(第1ページの3の続き)
次に述べるようにこの国際出願に二以上の発明があるとこの国際調査機関は認めた。
特別ページ参照
·
<ol> <li>出版人が必要な追加調査手数料をすべて期間内に終付したので、この国際調査報告は、すべての調査可能な請求の起源について作成した。</li> </ol>
2. 「 追加調査手数料を要求するまでもなく、すべての調査可能な請求の範囲 について調査することができたので、追 加調査手数料の納付を求めなかった。
3. 出願人并必要な追加願在手数料を一部のみしか期間内に給付しなかったので、この国際顕査報告は、手数料の納付のあった次の請求の範囲のみについて作成した。
<ol> <li>出頭人が必要な追加調査手数料を期間内に給付しなかったので、この国際調査報告は、請求の範囲の最初に記載されている発明に係る次の簡素の範囲について作成した。</li> </ol>
・ 特別ページ参照
追加調査手数料の異識の申立てに関する注意 □ 追加調査手数料及び、該当する場合には、異議申立手数料の納付と共に、出願人から異議申立てがあった。
□ 追加製査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがあったが、異議・申立手数料が納付命令告に示した期間
内に支払われなかった。 「原」・資加別を主動料の納付を住う異路由立てがなかった。





#### 国際網查報告

### 第 III 欄の続き

(A) 請求の範囲1に記載された式I~VIIIで表される化合物は、本願明細書にも記載さ れるように、公知の化合物である。したがって、これら化合物は互いに特別な技術的特徴を含む技術的な関係にないから、請求の範囲1には、式1~VIIIで表される8の発明が記載さ れている。なお、請求の範囲1には、「NCSタンパク質に対する結合能を有する」と記載さ れているが、かかる記載は単に化合物の性質を示したに過ぎず、式I~VIIIで表される化 学構造を有する化合物は請求の範囲1に記載された発明に該当する

(B) 同様に、請求の範囲3に記載された式(2')で表される化合物は、(2 a') ~ (2 r') で表される18の化学構造のいずれかを有するものであるが、これらが特別な技術的特徴を含む技術的な関係を有するものとは認められず、同(6')で表される化合物は、(6 a')~(6 g') で表される7の化学構造のいずれかを有するものであるが、これらが特別な技術的特徴を含む技術的な関係を有するものとは認められず、同 (8 a') ~ (8 j') の10種で表され る化合物は、特別な技術的特徴を含む技術的な関係を有するものとは認められず、同式(2')、 $(4') \sim (1\ 1')$ で表される化合物は互いに特別な技術的特徴を含む技術的な関係を有する

ものとは認められないから、請求の範囲3には41の発明が記載されている。 (C)請求の範囲4に記載された式(1)又は(3)で示される化合物については、下記「4 について」で示すように、対応する請求の範囲3に記載された発明が不明のものであり、これ ら化合物についての発明は、互いに、また、請求の範囲4に記載された他の式で表される化合 物に関する発明とは特別な技術的特徴を含む技術的な関係を有するものではないから、2の発 明を形成する。

(D)請求の範囲5~37に記載された発明は、NCSタンパク質遺伝子の発現又は機能の調節の有無、NCS又はその変異タンパク質に対するNCSタンパク質標的薬物の結合能の調節 別が行流、パロストルス・シー・ターにあっている。 の有無に関連した「スクリーニング方法」、該スクリーニンク方法により得られる「物質」、該 物質を含有する「薬理作用の関節剤」等に関するものである。 (E)請求の範囲38~4 0 に配載された発明は、薬砂とNCSまたはその変異タンパク質を 含む「被合体」、その「製造方法」、「キット」に関するものである。

そして、NCSタンパク質自体が公知であることも考慮すると、上記(A)~(E)で指摘 した発明群間にも特別な技術的特徴を含む技術的な関係は存在しない。

したがって、本出願は単一性を有するものではなく、請求の範囲1~40は53の発明を包 含する。

この国際調査報告は請求の範囲1に記載された式(1)で表される化合物又はその塩、並び に請求の範囲2に記載された式(1)で表される化合物又はその医薬として許容される塩を有 効成分として含有する認知症の治療又は予防薬の発明について作成した。